Matthias Grenié

Chercheur Postdoctoral

Curriculum Vitae

mars 2023

German Centre for Integrative Biodversity Research (iDiv), Halle-Jena-Leipzig

rekyt.github.io +49 341 9733176

matthias.grenie@idiv.de

@LeNematode

Rekyt

G fZ1_d7QAAAAJ

0000-0002-4659-7522

Cursus Universitaire

2016-2020 **Doctorat en Écologie** École Doctorale 584 GAIA, Univ. Montpellier

Montpellier, France

➤ Directeurs: Prof. Françoiz Munoz et Dr. Cyrille Violle

Titre: « En dehors de la norme: déviation de l'optimalité écologique et rareté

fonctionnelle »

2013-2015 Master Biosciences École Normale Supérieure de Lyon, Univ. Claude Bernard Lyon 1

Lyon, France

➤ Normalien élève

2012-2013 Licence Biosciences École Normale Supérieure de Lyon, Univ. Claude Bernard Lyon 1

Lyon, France

➤ Normalien élève

2010-2012 Classe Préparatoire BCPST Lycée Saint-Louis

Paris, France

➤ Admis au concours Agronomie et ENS Lyon

Parcours Professionnel Académique

oct. 2020 - **présent** Chercheur Postdoctoral German Center for Integrative Biodiversity Research (iDiv) / Leipzig University

Leipzig, Allemagne

➤ Supervisé par **Dr. Marten Winter** sur la biogéographie fonctionnelle des plantes

introduites

2016-2020 **Doctorant** Université de Montpellier

Montpellier, France

➤ Directeurs: François Munoz et Cyrille Violle. Contrat doctoral spécifique nor-

malien. Sur la rareté fonctionnelle et l'écologie fonctionnelle des communautés févr. 2015 - juin 2015 Stage de Master 2

Kourou, Guyane Française, France

➤ Encadrant: **Dr. Bruno Hérault** sur la variabilité intraspécifique de croissance des

arbres tropicaux en fonction de leurs traits fonctionnels

sept. 2014 - déc. 2014 Stage de Master 2 ISEM, Université de Montpellier

Montpellier, France

Paris, France

➤ Encadrante: **Dr. Ophélie Ronce** sur la prédiction de l'adaptation au changement climatique des arbres en utilisant des modèles de génétique quantitative de populations structurées en stade

févr. 2014 - juill. 2014 Stage de Master 2

Indiana University

EcoFOG

Bloomington, IN, États-Unis

➤ Encadrant: Dr. Jean-François Goût dans l'équipe du Pr. Michael Lynch sur les

➤ Encadrants: **Dr. Éric Bapteste** et **Prof. Philippe Lopez** sur réseaux de similarités de séquences en fonction de l'origine évolutive des voies métaboliques chez *Chlamydomonas reinhardtii*

Encadrement Scientifique

2022-présent Membre du comité de thèse de Rachel Souza Fereira

avr. 2018 - mai 2018 Encadrement stage de M1

Charlotte Guérineau, stage sur la rareté fonctionnelle de différents groupes taxonomiques (oiseaux, plantes, poissons, et bactéries

du sol) en France

avr. 2019 - juin 2019 Co-encadrement stage de M1

Nathan Mazet, stage sur les stratégies alimentaires des oiseaux à l'échelle globale, encadrant principal: Pr. Jean-Yves Barnagaud

Activités d'organisation et responsabilités collectives

2022-présent Relecteur de logiciel scientifique pour rOpenSci

Pour le paquet npi

2022-présent Co-fondateur et animateur de iCode

Groupe d'animation et d'entraide (forum d'échanges, séminaires) sur R et la programmation à iDiv

2022-présent Représentant des post-doctorant es (130 personnes)

Au conseil de laboratoire d'iDiv, équivalent du conseil d'UMR

2021-présent Organisateur des séminaires de l'équipe sDiv

toutes les deux semaines

2018-2020 Représentant des Doctorant es (70 personnes)

Conseil d'UMR du CEFE

2018 Co-organisateur d'un atelier sur les pratiques d'Open Access

Un événement d'une demi-journée pour apprendre à rendre nos articles accessibles, pour ~50 personnes au CEFE à Montpellier

2017-présent Relecteur de journaux scientifiques (voir le profil Publons)

Pour Ecology Letters, Functional Ecology, Biological Reviews, PeerJ, Biological Conservation, New Phytologist, Journal of Applied

Ecology, et Journal of Biogeography

2017 Co-organisateur de la conférence Jeune Chercheur euses 'Models in Ecology and Evolution'

Une conférence annuelle pour jeunes chercheur-euses avec un public de ~100 personnes du Master au Post-doctorat

2016-2020 Fondateur et animateur du groupe d'utilisateur rices de R au CEFE

Animation mensuelle pour les personnes utilisant R au CEFE, incluant présentations et ateliers pratiques

Participation à des projets scientifiques

2022-présent Groupe IMPACTS

Centre de Synthèse et d'Analyse sur la Biodiversité (CESAB)

Groupe de synthèse sur le suivi temporel de la biodiversité terrestre en France

Membre du groupe, en charge de la gestion de données

Première réunion en présentiel : mars 2023

2021-présent Groupe Global Naturalized Alien Flora

GloNAF

➤ Groupe européen sur les invasions végétales via la base GloNAF

Contributeur aux réunions bisannuelles du groupe

Premier auteur d'un manuscrit pour le groupe - Co-auteur d'un manuscrit

2017-présent Groupe FREE

CESAB

➤ Groupe de synthèse sur la rareté fonctionnelle en écologie and évolution

Membre co-fondateur du groupe

Premier auteur de 3 articles liés au groupe - Co-auteur de 4 articles

Bourses et Financements

2023-présent Financement

Flexpool (interne iDiv) 10k€

➤ Co-rédacteur et collaborateur du projet mené par Dr. Qiang Yang sur l'impact des espèces de plantes naturalisées sur les réseaux plantes-pollinisateurs le long de gradients altitudinaux

2022-présent Financement

Flexpool (interne iDiv) 10k€

➤ Co-rédacteur et collaborateur du projet mené par Dr. Bettina Ohse, sur le lien entre traits fonctionnels et taux démographiques des arbres

Sept. 2016 Bourse doctorale

École Normale Supérieure de Lyon

➤ Contrat Doctoral Spécifique Normalien

Contributions scientifiques

Acceptée

1. Munoz, F., Klausmeier, C., ..., **Grenié, M.**, Loiseau, N., Mahaut, L., Maire, A., Mouillot, D., Violle, C., & Kraft, N. (2023). The ecological causes of functional distinctiveness in communities. *Accepted in Ecology Letters*. https://doi.org/10.22541/au.166488862.28762630/v1

Publiées

- 1. Cutts, V., Hanz, D. M., Barajas-Barbosa, M. P., Schrodt, F., Steinbauer, M. J., Beierkuhnlein, C., Denelle, P., Fernández-Palacios, J. M., Gaüzère, P., **Grenié, M.**, Irl, S. D. H., ... Algar, A. C. (2023). Links to rare climates do not translate into distinct traits for island endemics. *Ecology Letters*, n/a(n/a). https://doi.org/10.1111/ele.14169
- 2. **Grenié**, **M.**, & Gruson, H. (2023). Fundiversity: A modular R package to compute functional diversity indices. *Ecography*, n/a(n/a), e06585. https://doi.org/10.1111/ecog.06585
- 3. Gaüzère, P., Denelle, P., Fournier, B., **Grenié, M.**, Delalandre, L., Münkemüller, T., Munoz, F., Violle, C., & Thuiller, W. (2022). The functional trait distinctiveness of plant species is scale dependent. *Ecography*, *in press*.
- 4. **Grenié, M.**, Berti, E., Carvajal-Quintero, J., Dädlow, G. M. L., Sagouis, A., & Winter, M. (2022). Harmonizing taxon names in biodiversity data: A review of tools, databases and best practices. *Methods in Ecology and Evolution*, 2041–210X.13802. https://doi.org/10.1111/2041-210X.13802
- 5. Jurburg, S. D., Buscot, F., Chatzinotas, A., Chaudhari, N. M., Clark, A. T., Garbowski, M., **Grenié, M.**, Hom, E. F. Y., Karakoç, C., Marr, S., Neumann, S., . . . Heintz-Buschart, A. (2022). The community ecology perspective of omics data. *Microbiome*, 10(1), 225. https://doi.org/10.1186/s40168-022-01423-8
- 6. Mouillot, D., Loiseau, N., **Grenié, M.**, Algar, A. C., Allegra, M., Cadotte, M. W., Casajus, N., Denelle, P., Guéguen, M., Maire, A., Maitner, B., ... Auber, A. (2021). The dimensionality and structure of species trait spaces. *Ecology Letters*, 24(9), 1988–2009. https://doi.org/10.1111/ele.13778
- 7. **Grenié**, **M.**, Violle, C., & Munoz, F. (2020). Is prediction of species richness from stacked species distribution models biased by habitat saturation? *Ecological Indicators*, 111, 105970. https://doi.org/10.1016/j.ecolind.2019.105970
- 8. Loiseau, N., Mouquet, N., Casajus, N., **Grenié, M.**, Guéguen, M., Maitner, B., Mouillot, D., Ostling, A., Renaud, J., Tucker, C., Velez, L., ... Violle, C. (2020). Global distribution and conservation status of ecologically rare mammal and bird species. *Nature Communications*, 11(1, 1), 5071. https://doi.org/10.1038/s41467-020-18779-w
- 9. Barnagaud, J.-Y., Mazet, N., Munoz, F., **Grenié, M.**, Denelle, P., Sobral, M., Kissling, W. D., Sekercioglu, Ç. H., & Violle, C. (2019). Functional biogeography of dietary strategies in birds. *Global Ecology and Biogeography*, 28(7), 1004–1017. https://doi.org/10.1111/geb.12910
- 10. Joffard, N., Massol, F., **Grenié, M.**, Montgelard, C., & Schatz, B. (2019). Effect of pollination strategy, phylogeny and distribution on pollination niches of Euro-Mediterranean orchids. *Journal of Ecology*, 107(1), 478–490. https://doi.org/10.1111/1365-2745.13013
- 11. **Grenié, M.**, Mouillot, D., Villéger, S., Denelle, P., Tucker, C. M., Munoz, F., & Violle, C. (2018). Functional rarity of coral reef fishes at the global scale: Hotspots and challenges for conservation. *Biological Conservation*, 226, 288–299. https://doi.org/10.1016/j.biocon.2018.08.011
- 12. Munoz, F., **Grenié, M.**, Denelle, P., Taudière, A., Laroche, F., Tucker, C., & Violle, C. (2018). Ecolottery: Simulating and assessing community assembly with environmental filtering and neutral dynamics in R. *Methods in Ecology and Evolution*, *9*(3), 693–703. https://doi.org/10.1111/2041-210X.12918
- 13. **Grenié, M.**, Denelle, P., Tucker, C. M., Munoz, F., & Violle, C. (2017). Funrar: An R package to characterize functional rarity. *Diversity and Distributions*, 23(12), 1365–1371. https://doi.org/10.1111/ddi.12629
- 14. Violle, C., Thuiller, W., Mouquet, N., Munoz, F., Kraft, N. J. B., Cadotte, M. W., Livingstone, S. W., **Grenié, M.**, & Mouillot, D. (2017). A Common Toolbox to Understand, Monitor or Manage Rarity? A Response to Carmona et al. *Trends in Ecology & Evolution*, 32(12), 891–893. https://doi.org/10.1016/j.tree.2017.10.001

Paquets R

- ➤ funrar (créateur principal et mainteneux)
 calcule des indices de rareté fonctionnelle, central pour les travaux du groupe CESAB FREE
 article publié CRAN GitHub
- ecolottery (co-créateur) simule de manière efficace des processus d'assemblages de communautés en intégrant à la fois des processus neutre et de niches
 - 🖹 article publié 😱 CRAN 🞧 GitHub

➤ fundiversity (co-créateur et mainteneur)

calcul des indices de diversité fonctionnelle de manière efficace, modulaire, en intégrant des fonctionnalités modernes récentes (parallélisation, mémoisation)

🖹 article publié – 😱 CRAN – 🞧 GitHub

➤ funbiogeo (co-créateur et mainteneur)

facilite les analyses en biogéographique fonctionnelle, dévelopé dans le contexte du groupe CESAB FREE GitHub

➤ rtaxref (créateur et maintenuer)

accède aux données de l'API du Référentiel Taxonomique Français (TAXREF)

GitHub

➤ Contributions significatives à d'autres paquets R: taxize (extraction et standardisation de données taxonomiques), ggfortify (simplification et extraction automatique de graphiques), et traitdataform (aide à l'écriture de métadonnées sur les traits fonctionnels)

Actes de Conférences

1. **Grenié, M.**, Berti, E., Carvajal-Quintero, J., Winter, M., & Sagouis, A. (2021). Matching Species Names Across Biodiversity Databases: Sources, tools, pitfalls and best practices for taxonomic harmonization. *Biodiversity Information Science and Standards*, 5, e75359. https://doi.org/10.3897/biss.5.75359

Présentations Invitées

| déc. 2021 | Séminaire de l'équipe de Holger Kreft sur 'Navigating the landscape of taxonomic harmonization' |
|-----------|--|
| | Université de Göttingen, Allemagne |
| mai 2022 | Présentation invitée à la 3ème réunion de Data to Knowledge in Agronomy and Biodiversity (D2KAB) |
| | sur 'Taxonomic Databases of Plants and Animals' |
| | Paris/en visioconférence |

Présentations Orales

| sept 2022 | A barrier to global plant invasion ecology: gaps in trait availability for alien species | | | |
|-----------|--|--|--|--|
| | Neobiota 2022, Tartu, Estonia | | | |
| juil 2022 | A barrier to global plant invasion ecology: gaps in trait availability for alien species | | | |
| | BES Macro 2022, Online | | | |
| avr 2022 | A barrier to global plant invasion ecology: gaps in trait availability for alien species | | | |
| | iDiv Conference 2022, Leipzig, Germany | | | |
| août 2021 | Navigating the landscape of taxonomic harmonization: data, tools, and best practices | | | |
| | GfÖ conference (German Speaking Ecological Society Meeting) 2021 | | | |
| juil 2021 | Navigating the landscape of taxonomic harmonization: data, tools, and best practices | | | |
| | BES Macro 2021, Online | | | |
| oct 2018 | Functional rarity of coral reef fishes at the global scale: Hotspots and challenges for conservation | | | |
| | French Ecological Society Meeting (SFÉcologie) 2018, Rennes, France | | | |
| juil 2018 | Predicting Species Richness with unicorns or why should we discuss the use of thresholds? | | | |
| | BES Macro (British Ecological Society Macroecology Special Interest Group Meeting) 2018, Saint-Andrews, Scotland | | | |
| févr 2017 | Functional rarity of coral reef fishes across space (Best Presentation Award) | | | |
| | Young Natural History Scientists' Meeting, Paris, France | | | |
| sept 2016 | A case study of Functional Rarity: worldwide coral reef fishes | | | |
| | EcoSummit 2016, Montpellier, France | | | |

Articles de blog

- 1. **Grenié, M.** (2022, December 6). How to Save Ggplot2 Plots in a targets Workflow? Retrieved February 3, 2023, from https://ropensci.org/blog/2022/12/06/save-ggplot2-targets/
- 2. Salmon, M., **Grenié**, **M.**, & Gruson, H. (2022, June 16). Why You Should (or Shouldn't) Build an API Client. Retrieved February 16, 2023, from https://ropensci.org/blog/2022/06/16/publicize-api-client-yes-no/
- 3. **Grenié, M.**, Berti, E., Carvajal-Quintero, J., Dädlow, G. M. L., Sagouis, A., & Winter, M. (2022, March 2). Best practices for taxonomic harmonization, an overlooked yet crucial step in biodiversity analyses. Retrieved May 27, 2022, from https://methodsblog.com/2022/03/02/best-practices-for-taxonomic-harmonization-an-overlooked-yet-crucial-step-in-biodiversity-analyses/
- 4. **Grenié**, **M.**, & Gruson, H. (2020, July 15). Community Captioning of rOpenSci Community Calls. Retrieved May 27, 2022, from https://ropensci.org/blog/2020/07/15/subtitles/
- 5. **Grenié**, M., & Gruson, H. (2019, June 4). Access Publisher Copyright & Self-Archiving Policies via the 'SHERPA/RoMEO' API. Retrieved May 27, 2022, from https://ropensci.org/blog/2019/06/04/rromeo/

Expérience d'enseignement

J'ai enseigné ~130 heures en écologie, mesures de la biodiversité, et programmation R, de la L2 au doctorat. Je suis formateur certifié de l'association *The Carpentries* formant les scientifiques à la programmation. Au CEFE et à iDiv j'ai co-fondé des groupes d'utilisateur·rices de R pour encourager une communauté de pratiques de R. J'y ai organisé et présenté plusieurs ateliers d'une heure sur des sujets liés à R.

| Nom du Cours | Type de Cours | Année(s) | Niveau | Durée (éq.TD) |
|---|---------------|------------|--|---------------|
| Statistiques Descriptives avec R (UM) | TP | 2016, 2017 | L2 | 50h |
| Biogéographie Fonctionelle avec R (UM, support de cours) | TP | 2017, 2018 | M2 | 8h |
| Travaux Pratiques d'Écologie Fonctionnelle (UM) | TP | 2018 | L3 | 15h |
| Cours Invité sur les facettes de la biodiversité (UL) | СМ | 2021, 2022 | M1 | 6h |
| Travaux Pratiques sur les facettes de la biodiversité avec R (UL, support de cours) | TP | 2021, 2022 | M1 | 12h |
| Projet de groupe sur les facettes de la biodiversité (UL) | TD | 2021 | M1 | 20h |
| Introduction à git et GitHub (UL, support de cours) | CM + TP | 2022 | Masters, Doctorant·es, Postdoctorant·es | 10h |
| Formation diversité et rareté fonctionnelle (au CESAB, support de cours) | CM + TP | 2022 | Masters, Doctorant·es, Postdoctorant·es, Chercheur·euses | 4h |
| Cours Invité sur l'harmonisation taxonomique à l'école d'hiver de NFDI4Biodiversity sur la gestion de données en écologie & évolution | СМ | 2022 | Masters, Doctorant·es, Postdoctorant·es | 2h |

UM: Université de Montpellier ; UL: Université de Leipzig

Compétences

Langues

français [natif]; anglais [C2, courant et scientifique]; espagnol [B1-B2, quotidien]; allemand [A2-B1]; chinois [A2-B1]; japonais [A2]

Languages de Programmation et Informatique

- ➤ R Meilleures pratiques de développement logiciel (tests unitaires avectestthat, site web pkgdown, intégration continue/déploiement continu, soumission au CRAN) visualisation de données (ggplot2 avancé et extensions) manipulation de données spatiales [rasters terra, vecteurs sf, base de données PostGIS, et interactions]
- ➤ **Python** Programmation Orientée Objet Tri de données avec pandas
- ➤ SQL interaction avec des bases de données requêtes haute performance interaction avec R base de données spatiale PostgreSQL/PostGIS
- ➤ **Calcul de Haute Performance** soumission de job sur SLURM/SGE requêtes complexes
- git contrôle de version méthode git flow développement collaboratif grâce à Q GitHub
- ➤ Connaissances de base en Julia

Statistiques et modélisation

- ➤ Modèles nuls et de permutations pour la biodiversité
- ➤ Modèles mixtes généralisés
- ➤ Machine Learning/Artificial Intelligence: Random Forest, Support Vector Machine
- Modélisation de population structurées en stade, modèle de Lotka-Volterra via Mathematica