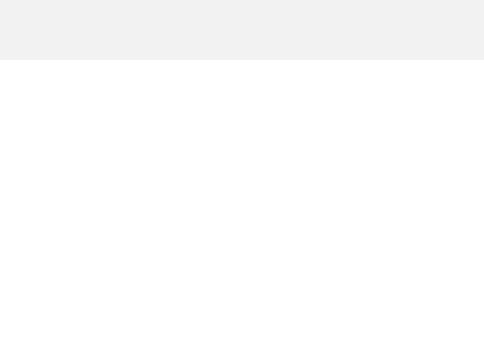
Programação Estatística Introdução ao R - Simulação de dados

Rachid Muleia, PhD in Statistics

Universidade Eduardo Mondlane Faculdade de Ciências Departamento de Matemática e Informática

2023-04-21



Números aleatórios

Estudos de simulação são experimentos de computador que envolvem a criação de dados por amostragem pseudo-aleatória a partir de distribuições de probabilidade conhecidas.

- Simulação de dados é um tópico bastante importante na estatística
- Pode ser usado a avaliar a performance de um modelo estatístico/matemático
- Construir a distribuição empírica
- Nem sempre é possível ter uma solução analítica para uma distribuição de probabilidade
- R oferece vários recursos para fazer simulação ou gerar números aleatórios

Números aleatórios

Para gerar números aleatórios de uma distribuição de probabilidades pode-se usar as seguintes funções

- rnorm: gera variáveis aleatórias Normal com uma determinada média e desvio padrão
- pnorm: avalia a função de distribuição cumulativa para uma distribuição Normal
- dnorm: avalia a densidade da distribuição normal de probabilidade
- rpois: gera valores de uma distribuição de Poisson com uma determinada taxa

Números aleatórios

As distribuições de probabilidade geralmente são acompanhadas de quatro funções. Essas funções levam os seguintes prefixos:

- d para densidade
- r para gerar números aleatórios
- p para distribuição cumulativa
- q devolve o valor de z para uma determinada probabilidade

Números aleatórios- Distribuição normal

Números aleatórios- Distribuição normal

Ao gerar números aleatórios é importante especificar a semente usando a função set.seed. Isto garante a "reprodutibilidade"

```
> set.seed(2)
> x < - rnorm(20)
> x
## [1] -0.89691455 0.18484918 1.58784533 -1.13037567 -0.08025176 0.13242028
## [7] 0.70795473 -0.23969802 1.98447394 -0.13878701 0.41765075 0.98175278
## [13] -0.39269536 -1.03966898 1.78222896 -2.31106908 0.87860458 0.03580672
## [19] 1.01282869 0.43226515
> x < - rnorm(20, 20, 2)
> x
## [1] 24.18164 17.60015 23.17928 23.90930 20.00988 15.09659 20.95447 18.80688
## [9] 21.58441 20.57927 21.47788 20.63792 22.15233 19.43168 18.44665 18.80868
## [17] 16.54804 18.19483 18.88188 19.50697
> summary(x)
##
     Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu.
                                          Max
## 15.10 18.72 19.76 20.00 21.50 24.18
```

Números aleatórios- Distribuição normal

Calculo da probabilidade: $X \sim N(100, 2^2)$

■ Calcule P(92 < X < 105) = P(X < 105) - P(X < 92)

```
> pnorm(105, mean = 100, sd=2) - pnorm(92,mean = 100,sd=2)
## [1] 0.9937587
```

• Calcule P(X > 110) = 1 - P(X < 110)

```
> 1- pnorm(110, mean=100, sd=2) # 1-P(X<110)
## [1] 2.866516e-07
> pnorm(110, mean=100, sd=2, lower.tail = FALSE) # P(X>110)
## [1] 2.866516e-07
```

Números aleatórios - Distribuição de Poisson

```
> rpois(10, 1)
## [1] 0 1 0 1 0 2 3 0 1 0
> rpois(10, 2)
## [1] 5 1 1 2 2 1 2 0 0 2
> rpois(20,10)
## [1] 7 13 10 9 6 8 12 13 15 4 13 12 8 8 14 15 11 12 9
```

Distribuição de probabilidade cumulativa

```
> ppois(2,2) # P( X <=2)
## [1] 0.6766764
> ppois(4,2)
## [1] 0.947347
```

Números aleatórios- modelo de regressão linear

Suponha que queira simular dados a partir do seguinte modelo linear

$$y = \beta_0 + \beta_1 + \epsilon$$

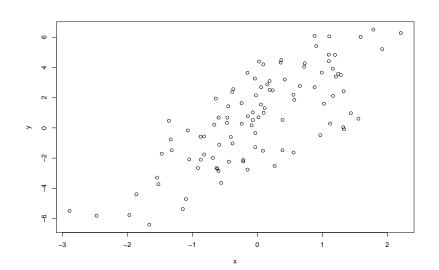
,

onde $\epsilon \sim N(0,2^2)$. Assume-se igualmente que $x \sim N(0,1^2)$, $\beta_0 = 0.5$ e $\beta_1 = 2$

```
> set.seed(20)
> x <- rnorm(100)
> x <- rnorm(100, 0, 2)
> y <- 0.5 + 2 * x + e
> summary(y)
## # min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max.
## -6.4084 -1.5402 0.6789 0.6893 2.9303 6.5052
```

Números aleatórios- modelo de regressão linear

> plot(x, y)



Números aleatórios- modelo de regressão linear

Suponha que queira simular dados a partir do seguinte modelo linear

$$y = \beta_0 + \beta_1 + \epsilon$$

onde $\epsilon \sim N(0,2^2)$. Assume-se igualmente que $x \sim N(0,1^2)$, $\beta_0 = 0.5$ e $\beta_1 = 2$

```
> sim_model <- lm(y~x)
> summary(sim_model)
##
## Call:
## lm(formula = y \sim x)
##
## Residuals:
## Min 1Q Median 3Q
                                   Max
## -3.9170 -1.3303 0.1328 1.5261 3.6446
##
## Coefficients:
            Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept) 0.6777 0.1983 3.417 0.000922 ***
## X
          2.3596 0.2013 11.719 < 2e-16 ***
```

Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

Números aleatórios a partir de um conjunto de dados

Para gerar números aleatórios a partir de um conjunto de dados pode-se usar a função sample

```
> set.seed(10)
> sample(1:10, 4)
## [1] 9 7 8 6
> sample(letters, 5)
## [1] "g" "s" "x" "o" "w"
> sample(1:10) ## permutacao
## [1] 10 7 2 8 5 3 9 4 1 6
> sample(1:10)
## [1] 5 9 4 2 10 7 1 6 8 3
> sample(1:10, replace = TRUE) # com resposicao
## [1] 10 2 9 4 2 8 3 6 2 1
```

Bootstrap

Geralmente é usado quando a distribuição de uma determinada estatística é desconhecida

```
> data(iris)
> attach(iris)
> summary(Sepal.Length)
   Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max.
   4.300 5.100 5.800 5.843 6.400 7.900
> sample.size <- dim(iris)[1]
> se.est <- sd(Sepal.Length)/sqrt(sample.size)
> t.test(with(iris, Sepal.Length))
##
   One Sample t-test
##
## data: with(iris, Sepal.Length)
## t = 86.425, df = 149, p-value < 2.2e-16
## alternative hypothesis: true mean is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## 5.709732 5.976934
## sample estimates:
## mean of x
## 5.843333
```

Bootstrap - Média

Geralmente é usado quando a distribuição de uma determinada estatística é desconhecida

```
> data(iris)
> attach(iris)
## The following objects are masked from iris (pos = 3):
##
       Petal.Length, Petal.Width, Sepal.Length, Sepal.Width, Species
> sample.size <- dim(iris)[1]
> nr.bootstrap.samples <- 500
> set.seed(111)
> b.est <- matrix(nrow=nr.bootstrap.samples.ncol=1)</pre>
> for (i in 1:nr.bootstrap.samples){
+ # print(i)
+ sel <- sample(1:sample.size.sample.size.replace=T)
+ b.est[i,] <- mean(Sepal,Length[sel])
+ }
> # comprar os erros- padrao
> se.boot <- sd(b.est)
> c(se.est, se.boot)
## [1] 0.06761132 0.06738434
```

Bootstrap- Mediana

```
> data(iris)
> attach(iris)
## The following objects are masked from iris (pos = 3):
##
##
      Petal.Length, Petal.Width, Sepal.Length, Sepal.Width, Species
## The following objects are masked from iris (pos = 4):
##
##
      Petal.Length, Petal.Width, Sepal.Length, Sepal.Width, Species
> sample.size <- dim(iris)[1]
> nr.bootstrap.samples <- 500
> set.seed(111)
> b.est <- matrix(nrow=nr.bootstrap.samples,ncol=1)
> for (i in 1:nr.bootstrap.samples){
+ # print(i)
+ sel <- sample(1:sample.size,sample.size,replace=T)
+ b.est[i,] <- median(Sepal,Length[sel])
+ }
> # erro padrao
> se.mediana <-sd(b.est)
> # intervalo de confianca
> quantile(b.est, prob=c(0.025, 0.975))
## 2.5% 97.5%
## 5.6 6.0
```