

Open Data Sandbox

AKTIN-Notaufnahmeregister, Robert Koch-Institut

Beitragende

Susanne Drynda¹ (ProjectLeader), Ronny Otto¹ (DataManager), Wiebke Schirrmeister¹ (ProjectLeader), Jonas Bienzeisler² (DataManager), Alexander Kombeiz² (DataCurator), Robert Koch-Institut | Fachgebiet 32, Madlen Schranz³ (Researcher), Theresa Kocher³ (Researcher)

¹ AKTIN-Notaufnahmeregister | AKTIN-Geschäftsstelle

²AKTIN-Notaufnahmeregister | AKTIN-IT

³Robert Koch-Institut | Fachgebiet 32

Zitieren

Drynda, S., Otto, R., Schirrmeister, W., Bienzeisler, J., Kombeiz, A., Schranz, M., & Kocher, T. (2025). Open Data Sandbox [Data set]. Zenodo. <https://doi.org/10.5072/zenodo.171784>

Zusammenfassung

[illegible]

Inhaltsverzeichnis

- [Open Data Sandbox](#)
 - [Beispieltext](#)
 - [Hinweise zur Nachnutzung der Daten](#)
 - [Appendix](#)

Beispieltext

Lorem ipsum dolor sit amet, consectetur adipiscing elit. Aenean commodo ligula eget dolor. Aenean massa. Cum sociis natoque penatibus et magnis dis parturient montes, nascetur ridiculus mus. Donec quam felis, ultricies nec, pellentesque eu, pretium quis, sem.

Nulla consequat massa quis enim. Donec pede justo, fringilla vel, aliquet nec, vulputate eget, arcu. In enim justo, rhoncus ut, imperdiet a, venenatis vitae, justo. Nullam dictum felis eu pede mollis pretium. Integer tincidunt. Cras dapibus. Vivamus elementum semper nisi. Aenean vulputate eleifend tellus. Aenean leo ligula, porttitor eu, consequat vitae, eleifend ac, enim. Aliquam lorem ante, dapibus in, viverra quis, feugiat a,

Variablen und Werte

Die Datei [Sandbox_Data.tsv](#) enthält die in der folgenden Tabelle abgebildeten Variablen und deren Ausprägungen. Ein maschinenlesbares Datenschema ist im [Data Package Standard](#) in [tableschema_Sandbox_Data.json](#) hinterlegt:

[tableschema_Sandbox_Data.json](#)

Variable	Typ	Ausprägungen	Beschreibung
LINEAGE	string	Beispiel: BA.2	Zugewiesene Pangolin Lineage
WHO_LABEL	string	Beispiel: Omikron	Name der Virusvariante, der von der World Health Organisation vergeben wurde
CONTRIBUTING_LINEAGES	string	Beispiel: JN.13.1	Pangolin Lineages, die von der Lineage abstammen
COLOR	any		Veraltete Variable. Ist nicht mehr relevant und wird persepektivisch entfernt.
variant_category	string	Werte: VOC , VOI	WHO Einstufung der Variante als VOC (variant of concern) oder VOI (variant of interest)

Die Datei [Sandbox_Data_lfs.tsv](#) enthält die in der folgenden Tabelle abgebildeten Variablen und deren Ausprägungen. Ein maschinenlesbares Datenschema ist im [Data Package Standard](#) in [tableschema_Sandbox_Data_lfs.json](#) hinterlegt:

[tableschema_Sandbox_Data_lfs.json](#)

Variable	Typ	Ausprägungen	Beispiel
igs_id	string	Beispiel: IGS-10099-CVDP-01A2C74B-54A8-47B1-B7E4-6562C6231234	Ein Identifier, der die Sequenznummer des Virus darstellt. Die ID wird von der WHO vergeben.
date_of_sampling	date	Format: YYYY-MM-DDTHH:MM:SS	Das Datum und die Uhrzeit, zu der die Probe entnommen wurde.

			Ze
sequencing_platform	string	Beispiel: ILLUMINA	Die Se Pla vor On
sequencing_reason	string	Werte: random, requested, clinical, other	Gr Du Se ra wu ge re wu Be auf od ge cl kor klin ot kei ge
isolation_source	string	Beispiel: Nasopharyngeal swab (specimen)	DE
lab_sequence_id	string	Beispiel: 873a7cc28d29e3f17b0544ea6e9e84 36defe32f6d60649159ee8ac78d414 7ac9	Vo FA ver
date_of_submission	date	Format: YYYY-MM-DDTHH:MM:SS	Da des im oh
version	integer	Werte: ≥0	Ver sta

prime_diagnostic_lab.demis_lab_id	string	Beispiel: DEMIS-10099	Ide des pri Lab
prime_diagnostic_lab.postal_code	string	Beispiel: 50858	Pos pri Lab
sequencing_lab.demis_lab_id	string	Beispiel: DEMIS-10099	Ide des Lab
sequencing_lab.postal_code	string	Beispiel: 50858	Pos sec Lab
lineages	string	Beispiele: [{ 'method': 'PANGOLIN_LATEST', 'classification_version': 'PUSHER-v1.28.1', 'tool_version': '4.3', 'lineage': 'BA.2', '@qc_notes': 'Ambiguous_content:0.02', '@is_designated': False, '@qc_status': 'pass', '@conflict': 0.0, '@note': 'Usher placements: BA.2(1/1)' }]	Par im

Metadaten

Zur Erhöhung der Auffindbarkeit sind die bereitgestellten Daten mit Metadaten beschrieben. Über GitHub Actions werden Metadaten an die entsprechenden Plattformen verteilt. Für jede Plattform existiert eine spezifische Metadatendatei, diese sind im Metadatenordner hinterlegt:

[Metadaten/](#)

Versionierung und DOI-Vergabe erfolgt über [Zenodo.org](https://zenodo.org). Die für den Import in Zenodo bereitgestellten Metadaten sind in der [zenodo.json](#) hinterlegt. Die Dokumentation der einzelnen Metadatenvariablen ist unter <https://developers.zenodo.org/#representation> nachlesbar.

Metadaten/zenodo.json

In der `zenodo.json` ist neben dem Publikationsdatum (`"publication_date"`) auch der Datenstand in folgendem Format enthalten (Beispiel):

```
"dates": [  
  {  
    "start": "2023-09-11T15:00:21+02:00",  
    "end": "2023-09-11T15:00:21+02:00",  
    "type": "Collected",  
    "description": "Date when the Dataset was created"  
  }  
],
```

Hinweise zur Nachnutzung der Daten

Offene Forschungsdaten des RKI werden auf [Zenodo.org](https://zenodo.org), [GitHub.com](https://github.com), [OpenCoDE](https://gitlab.opencode.de) und [Edoc.rki.de](https://edoc.rki.de) bereitgestellt:

- <https://zenodo.org/communities/robertkochinstitut>
- <https://github.com/robert-koch-institut>
- <https://gitlab.opencode.de/robert-koch-institut>
- <https://edoc.rki.de/>

Lizenz

Der Datensatz "Open Data Sandbox" ist lizenziert unter der [Creative Commons Namensnennung 4.0 International Public License | CC-BY 4.0 International](#).

Die im Datensatz bereitgestellten Daten sind, unter Bedingung der Namensnennung des Robert Koch-Instituts als Quelle, frei verfügbar. Das bedeutet, jede Person hat das Recht die Daten zu verarbeiten und zu verändern, Derivate des Datensatzes zu erstellen und sie für kommerzielle und nicht kommerzielle Zwecke zu nutzen. Weitere Informationen zur Lizenz finden sich in der [LICENSE](#) bzw. [LIZENZ](#) Datei des Datensatzes.

Appendix

Dies ist ein Beispiel-Appendix .