Open Data Sandbox

AKTIN-Notaufnahmeregister, Robert Koch-Institut

Beitragende

Susanne Drynda¹ (ProjectLeader), Ronny Otto¹ (DataManager), Wiebke Schirrmeister¹ (ProjectLeader), Jonas Bienzeisler² (DataManager), Alexander Kombeiz² (DataCurator), Robert Koch-Institut | Fachgebiet 32, Madlen Schranz³ (Researcher), Theresa Kocher³ (Researcher)

¹AKTIN-Notaufnahmeregister | AKTIN-Geschäftsstelle

Zitieren

Drynda, S., Otto, R., Schirrmeister, W., Bienzeisler, J., Kombeiz, A., Schranz, M., & Kocher, T. (2025). Open Data Sandbox [Data set]. Zenodo. https://doi.org/10.5072/zenodo.171784

Zusammenfassung

Lorem Ipsum Lorem

Inhaltsverzeichnis

²AKTIN-Notaufnahmeregister | AKTIN-IT

³Robert Koch-Institut | Fachgebiet 32

- Open Data Sandbox
 - Beispieltext
 - Hinweise zur Nachnutzung der Daten
 - Appendix

Beispieltext

Lorem ipsum dolor sit amet, consectetuer adipiscing elit. Aenean commodo ligula eget dolor. Aenean massa. Cum sociis natoque penatibus et magnis dis parturient montes, nascetur ridiculus mus. Donec quam felis, ultricies nec, pellentesque eu, pretium quis, sem.

Nulla consequat massa quis enim. Donec pede justo, fringilla vel, aliquet nec, vulputate eget, arcu. In enim justo, rhoncus ut, imperdiet a, venenatis vitae, justo. Nullam dictum felis eu pede mollis pretium. Integer tincidunt. Cras dapibus. Vivamus elementum semper nisi. Aenean vulputate eleifend tellus. Aenean leo ligula, porttitor eu, consequat vitae, eleifend ac, enim. Aliquam lorem ante, dapibus in, viverra quis, feugiat a,

Variablen und Werte

Die Datei Sandbox_Data.tsv enthält die in der folgenden Tabelle abgebildeten Variablen und deren Ausprägungen. Ein maschinenlesbares Datenschema ist im Data Package Standard in tableschema_Sandbox_Data.json hinterlegt:

tableschema_Sandbox_Data.json

Variable	Тур	Ausprägungen	Beschreibung
LINEAGE	string	Beispiel: BA.2	Zugewiesene Pangolin Lineage
WHO_LABEL	string	Beispiel: Omikron	Name der Virusvariante, der von der World Health Organisation vergeben wurde
CONTRIBUTING_LINEAGES	string	Beispiel: JN.13.1	Pangolin Lineages, die von der Lineage abstammen
COLOR	any		Veraltete Variable. Ist nicht mehr relevant und wird persepektivisch entfernt.
variant_category	string	Werte: voc ,	WHO Einstufung der Variante als VOC (variant of concern) oder VOI (variant of interest)

Die Datei Sandbox_Data_Ifs.tsv enthält die in der folgenden Tabelle abgebildeten Variablen und deren Ausprägungen. Ein maschinenlesbares Datenschema ist im Data Package Standard in tableschema_Sandbox_Data_Ifs.json hinterlegt:

$table schema_S and box_Data_lfs.js on$

Variable	Тур	Ausprägungen	Be
igs_id	string	Beispiel: IGS-10099-CVDP- 01A2C74B-54A8-4 7B1-B7E4-6562C6231234	Ein Ide Sea Me zus Die wir ID Sea
date_of_sampling	date	Format: YYYY-MM-DDTHH:MM:SS	Da Pro ISC

sequencing_platform strin	Die See g Beispiel: ILLUMINA Pla
	voi On
sequencing_reason strin	Werte: random, requested, clinical, other aud odd gen cl kon klim ot kei gen
isolation_source strin	Beispiel: Nasopharyngeal swab (specimen)
lab_sequence_id strin	Beispiel: 873a7cc28d29e3f17b0544ea6e9e84 36defe32f6d60649159ee8ac78d414 7ac9 Vol FA: ver
date_of_submission date	Format: YYYY-MM-DDTHH:MM:SS im
version integ	ger Werte: ≥0 Ver sta

prime_diagnostic_lab.demis_lab_ id	string	Beispiel: DEMIS-10099	lde de: pri Lal
prime_diagnostic_lab.postal_ code	string	Beispiel: 50858	Pos pri Lal
sequencing_lab.demis_lab_id	string	Beispiel: DEMIS-10099	lde de: Lal
sequencing_lab.postal_code	string	Beispiel: 50858	Pos sec Lat
lineages	string	<pre>Beispiele: [{'method': 'PANGOLIN_LATEST', 'classification_version': 'PUSHER-v1.28.1', 'tool_version': '4.3', 'lineage': 'BA.2', '@qc_notes': 'Ambiguous_content:0.02', '@is_designated': False, '@qc_status': 'pass', '@conflict': 0.0, '@note': 'Usher placements: BA.2(1/1)'}]</pre>	Par im
<	<u> </u>		>

Metadaten

Zur Erhöhung der Auffindbarkeit sind die bereitgestellten Daten mit Metadaten beschrieben. Über GitHub Actions werden Metadaten an die entsprechenden Plattformen verteilt. Für jede Plattform existiert eine spezifische Metadatendatei, diese sind im Metadatenordner hinterlegt:

Metadaten/

Versionierung und DOI-Vergabe erfolgt über Zenodo.org. Die für den Import in Zenodo bereitgestellten Metadaten sind in der zenodo.json hinterlegt. Die Dokumentation der einzelnen Metadatenvariablen ist unter https://developers.zenodo.org/#representation nachlesbar.

Metadaten/zenodo.json

In der zenodo.json ist neben dem Publikationsdatum ("publication_date") auch der Datenstand in folgendem Format enthalten (Beispiel):

Hinweise zur Nachnutzung der Daten

Offene Forschungsdaten des RKI werden auf Zenodo.org, GitHub.com, OpenCoDE und Edoc.rki.de bereitgestellt:

- https://zenodo.org/communities/robertkochinstitut
- https://github.com/robert-koch-institut
- https://gitlab.opencode.de/robert-koch-institut
- https://edoc.rki.de/

Lizenz

Der Datensatz "Open Data Sandbox" ist lizenziert unter der Creative Commons Namensnennung 4.0 International Public License | CC-BY 4.0 International.

Die im Datensatz bereitgestellten Daten sind, unter Bedingung der Namensnennung des Robert Koch-Instituts als Quelle, frei verfügbar. Das bedeutet, jede Person hat das Recht die Daten zu verarbeiten und zu verändern, Derivate des Datensatzes zu erstellen und sie für kommerzielle und nicht kommerzielle Zwecke zu nutzen. Weitere Informationen zur Lizenz finden sich in der LICENSE bzw. LIZENZ Datei des Datensatzes.

Appendix

Dies ist ein Beispiel-Appendix 🗁 .