

# Atelier R - Outline

*Renato Henriques-Silva*

*6 février 2019*

## Module 1

### Arithmétique

Montrer brièvement que avec `#` on écrit des commentaires dans le script

Montrer brièvement tout les différentes types d'opération arithmétique.

- Addition: `+`
- Substraction: `-`
- Multiplication: `*`
- Division: `/`
- Exponent: `^`
- Modulo: `%%`

### Variables

Affectation des variables et opérations

#### Classes de variables

- **numeric**, donc des nombres qui ont des valeurs décimals `3.82`
- **integer**, donc des nombres entier `3` - c'est une sous-classe de "numerics"
- **logical**, donc une variable booléene `TRUE` ou `FALSE`
- **character**, donc du texte (aussi appelé de string) `'r text_spec("le chien", background = '#E6E6E6`

Verifier les classes de chaque variable avec `class()`

### Valeurs Manquantes

Montrer la différence entre NA et NULL

### Objets

Montrer les différents objets sur R

- Vecteurs
- Matrices
- Arrays
- Data frames
- Listes

### Vecteurs

Montrer comment créer des vecteurs (numeriques, characters, logiques)

- 1 élément
- `i:j`
- `seq(start, end, by)`

- `c()`

Montrer comment ajouter des noms aux vecteurs -> `names()` Montrer comment vérifier la taille du vecteur -> `length()`

## Matrices

Montrer comment créer des vecteurs (numériques, caractères, logiques)

- `matrix(c(1,2,3,5,6), nrow = 2, ncol = 3)`
- `matrix(c(1,2,3,5,6), nrow = 3, ncol = 2)`
- `matrix(seq(1,20,1), nrow=4, ncol=5)`
- `matrix(seq(1,20,1), nrow=4, ncol=5, byrow = TRUE)`
- `cbind(1:4,5:8)`
- `rbind(1:4,5:8)`
- `matrix(c("DOG","CAT","DOG","DOG"), nrow = 2, ncol = 2)`

Montrer comment ajouter des noms aux matrices -> `rownames()`, `colnames()`

Montrer aussi dans la fonction `matrix()`

```
matrix(numeric(), nrow = i, ncol = j, dimnames = list(c("rownames"),c("colnames")))
```

Montrer comment vérifier les dimensions d'une matrice `dim()`

## Arrays

Montrer un exemple d'array

```
arr <- array(rep(1:20,3), dim=c(4,5,3))
```

```
dim(arr)
```

## Facteurs

- Facteurs nominatifs `factor()`
- Facteurs ordinaux `factor(, order = TRUE, levels = c())`

Montrer un facteur de mâle / femelle (nominale) Montrer un facteur de température froid/tiède/chaud (ordinaire)

Montrer le comptage des différentes catégories d'un facteur avec `summary()`

Montrer la différence des deux types de facteurs en utilisant des comparaisons `sexe[1] > sexe[2]` et `temp[1] > temp[2]`

## Data Frames

Créer trois vecteurs différents -> `sexe` [mâles/femelles], `taille` [numérique] et `espece` [Esox Lucius / Barbus Barbus]

- `data.frame(espece,sexe,taille)`

Créer un vecteur `age` [numérique] et le concaténer avec `df` -> `cbind(df,age)`

Vérifier la classe de `df` avec `class()`

Montrer comment vérifier la classe de chaque colonne dans un `df` -> `sapply(df,class)`

Montrer `dim()`, `head()`, `tail()` et `View()`

## Listes

Montrer comment créer une liste

```
liste <- list(vec, mat, df)
```

Montrer comment nomer les différents compartiments de la liste

```
liste <- list(nom_a = vec, nom_b = mat, nom_c = df)
```

Montrer comment ajouter un nouvel élément dans la liste

```
liste <- c(liste, list(nouvel_element))
```

## EXERCICES I

### Indexation

L'indexation des différents objets se fait de la manière suivante:

- vector → `vec[i]`
- matrix → `mat[i,j]`
- array → `arr[i,j,k]`
- data.frame → `df[i,j]`
- list → `lis[[i]]`

### Indexation des vecteurs

```
vec[1]  
  
vec[i:j]  
  
vec[length(vec)]  
  
vec[c(3,4,5)]
```

### Indexation des matrices

```
mat[9]  
# ici il faut bien préciser que on peut aller  
# chercher élément par élément (et que R cherche en suivant les colonnes)  
  
# ATTENTION, l'operation en haut ne marche pas sur les data.frames  
  
mat[1,2]  
  
mat[3,]  
  
mat[3:4,1:2]  
  
mat[,ncol(mat)]  
  
mat[, "Octobre"]
```

## Indexation des data frames

```
df[1,2]

df[c(1,2),4]

df[5,"taille"]

df$espece[3]
```

## Indexation des listes

```
liste_b[[1]]

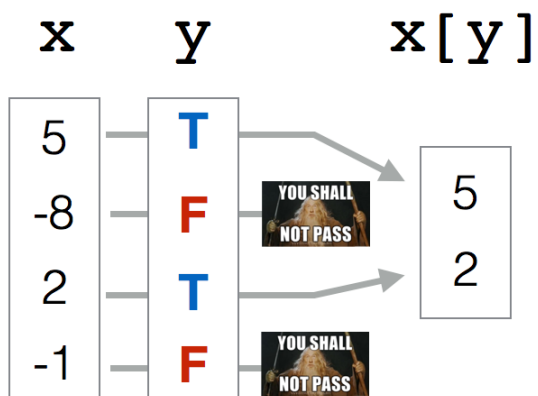
liste_b[[3]][,1]

liste_b[[3]][,"espece"]

liste_b$camp_peche

liste_b$camp_peche$espece
```

## Indexation par condition



Montrer une operation en créant à la main un vecteur logique

```
#vec <- c(1,2,3,4,5)

#vec[c(TRUE,FALSE,TRUE,FALSE,FALSE)]
```

## Opérateurs de comparaison

- égale à: `==`
- différent de: `!=`
- strictement supérieur à: `>`
- strictement inférieure à: `<`
- supérieure ou égale à: `>=`
- inférieure ou égale à: `<=`

Montrer les opérations de comparaison avec les vecteurs de voitures

```
chats.nom <-c("Fluffy","Billy","Minette","Patoune","Maya","Pilou","Luna", "Pacha","Minou","Gribouille")
chats.sexe <-c("F", "M", "F", "F", "F", "M", "F", "M", "M", "M")
chats.poids <- c(3.82,3.55,5.6,4,3.66,4.03,3.76,3.52,3.91,6.48)
chats.age <-c(10,4,3,2,11,1,8,9,7,6)
chats.sommeil <-c(18,13,12,13,18,14,15,17,17,18)
chats.race <-c("Persan","Siamois","Main Coon","Goutière","Siamois","Goutière","Angora","Persan","Persan")

chats.sommeil < 15
chats.sexe == 'F'
chats.sexe != 'F'
chats.age[chats.age < 7]
chats.sommeil[chats.age >= 8]
```

## Opérateurs logiques

- et &
- ou |
- n'est pas !
- est contenu dans %in%

```
chats.poids >= 3.6 & chats.poids < 4

chats.poids[chats.poids >= 3.6 & chats.poids < 4]

chats.sommeil[chats.sexe != 'M' & chats.poids < 4]

chats.nom[chats.sexe != 'M' & chats.poids < 4]

(chats.race == 'Siamois' | chats.race == 'Persan') & chats.age > 7

chats.nom[(chats.race == 'Siamois' | chats.race == 'Persan') & chats.age > 7]

chats.race == "Goutière" | chats.race == 'Main Coon' | chats.race == 'Angora'

chats.race %in% c('Goutière','Main Coon','Angora')
```

## Comptages et pourcentages de vecteurs logiques

```
sum(chats.age >= 8)

mean(chats.sommeil > 12 & chats.sommeil < 15)*100

chats.sommeil > 12 & chats.sommeil < 15

# R interprète le TRUE comme 1 et le FALSE comme 0, si vous transformez le vecteurs en une variable numérique
as.numeric(chats.sommeil > 12 & chats.sommeil < 15)

# Il y a 3 TRUE sur un total de 10 éléments
(3/10) * 100
```

## Autres fonctions importantes pour l'indexation

- `is.na()`
- `duplicated()`
- `which()`
- `is.finite()`
- `max()`
- `min()`
- `which.min()`
- `which.max()`

```
vec <- c(5, NA, 3, NA, 20, NA, 2, 3, 5, 7, 8, NA)
is.na(vec)

sum(is.na(vec))

duplicated(vec)

which(is.na(vec))

which(chats.race == 'Persan')

which(is.finite(vec))

vec <- c(1, 20, 4, 5, 6, 8, 9, 0.5)

which.max(vec)
vec[which.max(vec)]

which.min(vec)
vec[which.min(vec)]

min(vec)
max(vec)

which(vec == min(vec))
which(vec == max(vec))
```

## Indexation par comparaison avec matrices et data.frames

```
mat.chats <- cbind(chats.age, chats.poids, chats.sommeil)
mat.chats
colnames(mat.chats) <- c("age", "poids", "sommeil")
mat.chats[mat.chats[, 1] < 5, ]

mat.chats[mat.chats[, 1] < 10 & mat.chats[, 3] == 18, ]

mat.chats[mat.chats[, "age"] < 10 & mat.chats[, "sommeil"] == 18, ]

df.chats <- data.frame(nom = chats.nom, sexe = chats.sexe, race = chats.race, mat.chats, stringsAsFactors = FALSE)
df.voiture

df.chats[df.chats$race == "Persan", ]
```

```
df.chats[df.chats$race %in% c("Persan","Goutière"),]
subset(df.chats, subset = race %in% c("Persan","Goutière"))
# le resultat est un vecteur data.frame

df2 <- subset(df.chats, subset = race %in% c("Persan","Goutière"), select = 'sommeil')

mean(df2)
#Pourquoi ca ne marche pas??
class(df2)
#Parce que la fonction subset retourne un data.frame (même si c'est juste un vecteur)
# Pour accéder au vecteur dans le data frame, il faut utiliser le "$"
mean(df2$sommeil)
```

### Autres fonctions utiles

- `unique()`
- `order()`
- `table()`

```
# Extraire les valeurs uniques du vecteur des "race"
races <- unique(df.chats$race)
# Calculer la longueur du vecteur
length(races)

# en une ligne
length(unique(df.chats$race))

# Donnees-moi l'indice d'ordre croissante des poids des chats
idx_poids <- order(df.chats$poid)
idx_poids

# Organiser le tableau données avec l'ordre des couts de voiture
df.chats[idx_poids,]

# Par défaut order mets un ordre croissante. Si vous voulez l'ordre décroissante
df.chats[order(df.chats$poid, decreasing =TRUE),]

# Si vous voulez organiser le tableau par plusieurs colonnes. Par exemple, organiser
# l'ordre des cout et ensuite reordonner par l'ordre des prix
df.chats[order(df.chats$sommeil, df.chats$poid, decreasing =TRUE),]
# Il va donner toujours priorité à la première colonne

table(df.chats$race)

table(df.chats$race,df.chats$sexe)
```

## Gestion du repertoire de travail et import/export des données

### Reportoire

```
getwd()
list.files()
```

```
setwd()
```

```
paste('chien', 'et', 'chat')
```

Vous pouvez définir un séparateur entre les différents éléments

```
paste('chien', 'et', 'chat', sep = '.')
paste('chien', 'et', 'chat', sep = '+')
paste('chien', 'et', 'chat', sep = '/')
```

## Imports de données

```
df <- read.table(file = 'donnees_exemple.txt')
```

```
df <- read.table(file = 'donnees_exemple.txt', sep = ';')
```

```
df <- read.table(file = 'https://raw.githubusercontent.com/RenatoHS/parallel_null_modelling/master/data/')
```

```
args(read.table)
```

```
head(df)
```

```
str(df)
```

```
df <- read.table(file = 'donnees_exemple.txt', sep = ';', header = TRUE, stringsAsFactors = FALSE)
```

```
str(df)
```

## Exports de données

```
write.table(df.chats, file = 'chats.txt', sep = '\t')
```

```
# Vérifiez votre nouveau fichier.
```

## Autres fonctions de gestion du répertoire de travail

```
ls() rm() rm(list = ls())
```

## EXERCICES II

## MODULE III

### Les conditions If/Else

```
if(condition){
```

```
  CODE
```

```
}
```

IF



```

x <- -3
if(x < 0){
  print('x est un nombre négatif')
}
# si on change x
x <- 4
if(x < 0){

  print('x est un nombre négatif')

}
# rien ne se passe

```

ELSE

```

x <- 4

# si x est négatif
if(x < 0){
  # fais ceci

  print('x est un nombre négatif')

  # sinon
}else{
  # fais cela

  print('x est un chiffre positif')
}

```

ELSE IF

```

x <- 0

if(x < 0){

  print('x est un nombre négatif')

}else if(x == 0 ){

  print('x est égale à 0')

}else{

  print('x est un chiffre positif')

}

```

CONDITIONS IF-ELSE EMBOITÉES

```

# fonction sample pour choisir un chat aléatoirement
x <- sample(nrow(df.chats),1)

if(df.chats$race[x] == "Persan"){

```

```

if(df.chats$sexe[x] == "M"){
  print("C'est un chat Persan mâle")

}else{
  print("C'est un chat Persan femelle")
}
}else if (df.chats$race[x] == 'Main Coon'){

  if(df.chats$sexe[x] == "M"){
    print("C'est un chat Main Coon mâle")

  }else{
    print("C'est un chat Main Coon femelle")
  }
}else if (df.chats$race[x] == 'Siamois'){

  if(df.chats$sexe[x] == "M"){
    print("C'est un chat Siamois mâle")

  }else{
    print("C'est un chat Siamois femelle")
  }
}

}else if (df.chats$race[x] == 'Angora'){

  if(df.chats$sexe[x] == "M"){
    print("C'est un chat Angora mâle")

  }else{
    print("C'est un chat Angora femelle")
  }
}

}else{
  if(df.chats$sexe[x] == "M"){
    print("C'est un chat sans race mâle")

  }else{
    print("C'est un chat sans race femelle")
  }
}
}

```

## Boucles

structure générale

```

for(iterateur in objet){

  CODE

}

```

chats.nom

```

for(chats in chats.nom){

```

```

print(chats)
}
# si on veut avoir accès à l'index du loop pour indexer un autre objet, il faut le faire explicitement
for(i in 1:length(chats.nom)){

  print(paste(chats.nom[i], "a besoin de", chats.sommeil[i], 'heures de sommeil pour survivre'))
}

#R fait ceci
for(i in 1:10){

  print(chats.nom[i])
}

```

## Break et Next

```

# Par exemple, si on voudrait que le for loop s'arrête dès qu'il rencontre un nom de chat avec 4 caractères
# On utilise la fonction nchar() pour compter le nombre de caractères dans un string
# Il devrait s'arrêter dès qu'il rencontre le nom "MAYA" qui est avant "PATOUNE"
for(chats in chats.nom){

  if(nchar(chats) == 4){
    break
  }

  print(chats)
}
# Ici il ignore le reste du code dans la boucle quand il exécute "next" et il passe à la prochaine itération
# Si notre code marche, il ne doit pas imprimer les noms "MAYA" et "LUNA"
for(chats in chats.nom){

  if(nchar(chats) == 4){
    next
  }

  print(chats)
}

```

## For loop sur une liste

```

# version direct sans obtenir l'index
list.chats <- list(chats.nom, chats.poids, chats.age, chats.race, chats.sexe, chats.sommeil)

for (chat in list.chats){

  print(chat)
}

```

```

}

# version avec obtention de l'index du loop
for(ch in 1:length(list.chats)){

  print(list.chats[[ch]])

}

```

for loop sur une matrice et data.frame

```

# Supposez que les chats dorment le même nombre d'heures par jour tout les jours.
# On va créer un loop pour calculer combien d'heures ils ont dormi toute leur vie.

for(i in 1:nrow(mat.chats)){

  # calculez le nombre de jours qui a vécu un chat
  # Assumez que toutes les années on 365 jours
  n_jours <- mat.chats[i,"age"]*365

  n_heures_sommeil <- n_jours * mat.chats[i,"sommeil"]

}

n_heures_sommeil

```

Est-ce qu'il a un problème dans ce loop?

```

# Créez un objet vide
n_heures_sommeil<-NULL
for(i in 1:nrow(mat.chats)){

  # calculez le nombre de jours qui a vécu un chat
  # Assumez que toutes les années on 365 jours
  n_jours <- mat.chats[i,"age"]*365

  n_heures_sommeil <- c(n_heures_sommeil, n_jours * mat.chats[i,"sommeil"])
}

n_heures_sommeil

```

PAS OPTIMALE -> allocation du vecteur

```

# Cette fois-si il faut utiliser NA et pas NULL parce que NULL n'occupe pas d'espace
n_heures_sommeil<-vector(NA, length = nrow(mat.chats))
for(i in 1:nrow(mat.chats)){

  # calculez le nombre de jours qui a vécu un chat
  # Assumez que toutes les années on 365 jours
  n_jours <- mat.chats[i,"age"]*365

  n_heures_sommeil[i] <- n_jours * mat.chats[i,"sommeil"]
}

```

```
n_heures_sommeil
```

## MIX LOOP ET CONDITIONS IF

```
n_heures_sommeil<-vector(NA, length = nrow(mat.chats))
for(i in 1:nrow(mat.chats)){

  if(chats.race[i] %in% c('Siamois','Persan')){
    # calculez le nombre de jours qui a vécu un chat
    # Assumez que toutes les années on 365 jours
    n_jours <- mat.chats[i,"age"]*365

    n_heures_sommeil[i,1] <- n_jours * mat.chats[i,"sommeil"]
  }

}
n_heures_sommeil
```

## Fonctions

INPUT -> BLACK BOX -> OUTPUT

Parler de la fonction SD

```
# Quel est l'écart-type de "1, 4, 7 et 9"
sd(c(1, 4, 7, 9))

# Vous pouvez affecter ce vecteur à "chiffres"
chiffres <- c(1, 4, 7, 9)
# et ensuite faire
sd(chiffres)

# vous pouvez affecter le output de sd() aussi
sd_x <- sd(chiffres)
sd_x
```

```
help(sd)
```

```
?sd
```

PARLER DES DEUX ARGUMENTS, UN OPTIONALE ET L'AUTRE OBLIGATOIRE

```
sd()
```

MONTRER QUE LA POSITION EST IMPORTANTE

```
sd(TRUE,chiffres)
```

```
# Incluez des valeurs manquantes dans "chiffres"
chiffres <- c(chiffres, NA, NA)
chiffres
```

```
# Maintenant, si on ne spécifie pas na.rm, il ne vas pas éliminer les valeurs manquantes parce que le dé.
sd(chiffres)
# Et le résultats est une valeur manquante.
```

```
# Changez na.rm pour TRUE
```

```
sd(chiffres,TRUE)
# Bingo, vous obtenez l'écart-type
```

MONTRER QU'EN NOMMANT LES ARGUMENT LA POSITION N'EST PLUS IMPORTANTE

```
sd(na.rm=TRUE,x = chiffres)
```

À retenir

- Les fonction de R: input -> blackbox -> output
- Les arguments des fonctions peuvent être spécifié par **position** ou par **nom**
- Quelques arguments des fonctions R ont déjà une option/valeur défaut qui est reconnaissable par le “=”.
- D'autres arguments n'ont pas d'option de défaut, est la fonction retourne une erreur si ceux-ci ne sont pas spécifié.