

Anleitung zum Starten der lokalen Version des Visualisations-Tool für Biodiversitäts-Daten

Installation von R & RStudio

Zuerst müssen sie R (derzeit R version 4.2.1) und RStudio auf ihrem Rechner installiert haben.

R packages

Als nächstes müssen sie die folgenden R packages installieren.

Diese packages werden für die Prozessierung der Datenbank benötigt:

```
install.packages(c("data.table", "dplyr", "dbplyr", "tidyr", "DBI", "RSQLite"))
```

Diese zusätzlichen packages werden dann für das Visualisierungs-Tool selbst benötigt:

```
install.packages(c("shiny", "shinyWidgets", "DT",  
                  "ggplot2", "patchwork", "ggspatial", "scico",  
                  "sf"))
```

Download des Visualisierungs-Tool

Als nächstes müssen den Code für das Visualisierungs-Tools von Github herunterladen.

Dafür öffnen sie folgenden Link in ihrem Browser: https://github.com/RS-eco/divViz/tree/de_local

Dann klicken sie auf den grünen Knopf (Code) und klicken unten auf Download ZIP.

Speichern sie die Datei lokal auf ihrem Rechner, entpacken sie den Ordner und öffnen diesen.

Vorbereitung des Visualisierungs-Tool

Innerhalb des Ordners gibt es eine Datei divViz.Rproj klicken sie auf diese und nun sollte sich RStudio eigenständig öffnen.

Als nächstes müssen sie noch die ASK-Datenbank (ASK.db) in den Unterordner ("data") kopieren, damit das R-Skript dann auf die ASK-Datenbank zugreifen kann.

Nun müssen sie die Datei ("preprocess-data.R") aus dem heruntergeladenen Ordner öffnen und das komplette Skript einmal in R durchlaufen lassen.

Starten des Visualisierungs-Tool

Danach ist das Visualisierungs-Tool start bereit und sie können es starten, indem sie die Datei ("app.R") öffnen und dann oben rechts auf den grünen Play-Knopf mit "Run App" drücken. Es sollte sich nun ein neues Fenster mit dem Visualisierungs-Tool öffnen.