# 第八届全国功能基因组学高峰论坛会议通知

第八届全国功能基因组学高峰论坛将于 2021 年 10 月 18-22 日在湖北武汉震撼开启。该峰会是中国基因产业具有影响力的行业峰会之一,为展示我国功能基因组学在多组学和大数据背景下重大研究进展,促进功能基因组学各研究领域的交流与合作,加强行业信息与资源的共享以及成果转化,特举办本次高峰论坛,论坛规模逾 1000 人,在最新高通量测序技术、多组学分析方法及生物云蓬勃发展的背景下,本届大会将邀请各界领域领军者共同探索功能基因组学的新技术和新思路,以及大数据时代下的功能基因组学发展方向与未来!

### 一、会议基本信息

1、会议时间: 2021年10月18-22日 (17日报到, 18-19日会议, 20-22培训班)

2、会议地点: 湖北武汉

3、主办单位: 北京百迈客生物科技有限公司

4、峰会门票: 2500 元/人

5、峰会官网: http://summit.biomarker.com.cn/

# 二、主题及会场

### 分会场一: 植物功能基因组学研究

随着基因组组装(GA)、种质资源鉴定(GC)、基因功能鉴定(GI)、基因组育种(GB)、基因编辑(GE)的 5G 育种策略快速发展,以高通量测序技术为基础的组学研究已经广泛应用于植物研究的各个领域。本次大会特邀植物功能基因组学、系统与进化植物学、表观遗传学等热点领域顶级专家齐聚一堂,分享植物研究的前言技术、经验成果及发展前景。

#### 分会场二: 动物功能基因组学研究

生物大数据是 21 世纪最具创新力最为活跃的技术领域,多组学技术(如三代基因组/转录组测序、HIC、蛋白&代谢等)在动物基因组学和功能研究上日臻成熟。如何利用大数据解析遗传潜能已成为科研学者重点研究方向。为了展示和交流动物遗传学领域的新成果、新进展,共同探讨动物领域的热点、难点问题,本会场特邀动物领域专家学者,围绕动物起源、进化及遗传多样性、动物育种及重要功能性状遗传机制解析等主题,分享最新研究进展及经验成果。



# 分会场三: 微生物功能基因组学研究

微生物功能基因组学研究——随着全球微生物计划项目的实施,微生物研究领域备受更加广泛的关注。在这个大数据与信息技术高度发展的时代,微生物组学也搭乘"高通量测序技术的列车",探索微生物资源与微生物组学、病原微生物与健康、环境微生物与环境生物技术、微生物生理代谢与合成生物学、新冠病毒等研究领域间的紧密关系。

### 分会场四:疾病多组学前沿研究论坛

疾病的发生发展涉及基因变异、基因表达失调、表观遗传改变等复杂调控网络,搭载 Nanopore 测序技术,联合基因表达量、染色质三维构象、染色质可及性、DNA/RNA 甲基化修饰等热点研究方向,可以从多组学维度系统性研究发病机理、确认疾病靶点和发现生物标志物。本会场特邀医学领域顶级专家齐聚一堂,共同探讨医学研究前沿进展及经验分享。

## 分会场五: 单细胞空间时空多组学领域前沿研究论坛

随着单细胞和空间转录组细胞和空间组学技术的快速发展正在开启生命科学的时空多维新时代,为复杂疾病的细胞异质性研究提供新视角,引领了生物学从"时间"维度走向"空间"维度,从基因组、转录组到表观组的三大组学包含五项高端技术(单细胞 ATAC、单细胞转录组、单细胞免疫组库、单细胞全长转录组、空间转录组),广泛应用于动植物生长发育、肿瘤精准研究等方向。本次论坛特邀请单细胞生物学、空间转录组的顶尖科学家和业界技术领袖齐聚一堂,共同分享了该领域的最新进展和未来愿景。

# 三、培训班介绍(不单独售卖) 峰会培训班: 2000 元/人(原价 2499—2999 元/人) 时间: 2021 年 10 月 20-22 日(三天)请自备电脑!

### 1、遗传进化生信分析课程

随着测序技术的快速发展以及测序成本的极速下降,大规模的群体测序得以实现。拿到海量的测序数据,如何研究材料的宏观进化、功能基因的定位,成为了阻碍众多科研老师的一大障碍。本次课程梳理近年来高分文章行文思路,提取文章中遗传进化相关的常规分析内容,同时涵盖文章中的亮点分析(比如基因流、群体波动史、时间分化等)。本次课程原理和实操相结合,偏重实操,免费答疑,小型服务器免费使用。

### 2、微生物多样性生信分析课程

近年来,环境微生物组学在自然生态环境、植物生长发育、动物与人体健康等领域应用 越来越火热,其研究进展和研究结果频频出现在Nature、GUT、Microbiome、PNAS等顶级期





刊上。QIIME2以可重复、可交互、可扩展的优势也迅速成为微生物多样性领域研究的重要分析手段,本次培训班重点在于帮助大家掌握 linux 系统下基于 QIIME2 软件对微生物多样性数据进行处理和分析的方法,实现数据的自主分析。

### 3、宏基因组测序技术分析课程

百迈客宏基因组培训班,干货满满,从宏基因组背景介绍、实验(实验测序原理、建库方法和流程、送样注意事项等)、分析(下机数据质控、有参注释、无参组装/预测/物种注释/功能注释等)、可视化作图,让您全面了解宏基因组分析每个过程,并结合案例文章,让您了解宏基因组文章思路,助力科学研究

## 4、单细胞数据生信分析课程

细胞和空间组学技术的快速发展正在开启生命科学的时空多维新时代,为复杂疾病的细胞异质性研究提供新视角,引领了生物学从"时间"维度走向"空间"维度,广泛应用于动植物生长发育、肿瘤精准治疗研究等方向。为了促进单细胞数据挖掘和分析,百迈客特开展的单细胞数据分析培训班,将为您呈现细胞分群、细胞分化研究、marker基因鉴定等分析内容,帮助研究者实现了单细胞数据更快、更准、更高的分析转化。

### 四、缴费方式

收款单位: 北京百迈客生物科技有限公司

开户名: 北京百迈客生物科技有限公司

开户行及账号: 北京银行航港支行 20000030331300007039078

(请务必附言: 峰会报名+缴费姓名如多人同时缴费,请注明所有参会人姓名) 请采用银行

汇款方式缴纳注册费

支付宝账号: <u>972014944@qq. com;</u>

### 五、会议联系方式:

会务联系人: 张月鑫 电话: 010-57045069:

邮箱: zhangyx@biomarker.com.cn

赞助联系人: 史俊红 电话: 15901339541;

邮箱: shijh@biomarker.com.cn



