# BLOOM-FILTER + LOCALITY-SENSITIVE HASHING

MÉTODOS PROBABILÍSTICOS PARA ENGENHARIA INFORMÁTICA

#### Universidade de Aveiro

Pedro Martins 76551 Ricardo Jesus 76613

17 de Dezembro de 2015



### Bloom-filter + Locality-Sensitive Hashing

DEPARTAMENTO DE ELECTRÓNICA, TELECOMUNICAÇÕES E INFORMÁTICA UNIVERSIDADE DE AVEIRO

Pedro Martins 76551, pbmartins@ua.pt Ricardo Jesus 76613, ricardojesus@ua.pt

17 de Dezembro de 2015

Resumo

ABSTRACT

# Conteúdo

1	Introdução												1	
2	Blo	Bloom-filter											2	
	2.1	Testes												4
		2.1.1	Distribuição de funções de hashing .											4
		2.1.2	Correlação das funções de hashing .											5
		2.1.3	Independência das funções de hashing	1										5
		2.1.4	Número ideal de funções de hashing											6
		2.1.5	Número ideal do vetor de bits											7
		2.1.6	Testes práticos do Bloom-filter											8
	2.2	Localit	v-Sensitive Hashing											9

# Lista de Figuras

2.1	Resultados das distribuições das k funções de hashing	4
2.2	Resultados do teste de correlação de ${\tt k}$ funções de ${\it hashing}$	5
2.3	Resultados do teste de independência de k funções de hashing	6
2.4	Resultados do teste do valor ideal de funções de hashing (k) .	7
2.5	Resultados o teste do tamanho ideal do vetor de bits (arraySize	
	/ n)	8
2.6	Resultados ideias do tamanho ideal do vetor de bits (arraySize	
	/ n)	9
2.7	Resultados da execução de test biq BloomFilter.m	9

## Capítulo 1

# Introdução

Na área da informática, muitas vezes é necessário saber se algo pertence a conjunto de forma eficiente. Em muitas linguagens de programação, a maneira mais comum seria percorrer todo o conjunto e comparar, um a um, todos os elementos até encontrar o que se inicialmente andava à procura. No entanto, este método é deveras ineficiente, principalmente se se estiver a trabalhar com conjuntos com milhões ou mais elementos, e aí que surgem os Bloom-filters.

Este filtros usam uma ou várias funções de *hashing* para determinar a pertença de um elemento no *set*. São muito utilizados em grandes conjuntos de dados e em diversas aplicações como o corretor ortográfico dos computadores, *smartphones*, etc., análise textual, entre outras. Contudo, é um método probabilístico com um valor de erro associado.

Neste trabalho, foi desenvolvido em Matlab um Bloom-filter e desenhada uma interface para um função de hashing desenhada em C++ para atingir este objetivo.

### Capítulo 2

# Bloom-filter

Os *Bloom-filters* usam uma ou várias funções de *hashing* para determinar a pertença de um elemento no *set*. Deste modo, mesmo que se opere sobre um conjunto com milhões ou milhães de milhões de elementos, será sempre um processo muito mais eficiente do que se se iterasse sobre todo o *set* à procura do elemento em questão (dependendo também do número e da qualidade das funções de *hashing* utilizadas).

No entanto, é um método probabilístico, e tem um erro associado. Na criação de um *Bloom-filter* define-se sempre um erro máximo esperado, erro esse que apenas ocorre na "inclusão", isto é, um membro que à partida já se saiba que pertença ao conjunto nunca será considerado não pertencente, mas alguns membros que, à partida, se saiba que não estão no *set*, podem ser considerados como pertencentes ao conjunto.

Para diminuir esse erro, por norma, para além de aumentar o tamanho do set, usa-se um número variado de funções de hashing descorrelacionadas entre si, em vez de utilizar apenas uma. Isto permite que os resultados do hashing estejam mais dispersos por todo o vetor. Neste caso, em vez de utilizarmos k funções diferentes, utilizaremos a família de funções FarmHash, desenvolvida pela Google, em que um dos argumentos, a seed, especifica cada uma das funções.

Na implementação do filtro neste trabalho (*BloomFilter.m*) foi desenvolvida uma classe, baseada num *Counting Bloom-filter* (conta-se o número de vezes que cada elemento é adicionado ao filtro), com 5 atributos:

k Número de funções de hashing utilizadas.

byteArray Limite de vezes que o contador de cada posição é incrementado (255).

arraySize Tamanho do vetor de bits.

amountAdded Número total de elementos adicionados ao /array].

**expectedMaxSize** Tamanho do conjunto que se pretende adicionar do vetor.

No construtor da classe, são calculados os valores do tamanho do vetor (arraySize) e do número de funções de *hash* necessárias, consoante os valores passados como argumentos do próprio construtor, a probabilidade de falsos positivos, isto é, o erro esperado (falsePositiveProbability) e o tamanho do conjunto que se pretende adicionar ao vetor (expectedMaxSize).

Assumindo que a probabilidade de falsos positivos p é

$$p = \left(1 - e^{-\frac{km}{n}}\right)^k$$

e, usando o tamanho do vetor de bits n e o tamanho do conjunto que queremos adicionar ao filtro m,

$$a = \left(1 - \frac{1}{n}\right)^m$$

para determinar o número k ótimo de funções de hashing que se devem utilizar, deduz-se que

$$\ln p = k * \ln \left( 1 - a^k \right) \Leftrightarrow k = \frac{n * \ln 2}{m}$$

A partir das fórmulas acima encontradas, também se deduz que

$$n = \frac{m * \ln\left(\frac{1}{p}\right)}{(\ln 2)^2}$$

Para além do construtor, existem também métodos para adicionar e verificar a existência de elementos no filtro.

**getIndexes** Devolve os vários índices para os quais a função de *hashing* aplicada à *string* passada como argumento aponta.

add Adiciona um elemento ao filtro.

contains Verifica se o elemento passado como argumento existe no filtro (poderá haver ocorrência de falsos positivos).

**count** Devolve o número de vezes que um dado elemento foi adicionado ao vetor.

remove Remove do filtro, caso exista, o elemento passado como argumento.

maxCount Devolve o número máximo de vezes que um elemento foi adicionado ao vetor.

minCount O inverso da função maxCount.

Setters Coleção de funções utilizadas para modificar os atributos do *Bloom-filter*, caso o campo debug (argumento passado ao construtor) esteja com o valor 1.

#### 2.1 Testes

Para testar este módulo, foram desenvolvidos diversos, de entre os quais uns para verificar qual seria o número ideal de funções de hashing (k) e outro para verificar o tamanho ideal do vetor de bits (n).

No entanto, também foram realizados outros testes relativamente às funções de hashing utilizadas pelo Bloom-filter.

#### 2.1.1 Distribuição de funções de hashing

Este módulo  $(test\_hashFunction\_distribution.m)$  tem como principalmente objetivo provar que as funções de hashing têm uma distribuição uniforme, para diversos valores de k (neste caso, irá variar entre 1 e 10).

A família de funções de *hashing* usada tanto no filtro como nos testes é designada por *FarmHash*, desenvolvida pela Google. Foi apenas criada uma interface para que pudesse ser usada em Matlab.

Neste teste, foi gerado um conjunto de *strings* aleatórias, usando a função generateStrings, que aceita como argumentos o tamanho do conjunto que devolverá e o tamanho máximo das *strings* que irá gerar (caso o terceiro argumento seja 0, elas terão tamanho fixo, caso contrário, será definido como tamanho máximo), e gerados diversos valores de *hashing*, consoante os diversos elementos do conjunto e da seed correspondente.

As distribuições para cada valor de k deverão ser o mais uniformes possíveis, e os resultados comprovam-no, tal como se pode ver nos histogramas da Figura 2.1.

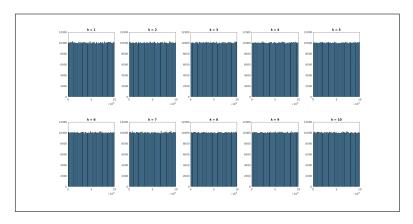


Figura 2.1: Resultados das distribuições das k funções de hashing

#### 2.1.2 Correlação das funções de hashing

Para que se possam ser utilizar as várias funções de *hashing*, é necessário que as mesmas sejam descorrelacionadas, isto é, que o coeficiente de correlação seja 0. No entanto, neste caso, considerar-se-á um erro de 0.01 (é quase impossível que os valores sejam iguais a zero, portanto, aceita-se esta ligeira variação).

Este módulo encontra-se no ficheiro test\_hashFunction\_correlation.m e, tal como noutros testes, gerar-se-á um set de strings aleatórias e os respetivos valores de hashing para diferentes valores de k, a variar entre 1 e 10. Foi também criada uma matriz de dimensões k por numTests, isto é, cada linha terá diferentes valores de hashing para um mesmo valor de k. De seguida, calcular-se-ão os coeficientes de correlação entre de cada conjunto de hash codes (linha) desses mesmos valores com o auxílio da função corrcoef (calcula o coeficiente de correlação entre dois conjuntos, neste caso, duas linhas distintas).

Por fim, é gerado um gráfico recorrendo à função surf para mostrar os valores de correlação resultantes. Como verificamos, todos os valores situam-se abaixo do erro assumido (à exceção dos valores em que assumimos o mesmo valor de k, isto é, compararmos a mesma linha, sendo que, nesse caso, o valor será 1), daí se poder considerar que as funções de hashing são descorrelacionadas, tal como se pretendia.

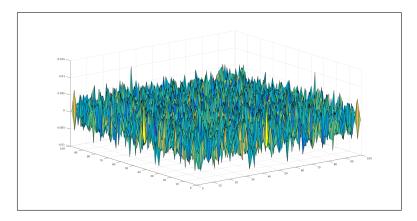


Figura 2.2: Resultados do teste de correlação de k funções de hashing

#### 2.1.3 Independência das funções de hashing

Para além do teste de correlação, foi também efetuado um teste de independência das funções de hashing (test\_hashFunction\_independence.m), adaptado da implementação do professor António Teixeira. A independência implica descorrelação, e com isto, pode-se provar com qualquer um dos testes que as funções são descorrelacionadas. O objetivo é provar que cada

par de colunas é independente entre si.

Primeiramente, é criado um set de cem mil strings aleatórias e, seguidamente, outra matriz dos respetivos  $hash\ codes$  com k (neste teste, k = 10) diferentes seeds, utilizando a família de funções FarmHash, de tamanho k (número de funções de hashing que se pretende aplicar) por N (número de testes que se pretendem executar). De seguida, é gerado um vetor de 10 elementos linearmente espaçados (x) entre 0 e N, e, para cada par de colunas, é criada uma matriz (pmf) de dimensão length(x) - 1 / length(x) - 1. Depois, guarda-se em cada elemento da matriz o número de elementos das colunas de  $hash\ codes$  que se situam num mesmo intervalo (esse intervalo é definido pelo vetor x já criado).

Por fim, é calculada a matriz de probabilidade conjunta de duas colunas  $(PMF - Probability\ Mass\ Function)$ , e, a partir da mesma, são calculados os vetores de probabilidade individuais de cada uma das colunas. Finalmente, é calculado o resultado da multiplicação destes dois últimos vetores (dois acontecimentos A e B são independentes se P(A&B) = P(A)\*P(B)), e compara-se com a matriz de probabilidade conjunta.

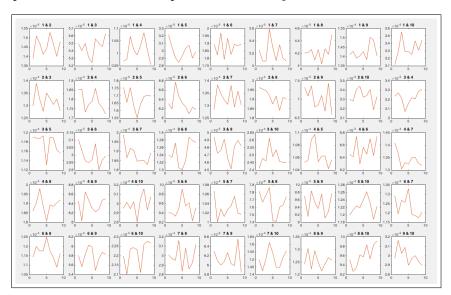


Figura 2.3: Resultados do teste de independência de k funções de hashing

Como os valores da variação de resultados são mínimos (como se observa na Figura 2.3 todos os valores rondam os 10<sup>-4</sup>), podemos considerar que a família de funções é independente, o que nos leva a concluir que são descorrelacionadas.

#### 2.1.4 Número ideal de funções de hashing

O programa de teste para o valor de k ideal encontra-se com o nome  $test\ optimal K.m.$ 

Começa-se por criar uma instância da classe de *Bloom-filter* anteriormente desenvolvida (com o campo debug inicializado a 1, para que se possam utilizar as funções de alteração de valores) e gerar dois conjuntos (um dos quais será adicionado ao filtro, outro não) distintos de cem mil (valor que pode ser alterado) *strings* (como poderá haver *strings* iguais nos *sets*, o tamanho será sempre ligeiramente inferior ao definido anteriormente). De seguida, define-se o tamanho do vetor de *bits* do filtro como oito vezes maior do que o tamanho dos conjuntos de *strings* gerados.

Por fim, itera-se sobre um vetor de k que se definira anteriormente (neste caso, é um vetor com valores de 1 a 15) e, cada ciclo, define-se um k no *Bloom-filter*, adiciona-se os elementos do vetor incialmente escolhido como aquele que se iria adicionar ao filtro e verifica-se se algum dos elementos do outro conjunto de *strings* pertence ou não ao filtro. Caso pertença, é incrementado um contador, para, no final do ciclo, ser calculada a probabilidade de falsos positivos.

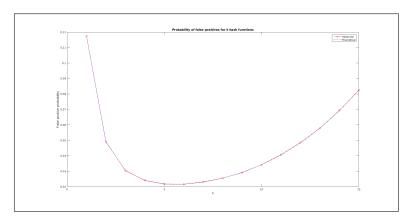


Figura 2.4: Resultados do teste do valor ideal de funções de hashing (k)

De acordo com o gráfico da Figura 2.4, usando a fórmula

$$p = \left(1 - e^{-\frac{km}{n}}\right)^k$$

para determinar a probabilidade de falsos positivos (teórica) para diferentes valores de k e usando os valores do teste acima, verificamos que as diferenças entre o valor teórico e observado são mínimas (o que significa que a função de *hashing* devolve excelentes resultados, mas isso será abordado mais abaixo), e que o valor ideal é 6, para a função de *hashing* em questão. Para uma função diferente, os valores poderão diferir.

#### 2.1.5 Número ideal do vetor de bits

O módulo para o teste do valor ideal do tamanho do vetor  ${\tt n}$  encontra-se no ficheiro  $test\ optimal N.m.$ 

Tal como no teste do Subseção 2.1.4, também são criados dois conjuntos de strings aleatórias com o mesmo propósito, um para ser adicionado ao filtro e o outro não. É também criado um vetor com diferentes valores de n, que vão desde o tamanho dos conjuntos de strings até 10 vezes esse valor, com uma diferença de metade do mesmo valor entre cada.

De seguida, itera-se sobre os valores deste último vetor de valores e vai-se criando uma instância de um *Bloom-filter* com os valores de n (arraySize) e k (depende do tamanho do vetor) a cada passagem. Adiciona-se um dos conjuntos de *strings*, verifica-se a existência dos elementos do outro que não foi adicionado e, por fim, calcula-se a probabilidade de falsos positivos, tal como no teste anterior.

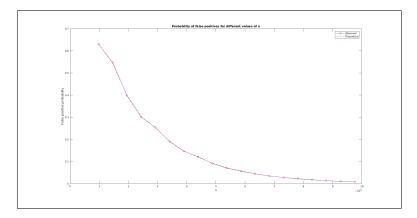


Figura 2.5: Resultados o teste do tamanho ideal do vetor de bits (arraySize / n)

Como se verifica no gráfico da Figura 2.5, à medida que o tamanho do *array* aumenta, a probabilidade de falsos positivos diminui, isto é, são inversamente proporcionais.

Os valores ideias são os presentes na Figura 2.6

#### 2.1.6 Testes práticos do Bloom-filter

Foram desenvolvidos dois módulos semelhantes para um teste mais direcionado ao uso real de um *Bloom-filter*. Estão em dois ficheiros distintos, test\_big\_BloomFilter.m e test\_small\_BloomFilter.m.

O primeiro segue o modelo dos testes anteriores, em que se gera dois sets de um certo tamanho (neste caso, cem mil elementos) de strings aleatórias, cria-se uma instância de um Bloom-filter com uma probabilidade de falsos positivos de 0.0001%, adiciona-se um dos conjuntos ao filtro e verifica-se a existência de falsos positivos. Por fim, compara-se o resultado observado da probabilidade de falsos positivos com a que se definiu aquando a criação do filtro. O objetivo é que os resultados sejam o mais próximos possíveis, algo que se conseguiu atingir em ambos os testes.

```
Testing for n = 683137... Completed.
Testing for n = 731933... Completed.
Testing for n = 780728... Completed.
Testing for n = 829524... Completed.
Testing for n = 878319... Completed.
Testing for n = 927115... Completed.
Testing for n = 975910... Completed.

Minimal probability of false positives (observed): 0.008185
Optimal n (observed): 975910

Minimal probability of false positives (thoeretical): 0.008194
Optimal n (theoretical, that would have been used by default): 975881
```

Figura 2.6: Resultados ideias do tamanho ideal do vetor de bits (arraySize / n)

No segundo teste (small), contrariamente ao primeiro em que se geram os conjuntos, definem-se conjuntos muito pequenos inicialmente e, depois, executa-se o mesmo processo que o anterior.

```
Generated strings with maximum random length: 50
Probability of false positive: 0.000100
Length of the set to add (m): 97661

97661 randomly generated strings added to the filter.

97661 strings that were previously added are probably in the set.
0 strings that were previously added are not in the set.

12 strings that were not added are probably in the set.
96860 strings that were not added are not in the set.
Probability of false positives (observed): 0.000124
```

Figura 2.7: Resultados da execução de test big BloomFilter.m

#### 2.2 Locality-Sensitive Hashing

# Referências

- [1] Hammond organ, http://en.wikipedia.org/wiki/Hammond\_organ, 2015.
- [2] Synthesizing hammond organ effects, http://www.soundonsound.com/sos/jan04/articles/synthsecrets.htm, 2015.
- [3] Synthesizing tonewheel organs, http://www.soundonsound.com/sos/nov03/articles/synthsecrets.htm, 2015.