#Instale o pacote MASS usando o Rstudio e visualize o banco de dados crabs library(MASS)
view(crabs)
#Este banco de dados tem as seguintes variaveis: especie, sexo, numero da amostra,
# tamanho lobo frontal mm, largura posterior mm, comprimento carapaca mm,
# largura carapaca mm, profundidade do corpo mm
#
#Faca uma analise de variancia com o seguinte modelo:
# variacao do lobo frontal em funcao de especie e sexo
# mostre a tabela completa da analise de variancia
# faca um boxplot dos resultados
#
#Repita a analise de variancia incluindo o componente de interacao entre especie e sexo

#Repita a analise de variancia incluindo o componente de interacao entre especie e sexo # mostre a variancia explicada pela interacao entre especie e sexo - e significativa? # teste as premissas do modelo de normalidade e homoscedascidade usando #testes de shapiro e levene - instale o pacote lawstat para usar o teste de levene # Submeta o script completo no github da turma