PROVA 2 DE PROCESSO ESTOCÁSTICOS



Rafael de Acypreste (200060023) e Rafael Lira (190115858)

Professor Felipe Quintino

1Questão 1



1.1 Aplicação ao modelo empírico

Trata-se de um modelo para avaliar as probabilidades de transição entre os estados de precipitação de chuvas.

```
# Importing data
dados <-
    read.delim("dados.txt",
        header = TRUE,
        sep = ";"
    ) |>
    select(-X) |>
    filter(!is.na(Precipitacao))

# Summary statistics
dados$Precipitacao |> summary()
```

```
Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max. 0.000 0.000 0.000 4.173 2.400 131.000
```

O primeiro passo é discretizar a variável de precipitação, que é feita com a função cut () do pacote base. Para esse exemplo, a variável será dividida em 3 categorias: sem chuva (precipitação até 0,1), chuva fraca (precipitação maior que 0,1 e menor que 10) e chuva forte.

```
# Discretization of the variable
quantiles <- quantile(dados$Precipitacao,
    probs = seq(0.7, 0.9, length.out = 3)
breaks <- c(-Inf, 0.001, quantiles, Inf)</pre>
state_labels <- factor(</pre>
    c(
        "sem chuva",
        "garoa",
        "chuva fraca",
        "chuva moderada",
        "chuva forte"
    ),
    levels = c(
        "sem chuva",
        "garoa",
        "chuva fraca",
        "chuva moderada",
        "chuva forte"
    )
)
```



```
# Discretization
dados <-
    dados |>
    # Discretization
    mutate(rain_status = cut(Precipitacao,
        breaks = breaks,
        labels = state_labels
))
```

Para esse exemplo, serão separadas as 10 últimas observações para avaliar as estimações.

```
dados_teste <- tail(dados, 10)
dados_treinamento <- dados[1:(nrow(dados) - 10), ]</pre>
```

Para estimar as transições de estado, é necessário criar uma variável que identifique o estado atual e o estado seguinte. Para isso, é necessário criar uma variável defasada, que pode ser feita com a função lag() do pacote dplyr. Depois disso, basta avaliar as proporções das transições de estado.

A matriz de transição estimada entre os estados sem chuva, garoa, chuva fraca, chuva moderada, chuva forte, nesta ordem, é dada por:

$$P = \begin{pmatrix} 0.822 & 0.041 & 0.051 & 0.045 & 0.04 \\ 0.334 & 0.12 & 0.186 & 0.177 & 0.183 \\ 0.306 & 0.133 & 0.187 & 0.184 & 0.19 \\ 0.306 & 0.121 & 0.171 & 0.193 & 0.21 \\ 0.282 & 0.118 & 0.174 & 0.204 & 0.223 \end{pmatrix}$$
 (1.1)

Agora, pode-se recuperar a matriz de transição para fazer as estimativas de transição de estado.

```
# Transition matrix
matriz_transicao <-
    transicoes_chuva |>
    select(-n) |>
    pivot_wider(
```



```
names_from = rain_status_lag,
    values_from = Prop
) |>
    column_to_rownames("rain_status") |>
    as.matrix()

ultimo_estado <- dados_treinamento |>
    tail(1) |>
    pull(rain_status)
```

Com a matriz de transição, basta considerar o último estado dos dados (garoa) — consequência da propriedade de Markov — de treinamento para fazer as estimativas de transição de estado.

```
simula_cadeia_markov <- function(n = 10,</pre>
                                   valor_inicial,
                                   matriz_transicao,
                                   estados) {
    P <- matriz_transicao
    y <- valor_inicial
    # Simulation of the stochastic process
    for (i in 1:n) {
        # Sample of the next state
        y[i + 1] \leftarrow sample(estados, size = 1, prob = P[y[i], ])
    }
    return(y[-1])
}
# Excecution of the function
previsoes <- simula_cadeia_markov(</pre>
    valor_inicial = ultimo_estado,
    matriz_transicao = matriz_transicao,
    estados = state_labels,
    n = 10
)
```

E, então, pode-se comparar as previsões com os dados de teste. Para o gráfico, os acertos são indicados pela linha tracejada vermelha.

```
comparacao <-
    data.frame(
        observado = dados_teste$rain_status,
        previsao = previsoes
    )

# Imprime a tabela
comparacao</pre>
```

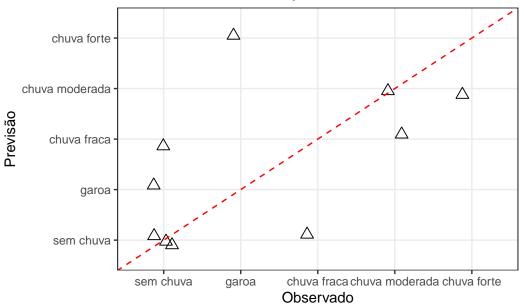
```
observado previsao
chuva moderada chuva moderada
chuva fraca
chuva forte chuva moderada
```



```
4
        sem chuva
                            garoa
5
        sem chuva
                     chuva fraca
6
        sem chuva
                        sem chuva
7
        sem chuva
                        sem chuva
                        sem chuva
8
        sem chuva
9
      chuva fraca
                        sem chuva
10
            garoa
                      chuva forte
```

```
# Constroi o gráfico
comparacao |>
    ggplot(aes(x = observado, y = previsao)) +
    geom_jitter(
        size = 3, shape = 2,
        width = 0.15, height = 0.15
    ) +
    geom_abline(
        intercept = 0,
        slope = 1,
        color = "red",
        linetype = "dashed"
    ) +
    theme_bw() +
    labs(
        x = "Observado",
        y = "Previsão",
        title = "Previsões vs. Observações"
    )
```

Previsões vs. Observações



UnB

Questão 2

Aplicação ao modelo empírico

Trata-se de um modelo para avaliar o comportamento dos preços de fechamentos dos valores das ações do BBAS3 no ano de 2023.

[1] "BBAS3.SA"

```
# Check the loaded data and get the closing values
stock_values <- as.vector(Cl(get(stock_symbol)))

# Summary statistics
summary(stock_values)</pre>
```

```
Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max. 32.64 40.78 47.00 45.49 49.07 55.39
```

Obtendo o número de observações no vetor de valores da ação, é possível gerar simulações do movimento Browniano e do processo de Poisson com a mesma quantidade de pontos que a base de dados. Considerando um intervalo de 0 a 1, em anos, é gerado um vetor t relativo ao tempo decorrido do início da contagem ao momento de cada observação. Para simular o movimento Browniano, basta fazer a soma cumulativa de n valores da distribuição Normal padrão, enquanto para o processo de Poisson é feita a soma de valores da distribuição Poisson com parâmetro $\lambda=1/n$.

```
n <- length(stock_values) - 1
t <- seq(0, 1, length.out = n + 1)
B <- c(0, cumsum(rnorm(n, mean = 0, sd = 1)))
N <- c(0, cumsum(rpois(n, lambda = 1 / n)))</pre>
```

Em seguida, é criada uma função para prever a k-ésima observação do modelo, usando os tempos, o histórico do processo, o parâmetro θ e o valor do processo $\xi(t_k)$

```
simulate_Xtk <- function(t, X, theta, csi) {
   timeline <- as.vector(t)
   history <- as.vector(X)
   csi <- as.vector(csi)</pre>
```



```
if (length(timeline) != length(history) ||
    length(timeline) != length(csi) ||
    length(history) != length(csi)) {
    stop("The timeline, the history and the csi vector must have the same length!")
}

n <- length(timeline)

tj <- timeline[-1]
 tj_1 <- timeline[-n]
 Xtj_1 <- history[-n]
 fatork <- Xtj_1 * (tj - tj_1)
 sumk <- cumsum(fatork)
 Xtk <- Xtj_1 - theta * sumk + csi[-1]
 return(Xtk)
}</pre>
```

Para estimar o parâmetro θ por meio do método dos mínimos quadrados, é criada uma função que recebe os mesmos *inputs* da função de simulação, porém retornando a soma de quadrados do resíduo.

```
least_squares <- function(t, X, theta, csi) {
   observed_values <- X[-1]
   predicted_values <- simulate_Xtk(t, X, theta, csi)

   return(sum((observed_values - predicted_values)^2))
}</pre>
```

Utilizando a função optim, e escolhendo um valor inicial inicial para θ , é possível encontrar o ponto onde a soma de quadrados é mínima. Assim, são gerados os estimadores para cada o movimento Browniano e para o processo de Poisson.

```
initial_theta <- 100

(estim_theta_browniano <- optim(
    par = initial_theta,
    fn = least_squares,
    X = stock_values,
    t = t,
    csi = B ## Trajetória do movimento Browniano
)$par)</pre>
```

[1] 0.8203125

```
(estim_theta_poisson <- optim(
   par = initial_theta,
   fn = least_squares,
   X = stock_values,
   t = t,</pre>
```



```
{\tt csi} = N ## Trajet\'oria do processo de Poisson )$par)
```

[1] 0

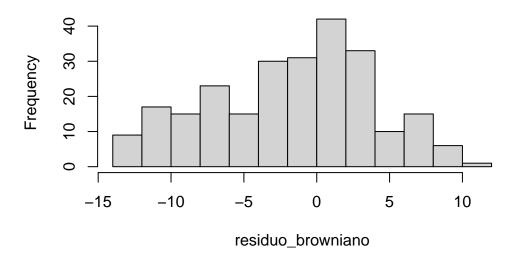
```
X_prev_browniano <- simulate_Xtk(t, stock_values, estim_theta_browniano, B)
X_prev_poisson <- simulate_Xtk(t, stock_values, estim_theta_poisson, N)
residuo_browniano <- stock_values[-1] - X_prev_browniano
shapiro.test(residuo_browniano)</pre>
```

Shapiro-Wilk normality test

```
data: residuo_browniano
W = 0.97536, p-value = 0.0002736
```

hist(residuo_browniano)

Histogram of residuo_browniano



residuo_poisson <- stock_values[-1] - X_prev_poisson
shapiro.test(residuo_poisson)</pre>

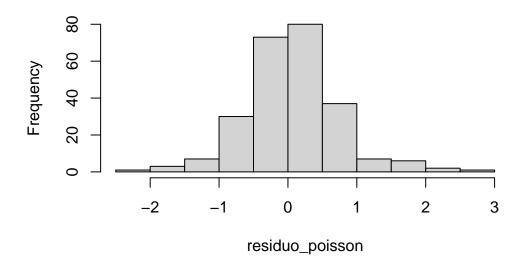
Shapiro-Wilk normality test

data: residuo_poisson
W = 0.9795, p-value = 0.001227

hist(residuo_poisson)



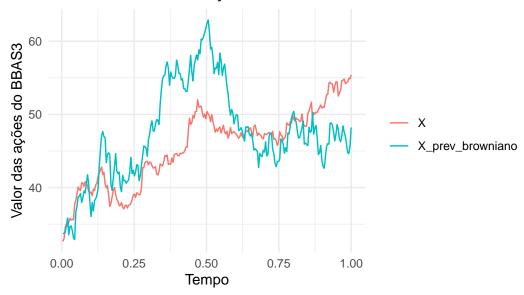
Histogram of residuo_poisson



```
dados_sim |>
  filter(Variavel != "X_prev_poisson") |>
  ggplot() +
  geom_line(aes(x = t, y = Valor, color = Variavel)) +
  labs(x = "Tempo",
        y = "Valor das ações do BBAS3",
        color = NULL,
        title = "Ajuste do modelo de movimento Browniano
        aos dados de ações do BBAS3 em 2023") +
  theme_minimal()
```

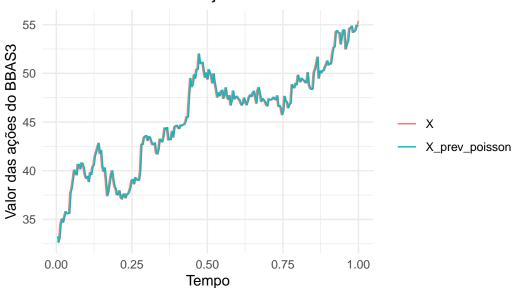


Ajuste do modelo de movimento Browniano aos dados de ações do BBAS3 em 2023



```
dados_sim |>
  filter(Variavel != "X_prev_browniano") |>
  ggplot() +
  geom_line(aes(x = t, y = Valor, color = Variavel)) +
  labs(x = "Tempo",
        y = "Valor das ações do BBAS3",
        color = NULL,
        title = "Ajuste do modelo de processos de Poisson
        aos dados de ações do BBAS3 em 2023") +
  theme_minimal()
```

Ajuste do modelo de processos de Poisson aos dados de ações do BBAS3 em 2023



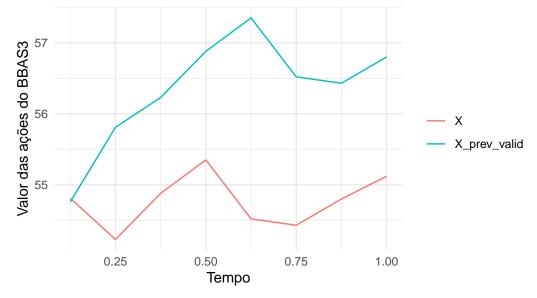
LInR

Previsão de valores de 2024

```
# Define the stock symbol and specify the start and end dates
  start_date_valid <- "2024-01-01"
  end_date_valid <- "2024-01-15"
  # Use getSymbols to fetch historical stock data
  getSymbols(stock_symbol,
      src = "yahoo",
      from = start_date_valid,
      to = end_date_valid
  )
[1] "BBAS3.SA"
  # Check the loaded data and get the closing values
  stock_values_valid <- as.vector(Cl(get(stock_symbol)))</pre>
  # Summary statistics
  summary(stock_values)
  Min. 1st Qu. Median
                           Mean 3rd Qu.
                                            Max.
 32.64
        40.78
                47.00
                          45.49
                                  49.07
                                           55.39
  n_valid <- length(stock_values_valid) - 1</pre>
  t_valid <- seq(0, 1, length.out = n_valid + 1)
  N_valid <- c(0, cumsum(rpois(n_valid, 1 / n_valid)))</pre>
  X_prev_valid <- simulate_Xtk(t_valid, stock_values_valid, estim_theta_poisson, N_valid)</pre>
  dados_valid <- data.frame(</pre>
     t = t_valid[-1],
      X = stock_values_valid[-1],
      X_prev_valid = X_prev_valid
  ) |>
  pivot_longer(cols = c(X, X_prev_valid),
               names_to = "Variavel",
               values_to = "Valor")
  dados_valid |>
      ggplot() +
      geom_line(aes(x = t, y = Valor, color = Variavel)) +
      labs(x = "Tempo",
           y = "Valor das ações do BBAS3",
           color = NULL,
           title = "Ajuste do modelo de processos de Poisson aos dados
            de ações do BBAS3 nas primeiras semanas de 2024") +
      theme_minimal()
```



Ajuste do modelo de processos de Poisson aos dados de ações do BBAS3 nas primeiras semanas de 2024





Questão 2 Acypreste

Aplicação ao modelo empírico

Trata-se de um modelo para avaliar o comportamento dos preços de fechamentos dos valores das ações do BBAS3 no ano de 2023.

[1] "BBAS3.SA"

```
# Check the loaded data and get the closing values
stock_values <- as.vector(Cl(get(stock_symbol)))
# Summary statistics
summary(stock_values)</pre>
```

```
Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max. 32.64 40.78 47.00 45.49 49.07 55.39
```

Obtendo o número de observações no vetor de valores da ação, é possível gerar simulações do movimento Browniano e do processo de Poisson com a mesma quantidade de pontos que a base de dados. Considerando um intervalo de 0 a 1, em anos, é gerado um vetor t relativo ao tempo decorrido do início da contagem ao momento de cada observação. Para simular o movimento Browniano, basta fazer a soma cumulativa de n valores da distribuição Normal padrão, enquanto para o processo de Poisson é feita a soma de valores da distribuição Poisson com parâmetro $\lambda=1/n$.

```
n <- length(stock_values) - 1
t <- seq(0, 1, length.out = n + 1)
B <- c(0, cumsum(rnorm(n, mean = 0, sd = 1)))
N <- c(0, cumsum(rpois(n, lambda = 1)))</pre>
```

Em seguida, é criada uma função para prever a k-ésima observação do modelo, usando os tempos, o histórico do processo, o parâmetro θ e o valor do processo $\xi(t_k)$

```
simulate_Xtk <- function(t, X, theta, csi) {
   timeline <- as.vector(t)
   history <- as.vector(X)
   csi <- as.vector(csi)</pre>
```



```
if (length(timeline) != length(history) ||
    length(timeline) != length(csi) ||
    length(history) != length(csi)) {
    stop("The timeline, the history and the csi vector must have the same length!")
}

n <- length(timeline)

tj <- timeline[-1]
 tj_1 <- timeline[-n]
 Xtj_1 <- history[-n]
 fatork <- Xtj_1 * (tj - tj_1)
 sumk <- cumsum(fatork)
 Xtk <- Xtj_1 - theta * sumk + csi[-1]
 return(Xtk)
}</pre>
```

Para estimar o parâmetro θ por meio do método dos mínimos quadrados, é criada uma função que recebe os mesmos *inputs* da função de simulação, porém retornando a soma de quadrados do resíduo.

```
least_squares <- function(t, X, theta, csi) {
   observed_values <- X[-1]
   predicted_values <- simulate_Xtk(t, X, theta, csi)

   return(sum((observed_values - predicted_values)^2))
}</pre>
```

Utilizando a função optim, e escolhendo um valor inicial inicial para θ , é possível encontrar o ponto onde a soma de quadrados é mínima. Assim, são gerados os estimadores para cada o movimento Browniano e para o processo de Poisson.

```
initial_theta <- 100

(estim_theta_browniano <- optim(
   par = initial_theta,
   fn = least_squares,
   X = stock_values,
   t = t,
   csi = B ## Trajetória do movimento Browniano
)$par)</pre>
```

[1] 0.01953125

```
(estim_theta_poisson <- optim(
    par = initial_theta,
    fn = least_squares,
    X = stock_values,
    t = t,</pre>
```



```
\mathtt{csi} = \mathbb{N} ## Trajet\'oria do processo de Poisson )\mathtt{par})
```

[1] 5.9375

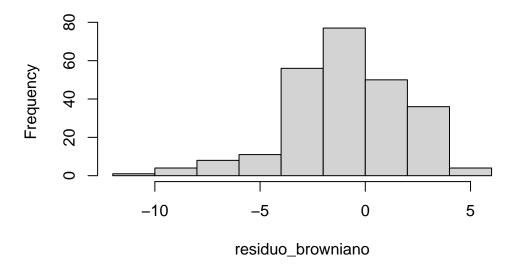
```
X_prev_browniano <- simulate_Xtk(t, stock_values, estim_theta_browniano, B)
X_prev_poisson <- simulate_Xtk(t, stock_values, estim_theta_poisson, N)
residuo_browniano <- stock_values[-1] - X_prev_browniano
shapiro.test(residuo_browniano)</pre>
```

Shapiro-Wilk normality test

```
data: residuo_browniano
W = 0.97457, p-value = 0.000208
```

hist(residuo_browniano)

Histogram of residuo_browniano



residuo_poisson <- stock_values[-1] - X_prev_poisson
shapiro.test(residuo_poisson)</pre>

Shapiro-Wilk normality test

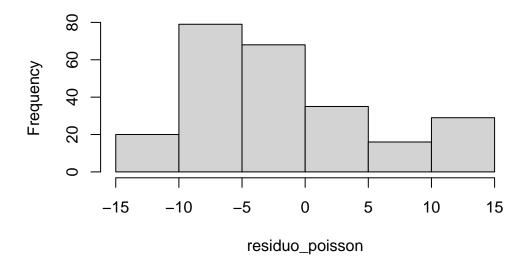
data: residuo_poisson
W = 0.93173, p-value = 2.835e-09

hist(residuo_poisson)



Uni

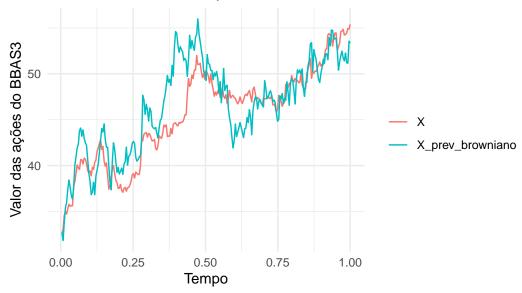
Histogram of residuo_poisson



```
dados_sim |>
  filter(Variavel != "X_prev_poisson") |>
  ggplot() +
  geom_line(aes(x = t, y = Valor, color = Variavel)) +
  labs(x = "Tempo",
        y = "Valor das ações do BBAS3",
        color = NULL,
        title = "Ajuste do modelo de movimento Browniano
        aos dados de ações do BBAS3 em 2023") +
  theme_minimal()
```

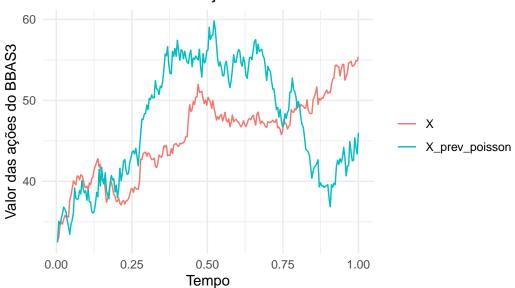


Ajuste do modelo de movimento Browniano aos dados de ações do BBAS3 em 2023



```
dados_sim |>
  filter(Variavel != "X_prev_browniano") |>
  ggplot() +
  geom_line(aes(x = t, y = Valor, color = Variavel)) +
  labs(x = "Tempo",
        y = "Valor das ações do BBAS3",
        color = NULL,
        title = "Ajuste do modelo de processos de Poisson
        aos dados de ações do BBAS3 em 2023") +
  theme_minimal()
```

Ajuste do modelo de processos de Poisson aos dados de ações do BBAS3 em 2023





Previsão de valores de 2024

Min. 1st Qu. Median

47.00

32.64 40.78

```
# Check the loaded data and get the closing values
stock_values_valid <- as.vector(Cl(get(stock_symbol)))
# Summary statistics
summary(stock_values)</pre>
```

Mean 3rd Qu.

45.49

```
n_valid <- length(stock_values_valid) - 1
t_valid <- seq(0, 1, length.out = n_valid + 1)
N_valid_browniano <- c(0, cumsum(rnorm(n_valid, mean = 0, sd = 1)))
N_valid_poisson <- c(0, cumsum(rpois(n_valid, 1)))</pre>
```

49.07

Max.

55.39

```
X_prev_valid_browniano <- simulate_Xtk(t_valid,</pre>
                                         stock_values_valid,
                                         estim_theta_browniano,
                                         N_valid_browniano)
X_prev_valid_poisson <- simulate_Xtk(t_valid,</pre>
                                       stock_values_valid,
                                       estim_theta_poisson,
                                       N_valid_poisson)
dados_valid <- data.frame(</pre>
    t = t_valid[-1],
    X = stock_values_valid[-1],
    X_prev_valid_browniano = X_prev_valid_browniano,
    X_prev_valid_poisson = X_prev_valid_poisson
pivot_longer(cols = c(X, X_prev_valid_browniano, X_prev_valid_poisson),
             names_to = "Variavel",
             values_to = "Valor")
```



```
dados_valid |>
  filter(Variavel != "X_prev_valid_poisson") |>
  ggplot() +
  geom_line(aes(x = t, y = Valor, color = Variavel)) +
  labs(x = "Tempo",
        y = "Valor das ações do BBAS3",
        color = NULL,
        title = "Ajuste do modelo do Movimento Browniano aos dados
        de ações do BBAS3 nas primeiras semanas de 2024") +
  theme_minimal()
```

Ajuste do modelo do Movimento Browniano aos dados de ações do BBAS3 nas primeiras semanas de 2024

