

Projet Bayes. Dugongs: nonlinear growth curve

Anass AL AMMIRI

- Présentation des données:
- Modélisation:
 - Lois conditionnelles pleines :
 - La fonction:
- Résultats:
- Bibliographie
- Le lien vers le dépôt github : <https://github.com/RandomAnass/Project-Bayes-1>

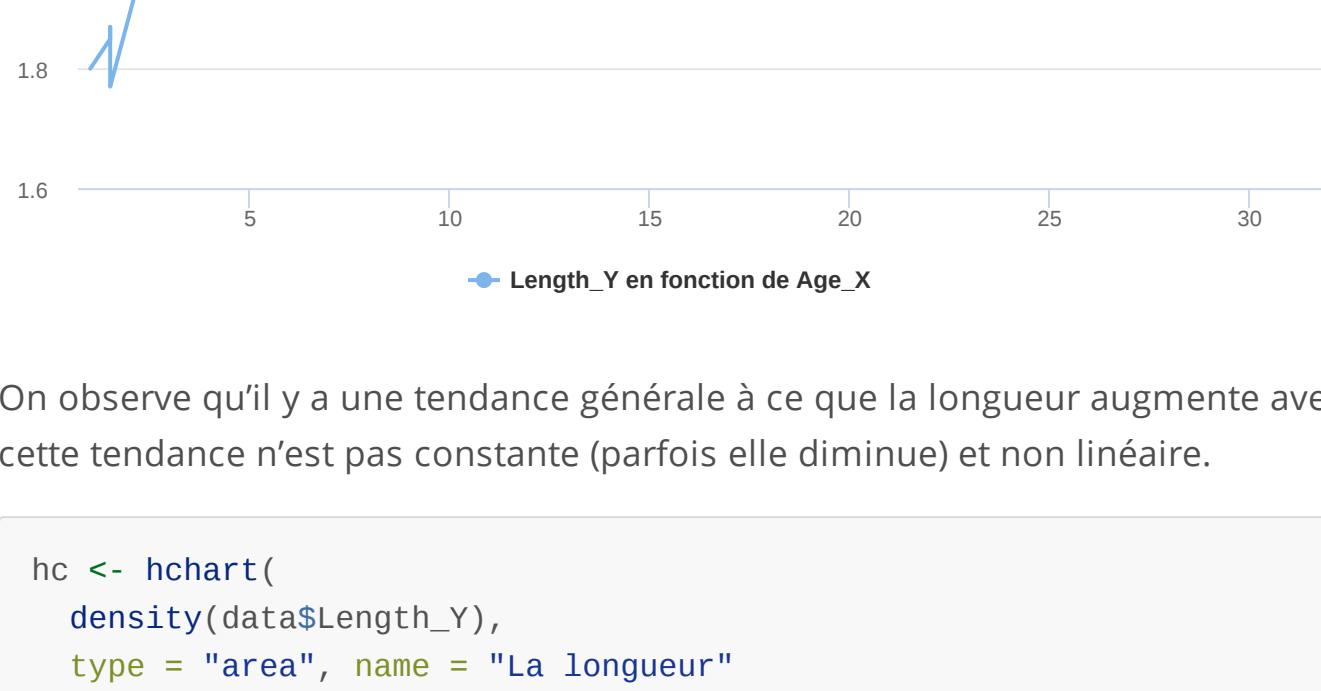
Présentation des données:

Les données sont des mesures de longueur et d'âge pour 27 dugongs (vaches de mer) capturés. Le dugong est une espèce de mammifères marins herbivores au corps fuselé, vivant sur les littoraux de l'océan Indien, de l'océan Pacifique ouest et de la mer Rouge. Il fait partie, avec les trois espèces de lamantins, de l'ordre des siréniens. [1]

```
X <- c(1, 1.5, 1.5, 1.5, 2.5, 4, 5, 5, 7, 8, 8.5, 9, 9.5, 9.5, 10, 12, 12, 13, 13, 14.5, 15.5, 15.5, 16.5, 17, 22.5, 29, 31.5)
Y <- c(1.8, 1.85, 1.87, 1.77, 2.02, 2.27, 2.15, 2.26, 2.47, 2.19, 2.26, 2.4, 2.39, 2.41, 2.5, 2.32, 2.32, 2.43, 2.47, 2.56, 2.65, 2.47, 2.64, 2.56, 2.7, 2.72, 2.57)
data <- data.frame(X,Y)
colnames(data) <- c("Age_X", "Length_Y")
head(data)
```

```
##   Age_X Length_Y
## 1  1.0      1.80
## 2  1.5      1.85
## 3  1.5      1.87
## 4  1.5      1.77
## 5  2.5      2.02
## 6  4.0      2.27
```

Evolution de la longueur des Dugongs en fonction de l'age



On observe qu'il y a une tendance générale à ce que la longueur augmente avec l'âge. Mais cette tendance n'est pas constante (parfois elle diminue) et non linéaire.

```
hc <- hchart(
  density(data$Length_Y),
  type = "area", name = "La longueur"
)
hc
```



La densité indique que le modèle pourrait être un mélange gaussien.

Modélisation:

On considère le modèle suivant:

$$Y_i \sim \text{Normal}(\mu_i, \tau), \quad i = 1, \dots, 27$$

$$\mu_i = \alpha - \beta \gamma^X \quad \alpha, \beta > 1; 0 < \gamma < 1$$

Lois conditionnelles pleines :

On calcule les lois conditionnelles pleines des différents paramètres que l'on fera évoluer dans notre algorithme MCM.

$$\begin{aligned} \pi(\beta | \dots) &\propto \prod_{i=1}^n \pi(y_i | \alpha, \beta, \gamma, \tau) \times \pi(\beta) \\ \pi(\beta | \dots) &\propto \prod_{i=1}^n \left[\tau^{1/2} e^{-\frac{(y_i - \alpha - \beta \gamma^X)^2 \tau}{2}} \right] \times \pi(\beta) \\ \text{avec } \pi(\beta) &\propto e^{-\left(\frac{\beta^2 \cdot 10^{-6}}{2}\right)} \\ \pi(\beta | \dots) &\propto \tau^{n/2} \times e^{-\frac{\sum_{i=1}^n [(y_i - \alpha - \beta \gamma^X)^2 \tau]}{2}} \times e^{-\left(\frac{\beta^2 \cdot 10^{-6}}{2}\right)} \\ \pi(\alpha | \dots) &\propto \prod_{i=1}^n \pi(y_i | \alpha, \beta, \gamma, \tau) \times \pi(\alpha) \\ \pi(\alpha | \dots) &\propto \prod_{i=1}^n \left[\tau^{1/2} e^{-\frac{(y_i - \alpha - \beta \gamma^X)^2 \tau}{2}} \right] \times \pi(\alpha) \\ \text{avec } \pi(\alpha) &\propto e^{-\left(\frac{\alpha^2 \cdot 10^{-6}}{2}\right)} \\ \pi(\alpha | \dots) &\propto \tau^{n/2} \times e^{-\frac{\sum_{i=1}^n [(y_i - \alpha - \beta \gamma^X)^2 \tau]}{2}} \times e^{-\left(\frac{\alpha^2 \cdot 10^{-6}}{2}\right)} \\ \pi(\tau | \dots) &\propto \prod_{i=1}^n \pi(y_i | \alpha, \beta, \gamma, \tau) \times \pi(\tau) \\ \text{avec } \pi(\tau) &\sim \Gamma(0.001, 0.001) \\ \pi(\tau | \dots) &\propto \prod_{i=1}^n \left[\tau^{1/2} e^{-\frac{(y_i - \alpha - \beta \gamma^X)^2 \tau}{2}} \right] \times \frac{1}{\tau} \times \mathbb{1}_{[0, +\infty[}(\tau) \\ \pi(\tau | \dots) &\propto \tau^{n/2} \times e^{-\frac{\sum_{i=1}^n [(y_i - \alpha - \beta \gamma^X)^2 \tau]}{2}} \times \frac{1}{\tau} \times \mathbb{1}_{[0, +\infty[}(\tau) e \\ \pi(\gamma | \dots) &\propto \prod_{i=1}^n \pi(y_i | \alpha, \beta, \gamma, \tau) \times \pi(\gamma) \\ \pi(\gamma | \dots) &\propto \prod_{i=1}^n \left[\tau^{1/2} e^{-\frac{(y_i - \alpha - \beta \gamma^X)^2 \tau}{2}} \right] \times \pi(\gamma) \\ \pi(\gamma | \dots) &\propto \tau^{n/2} \times e^{-\frac{\sum_{i=1}^n [(y_i - \alpha - \beta \gamma^X)^2 \tau]}{2}} \times \mathbb{1}_{[0, 1]}(\gamma) \end{aligned}$$

La fonction:

```
dugong <- function(age, Y, nc = 10^4, prop_sd = c(0.1, 1, 1, 1)){
  init <- c(2, 1.5, 1, 0.9)
  chain <- matrix(NA, nc + 1, 4)
  chain[1,] <- init
  acc_rates <- rep(0, 4)
  nc <- length(Y)
  sig <- 1000 #car on doit prendre une grande variance
  for (iter in 1:nc){
    current <- chain[iter,]
    for (i in 1:2){
      prop <- current
      prop[j] <- rlnorm(1, meanlog = log(current[j]), prop_sd[j])
      kernel_ratio <- (prop[j]/current[j])
      top <- sum(dnorm(Y, prop[1] + prop[2]*prop[4]^age, 1/sqrt(prop[3]), log=TRUE))
      bottom <- sum(dnorm(Y, current[1] + current[2]*current[4]^age, 1/sqrt(current[3]), log=TRUE))
      acc_prob <- exp(top - bottom)*kernel_ratio

      if (runif(1) < acc_prob){
        current <- prop
        acc_rates[j] <- acc_rates[j] + 1
      }
      prop <- current
      prop[3] <- rlnorm(1, meanlog = log(current[3]), prop_sd[3])

      kernel_ratio <- (prop[3]/current[3])

      top <- sum(dnorm(Y, prop[1] + prop[2]*prop[4]^age, 1/sqrt(prop[3]), log=TRUE))
      bottom <- sum(dnorm(Y, current[1] + current[2]*current[4]^age, 1/sqrt(current[3]), log=TRUE))
      acc_prob <- exp(top - bottom)*kernel_ratio

      if (runif(1) < acc_prob){
        current <- prop
        acc_rates[3] <- acc_rates[3] + 1
      }
      prop <- current
      prop[4] <- rlnorm(1, meanlog = log(current[4]), prop_sd[4])

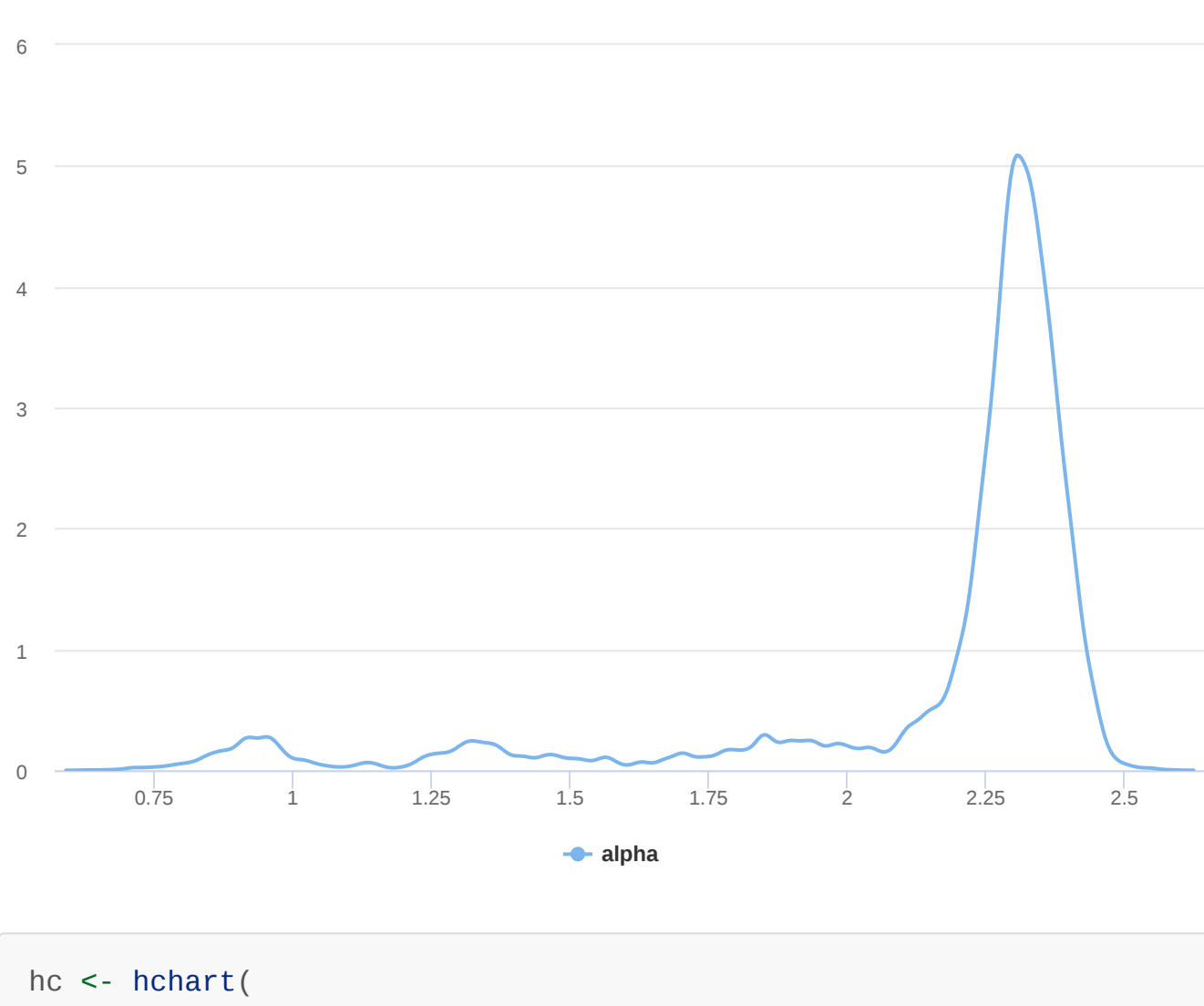
      kernel_ratio <- (prop[4]/current[4])
      top <- sum(dnorm(Y, prop[1] + prop[2]*prop[4]^age, 1/sqrt(prop[3]), log=TRUE))
      bottom <- sum(dnorm(Y, current[1] + current[2]*current[4]^age, 1/sqrt(current[3]), log=TRUE))
      acc_prob <- exp(top - bottom)*kernel_ratio

      if (runif(1) < acc_prob){
        current <- prop
        acc_rates[4] <- acc_rates[4] + 1
      }
      chain[iter+1,] <- current
    }
  }
  return(list(chain = chain, acc_rates = acc_rates / nc))
}
```

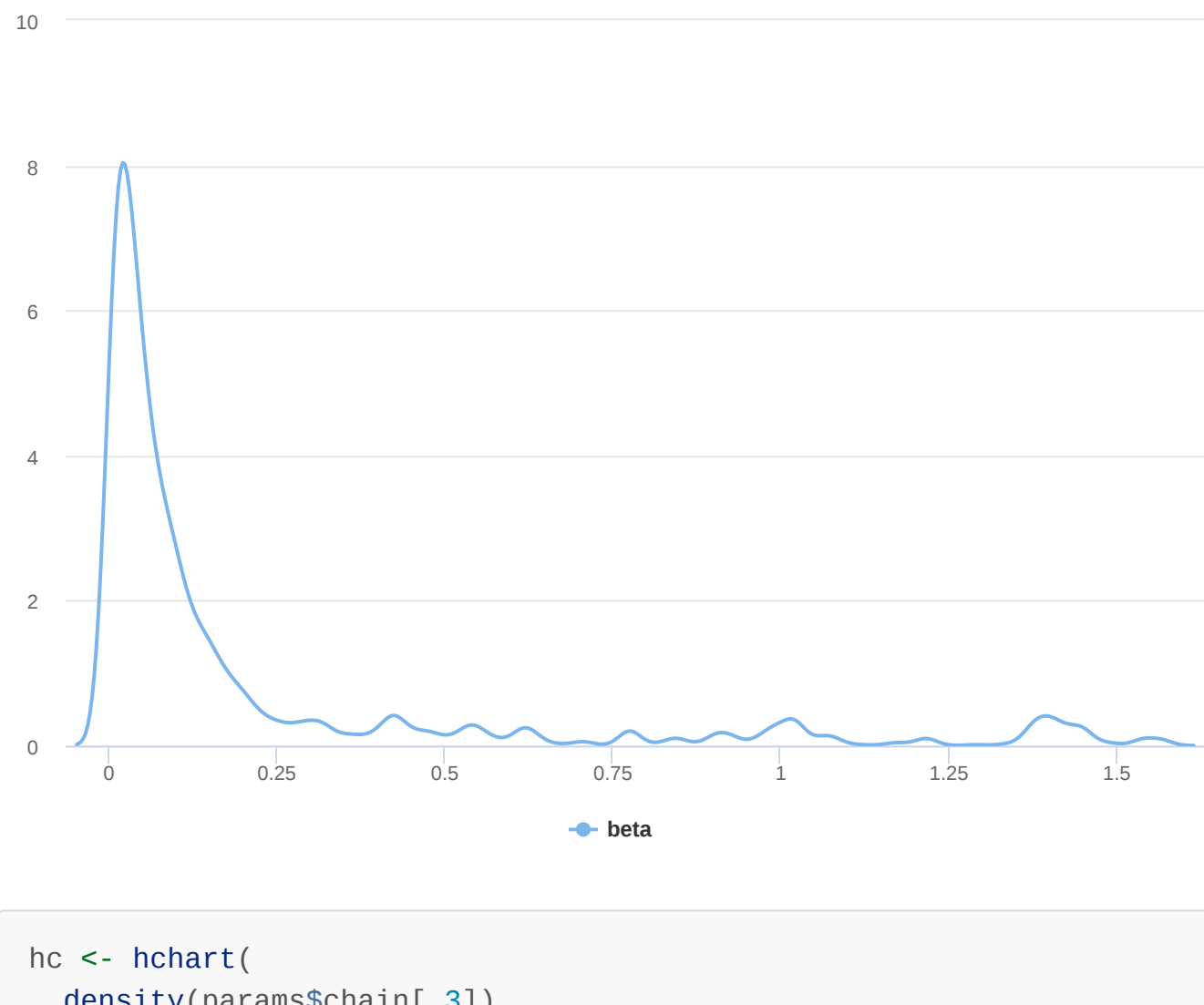
```
nc=10000
params <- dugong(X, Y, nc)
```

Résultats:

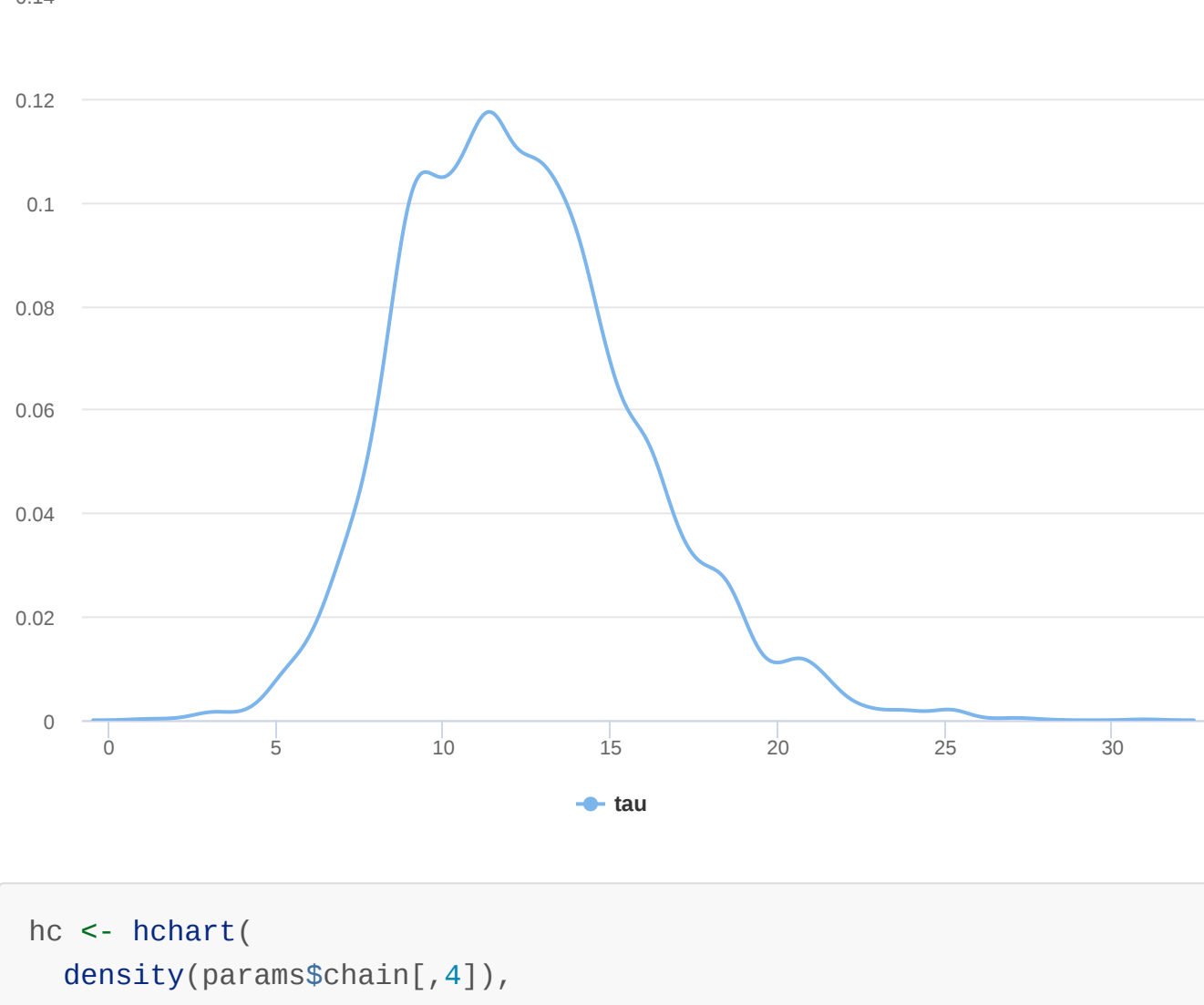
```
hc <- hchart(
  density(params$chain[,1]),
  type = "line", name = "alpha"
)
hc
```



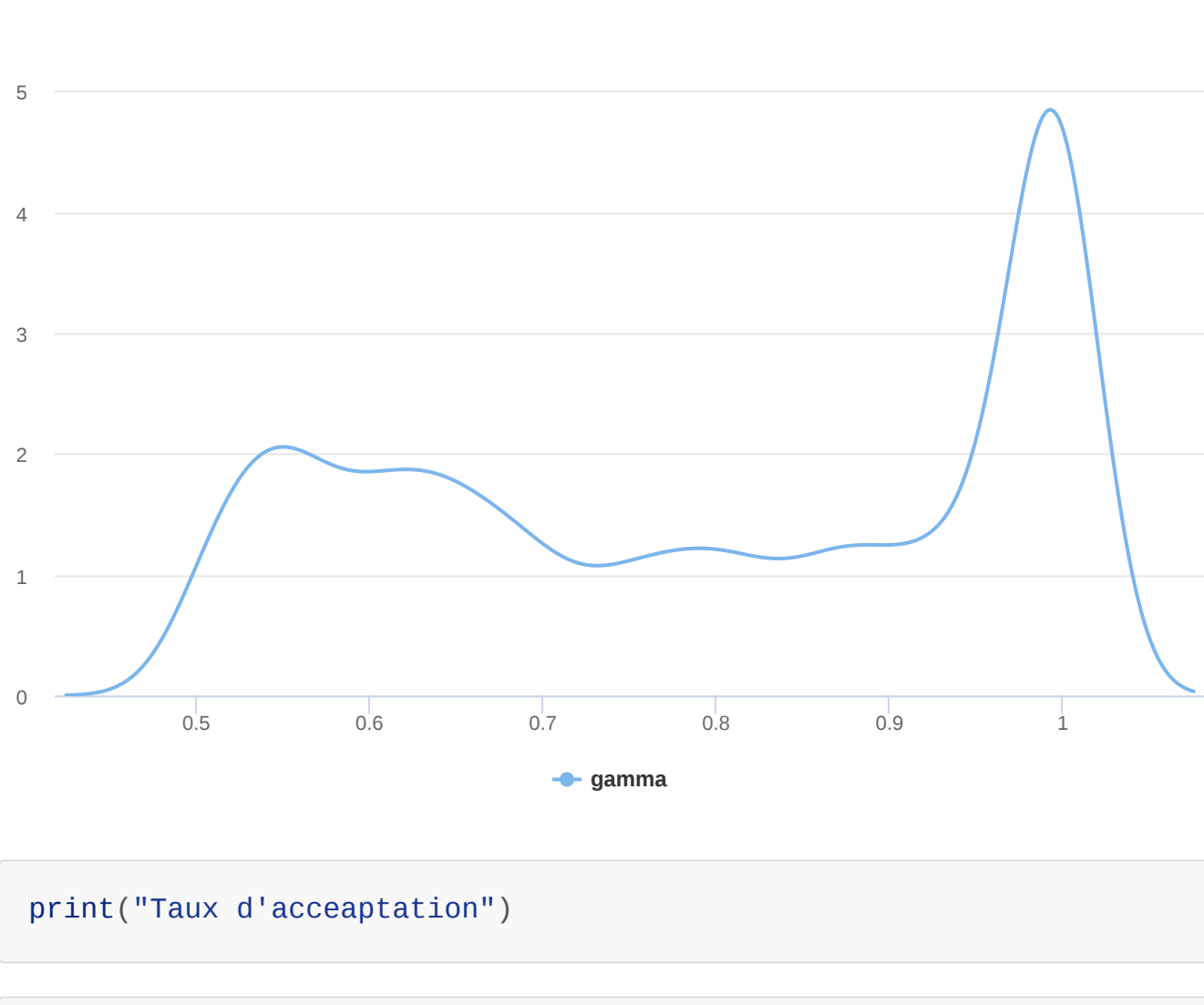
```
hc <- hchart(
  density(params$chain[,2]),
  type = "line", name = "beta"
)
hc
```



```
hc <- hchart(
  density(params$chain[,3]),
  type = "line", name = "tau"
)
hc
```



```
hc <- hchart(
  density(params$chain[,4]),
  type = "line", name = "gamma"
)
hc
```



```
print("Taux d'acceptation")
```

```
## [1] "Taux d'acceptation"
```

```
params$acc_rates
```

```
## [1] 0.3186 0.5797 0.3170 0.1674
```

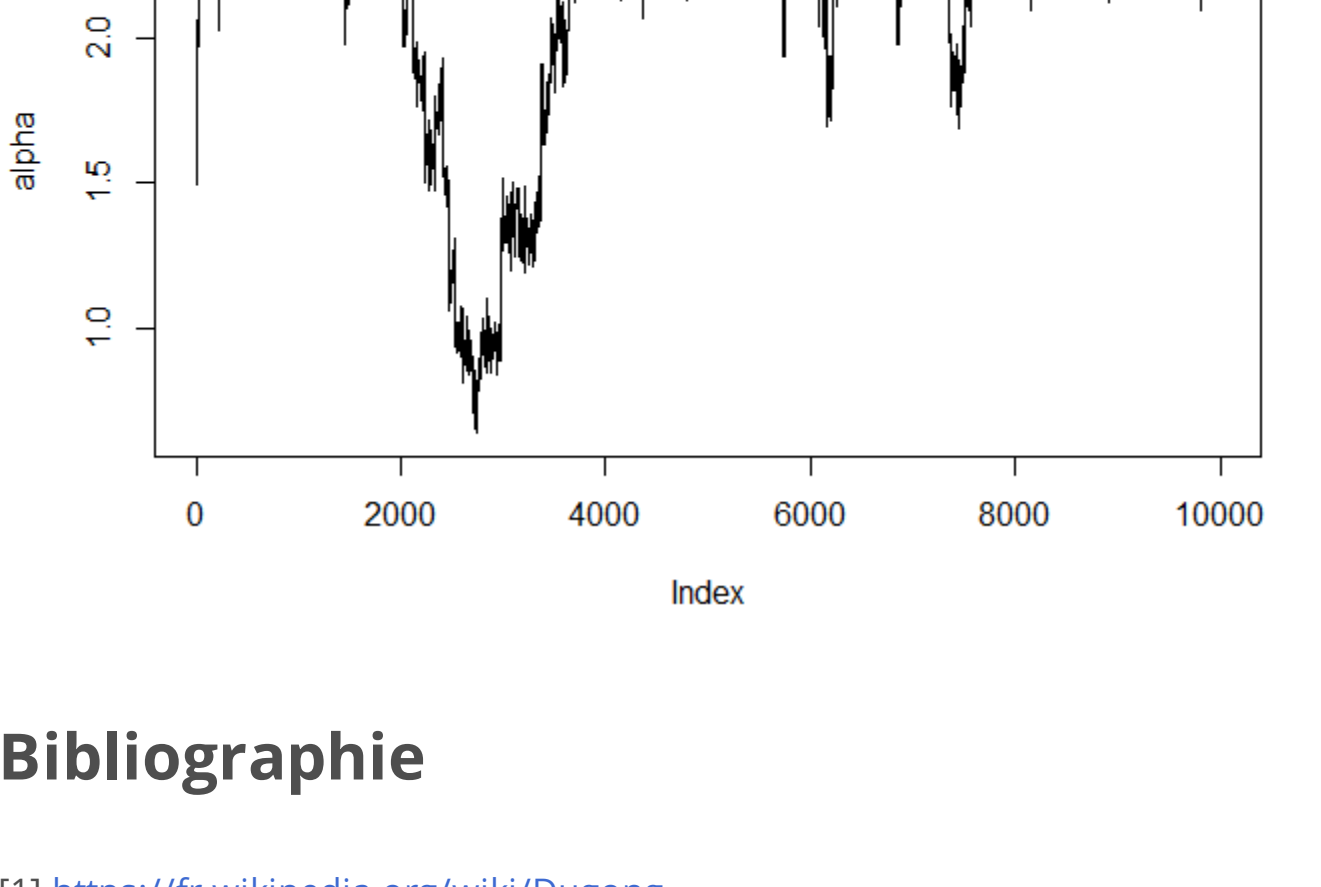
```
tail(params$chain)
```

```
##           [,1]      [,2]      [,3]      [,4]
## [9996,] 2.355882 0.0045530704 15.75181 0.5845778
## [9997,] 2.355882 0.0045530704 15.75181 0.5845778
## [9998,] 2.270850 0.0009428329 15.75181 0.6037946
## [9999,] 2.270850 0.0009428329 15.75181 0.6037946
## [10000,] 2.270850 0.0008714876 15.75181 0.6034488
## [10001,] 2.270850 0.0014386735 15.75181 0.6034488
```

Pour alpha nous avons obtenu le même résultat que dans le document que nous avions, pour les autres nous avons obtenu quelques différences, (la série n'est pas vraiment aussi lisse, mais avec highcharter nous pouvons voir les changements de moin plus régulière). Par exemple le graphique de alpha :

```
plot(params$chain[,1], type = "line", ylab = "alpha")
```

```
## Warning in plot.xy(xy, type, ...): plot type 'line' will be truncated to first
## character
```



Bibliographie

[1] <https://fr.wikipedia.org/wiki/Dugong>

Le lien vers le dépôt github :

[https://github.com/RandomAnass/Project-Bayes-](https://github.com/RandomAnass/Project-Bayes-1)