**REPORTE DE CALIDAD DE SECUENCIACIÓN**FIELDBDa  
**FIELDSYSTEMa**Unidad Universitaria de Secuenciación Masiva y Bioinformática

[**IDENTIFICACIÓN DEL REPORTE O PROYECTO**](#_gjdgxs) **3**

[**IDENTIFICACIÓN DEL USUARIO Y COLABORADORES:**](#_8q0xnwil8ewp) **3**

[**DESCRIPCIÓN HISTÓRICA DE LAS MUESTRAS**](#_g5ij636df0an) **4**

[**DESCRIPCIÓN METODOLÓGICA**](#_3znysh7) **5**

[CUANTIFICACIÓN DE LAS MUESTRAS](#_c43onhyg5tss) 5

[PREPARACIÓN DE LAS BIBLIOTECAS](#_2ozgqp5pbcn6) 6

[SECUENCIACIÓN DE LAS MUESTRAS](#_xikq3xgx4upk) **7**

[**REPORTE DE CALIDAD**](#_ub6t6e6868mw) **7**

[**ANÁLISIS BIOINFORMÁTICO**](#_abj5ijg8ands) **7**

[**RESULTADOS**](#_gmqv7z8e77n0) **7**

[**EVALUACIÓN DEL SERVICIO**](#_xsz4w9dvmprz) **7**

|  |
| --- |
| El presente documento es un reporte de entrega del proyecto descrito en el siguiente segmento y asegura que la UUSMB está comprometida con la imparcialidad y la confidencialidad de los datos aquí descritos: |

## IDENTIFICACIÓN DEL REPORTE O PROYECTO

|  |  |
| --- | --- |
| ID del proyecto: | FIELDBDc |
| Nombre del proyecto: | FIELDBDd |
| Descripción: | FIELDBDe |
| Fecha de solicitud: | FIELDBDf |
| Fecha de informe: | FIELDMANUALa |
| Fecha de Análisis: | FIELDMANUALb |
| Número de muestras: | FIELDBDg |
| Número de muestras analizadas en este reporte: | FIELDBDk |

## IDENTIFICACIÓN DEL USUARIO Y COLABORADORES:

En esta sección se describen los responsables y colaboradores ligados a este proyecto:

| **User** | **Nombre** | **Dependencia** | **teléfono** | **email** | **role** |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |

# DESCRIPCIÓN HISTÓRICA DE LAS MUESTRAS

En esta sección se definen los identificadores únicos de cada muestra, su nombre, identificación del tubo, fecha de recepción, fecha de análisis de calidad y evaluación de Aceptación. Para las muestras donde la aceptación es “CONDICIONADA” o “RECHAZADA”, el servicio aún puede llevarse a cabo, previa autorización del usuario, quedando la UUSMB libre de toda responsabilidad sobre cualquier falla en la construcción de la biblioteca, generación de datos incompletos o nulos que se obtengan en el proyecto:

| **Numero consecutivo** | **Nombre de la Muestra** | **Identificador del tubo** | **Fecha de recepción** | **Fecha análisis calidad** | **Estatus de**  **aceptación** |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |

En esta sección se muestran los comentarios:

| **Número consecutivo** | **Nombre de la muestra** | **Identificación del tubo** | **Comentario** |
| --- | --- | --- | --- |

En esta sección se define el volumen reportado por el usuario y el volumen y concentración encontrados por los miembros de la unidad:

| **Número consecutivo** | **Nombre de la**  **Muestra** | **Identificador del tubo** | **vol(µL) usuario** | **vol(µL)**  **UUSMB** | **concentración total (ng)** |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |

En esta sección se reportan los valores de absorbancia reportados por el usuario y los encontrados por la Unidad, el tipo de muestra, rendimiento esperado y observaciones o comentarios

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Numero** | **Nombre de la muestra** | **Identificación del tubo** | **Absorb. usuario** | | **Absorb. UUSMB** | | **Tipo** | **Rendimiento** |
| **260\_280 1.8 a 2** | **260\_230 1.8 a 2** | **260\_280**  **2 a 2.2** | **260\_230**  **2 a 2.2** |