Actividad 1.1: Matrices y Estadística

Raúl Correa Ocañas 2024-08-05

Problema 1

```
library(matlib)
## Warning: package 'matlib' was built under R version 4.3.3
A = matrix(c(2,0,9,4,-2,0,-3,5,6), nrow = 3, ncol = 3)
B = matrix(c(8, -7, -3, 6, 9, 5, -2, -5, 1), nrow = 3, ncol = 3)
# 1a)
print(A+B)
       [,1] [,2] [,3]
##
## [1,] 10 10 -5
## [2,] -7
            7
## [3,] 6 5
# 1b)
print(4*A + 3*B)
##
      [,1] [,2] [,3]
## [1,] 32 34 -18
                 5
## [2,] -21 19
## [3,] 27 15
                  27
# 1c)
print(t(A))
       [,1] [,2] [,3]
## [1,] 2
            0
## [2,]
       4 -2
## [3,] -3 5
# 1d)
print(inv(A))
```

```
## [,1] [,2] [,3]
## [1,] -0.1176471 -0.2352941 0.13725490
## [2,] 0.4411765 0.3823529 -0.09803922
## [3,] 0.1764706 0.3529412 -0.03921569

# 1e)
print(det(A))
```

```
## [1] 102
```

```
# 1f)
print(det(t(A)))
```

```
## [1] 102
```

Problema 2

```
A = matrix(c(2,3,4,1,0,5,3,-2,0,-3,-1,-5), nrow = 3, ncol = 4)

B = matrix(c(4,-3,5,8,2,1,-2,0), nrow = 4, ncol = 2)

result = A %*% B

print(result)
```

```
## [,1] [,2]
## [1,] -4 -1
## [2,] -6 10
## [3,] -39 13
```

Problema 3

```
df = read.csv("mc-donalds-menu.csv", header = TRUE)

df = df[c("Calories", "Protein", "Carbohydrates", "Sugars")]

df = data.frame(df)

# 3a)
print(colMeans(df))
```

```
## Calories Protein Carbohydrates Sugars
## 368.26923 13.33846 47.34615 29.42308
```

```
# 3b)
print(cov(df))
##
                 Calories
                             Protein Carbohydrates
                                                       Sugars
## Calories
                57729.618 2162.92397
                                         5305.2153 1788.86249
## Protein
                 2162.924 130.55682
                                          113.6700 -58.96614
## Carbohydrates 5305.215 113.67003
                                          798.1886 617.71785
## Sugars
                 1788.862 -58.96614
                                          617.7178 822.53074
# 3c)
print(cor(df))
##
                 Calories
                             Protein Carbohydrates
                                                       Sugars
                1.0000000 0.7878475
## Calories
                                         0.7815395 0.2595981
## Protein
                0.7878475 1.0000000
                                         0.3521222 -0.1799396
## Carbohydrates 0.7815395 0.3521222
                                         1.0000000 0.7623621
## Sugars
                0.2595981 -0.1799396
                                         0.7623621 1.0000000
# 3d)
print(eigen(cov(df))$values)
## [1] 58358.79314 1064.01670
                                 35.77019
                                             22.31447
print(eigen(cov(df))$vectors)
##
                                     [,3]
                                                 [,4]
              [,1]
                          [,2]
## [1,] 0.99454997 0.06898162 0.02250405 0.07486964
## [2,] 0.03709065 0.15035634 0.57430757 -0.80385824
## [3,] 0.09208044 -0.51436789 -0.64757390 -0.55461239
## [4,] 0.03187217 -0.84146312 0.50031233 0.20152309
print(eigen(cor(df))$values)
## [1] 2.48572064 1.37092983 0.11855765 0.02479189
print(eigen(cor(df))$vectors)
##
              [,1]
                        [,2]
                                   [,3]
                                              [,4]
## [1,] -0.5925675  0.2588663 -0.4718910  0.5993087
## [2,] -0.4113906  0.6212940  0.6457310 -0.1666823
## [3,] -0.5928778 -0.2754607 -0.2927979 -0.6977727
## [4,] -0.3579351 -0.6863697 0.5240418 0.3551891
```

Semejanzas y Diferencias en los Vectores Propios y Valores Propios

Las semejanzas consisten principalmente en que los dos sets de eigenvectores indican las direcciones principales de varianza para cada matriz. Las diferencias se basan en las unidades en las que interpretamos esta varianza. En el caso de la matriz de covarianza, se tienen las unidades originales de los datos, mientras que la matriz de correlación estandariza las variables, eliminando las diferencias de escala entre ellas.

Adicionalmente, los valores propios indicarían el resumen de cada matriz a lo largo de sus direcciones principales. Es decir,

```
print(eigen(cov(df))$values)
```

```
## [1] 58358.79314 1064.01670 35.77019 22.31447
```

Estos valores representan las covarianzas de los datos de cada dirección principal de la matriz de covarianza. Por otro lado,

```
print(eigen(cor(df))$values)
```

```
## [1] 2.48572064 1.37092983 0.11855765 0.02479189
```

Estos valores representan la correlación de los datos presentes en cada dirección principal de la matriz de correlación.