



Università  
degli Studi di  
Messina

# Breadth-First Search con il paradigma Map/Reduce

Daryn Calangi - Mariachiara Trifirò

Università degli studi di Messina

# Presentation Overview

- 1 Stato dell'arte
- 2 Descrizione del problema
- 3 Implementazione
- 4 Risultati sperimentali
- 5 Conclusioni e sviluppi futuri

# Campi di applicazione

L'implementazione distribuita dell'algoritmo trattato, trova applicazione in vari ambiti: l'identificazione delle potenziali aree di guasto e la gestione dei nodi critici all'interno di reti, l'analisi dei *path length* all'interno dei Social Network.

# Campi di applicazione

- Wireless Multi-hop Networks (WMhN);
- Computing Reachability Preserving Graph;
- Online Social Networks (OSN).

# Descrizione del problema

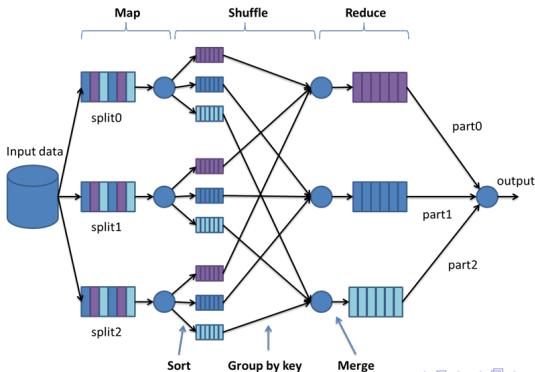
Il problema affrontato tratta l'implementazione dell'algoritmo **Breadth First Search** in ambiente distribuito sulla base del paradigma di programmazione **Map/Reduce** sfruttando il framework **Ray**.

# BFS

La ricerca in ampiezza (**BFS**, *Breadth First Search*) è un algoritmo di ricerca non informato che esamina tutti i nodi di un grafo o di un albero in modo sistematico ed esaustivo.

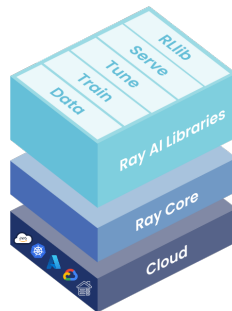
# Map/Reduce

Il concetto su cui si basa il Map/Reduce consiste nel suddividere l'operazione di calcolo in più partizioni processate in modo autonomo. Una volta completata l'esecuzione di ciascuna porzione, i vari risultati parziali vengono *ridotti*, cioè ricomposti, ad un unico risultato finale.



# Ray

Ray è un framework open-source progettato per supportare l'esecuzione distribuita di applicazioni che richiedono una potenza di calcolo non indifferente mantenendo alte le prestazioni.





# Due implementazioni a confronto

L'obiettivo del progetto è analizzare due tipologie di implementazione:

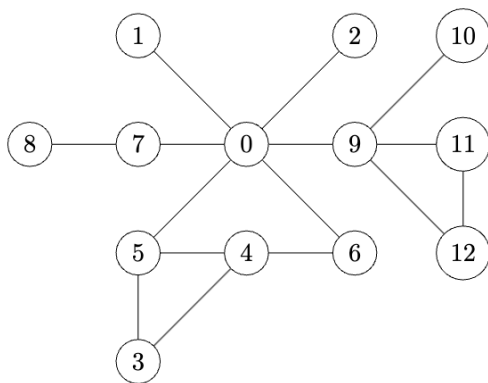
- **BFS Sequenziale**
- **BFS Parallelo**

# Paradigma di programmazione

Entrambi i codici realizzati si basano su una logica orientata agli oggetti (**OOP**, *Object Oriented Programming*), utilizzando il linguaggio di programmazione Python. Sono state implementate due classi principali: **Graph** e **Node**.

# Grafo

La classe **Graph** realizza il grafo fornendo in ingresso il percorso del file, quindi del dataset contenente i nodi e le connessioni tra questi.



Vertex	Neighbours
0	1, 2, 5, 6, 7, 9
1	0
2	0
3	4, 5
4	3, 5, 6
5	0, 3, 4
6	0, 4
7	0, 8
8	7
9	0, 10, 11, 12
10	9
11	9, 12
12	9, 11

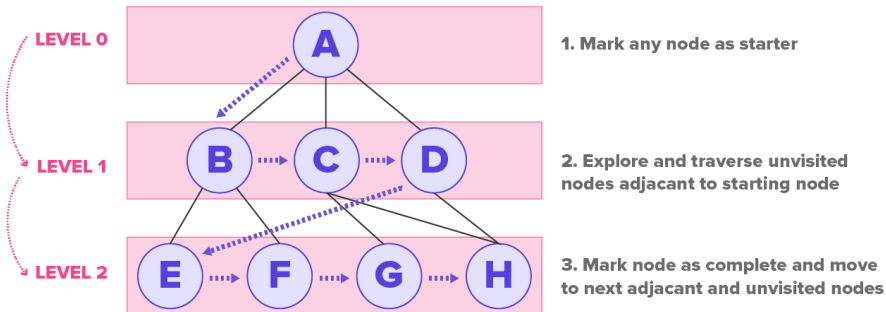
# Nodo

La classe **Node** è caratterizzata dalle seguenti variabili di istanza:

- **id**
- **source**
- **color** che può essere
  - 1 WHITE
  - 2 GRAY
  - 3 BLACK
- **dist**
- **neighbours**
- **path\_list**

# BFS Sequenziale

In questa implementazione è stata mantenuta la logica classica dell'algoritmo BFS che attraversa il grafo seguendo un ordine del tipo **FIFO** (*First In First Out*) come mostrato in figura.



# BFS sequenziale: pseudocodice

```
1: queue.put(source)
2: while queue is not empty do
3:   parent  $\leftarrow$  queue.get()
4:   for each  $v \in L_u$  do
5:     if  $v.\text{color} == \text{WHITE}$  then
6:        $v.\text{color} \leftarrow \text{GRAY}$ 
7:        $v.\text{dist} \leftarrow \text{parent}.\text{dist} + 1$ 
8:        $v.\text{path\_list}.\text{extend}(\text{parent}.\text{path\_list})$ 
9:       queue.put(v)
10:    end if
11:  end for
12:  parent.color  $\leftarrow$  BLACK
13: end while
```

▷  $L_u$  is the adjacency list of  $u$

# BFS Parallelo

Come accennato in precedenza, nell'approccio distribuito è stata implementata una logica basata sul paradigma Map/Reduce suddividendo il grafo di partenza per darlo in pasto alle routine di **map** e **reduce** in grado di operare in parallelo grazie anche ad una fase di **shuffling** intermedia.

# Schema Map/Reduce

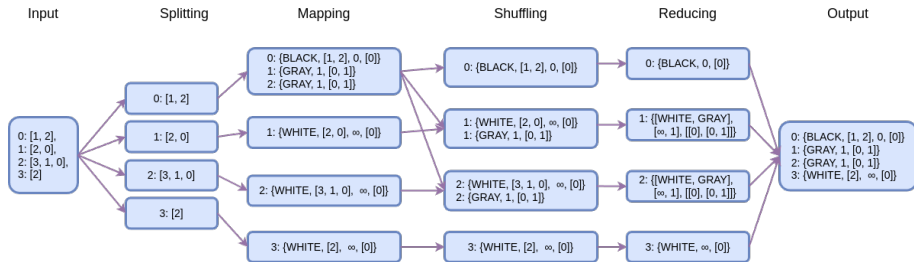


Figure: Schema Map/Reduce



# Map

La fase di mapping consiste nell'emissione di un insieme di tuple con l'id del vertice come chiave e il vertice stesso come valore. Se il vertice risulta essere *GRAY*, i suoi vicini vengono aggiunti al set di risultati come nuovi vertici da esplorare con distanza incrementata e percorso modificato.

# Map

```
1: Input: key (ID of the current node); value (node information)
2: Output: Node – a new node is emitted
3:
4:  $u \leftarrow (\text{Node})\text{value};$ 
5: if  $u.\text{color} == \text{GRAY}$  then
6:   for each  $v \in L_u$  do
7:      $v \leftarrow \text{new Node}();$ 
8:      $v.\text{color} \leftarrow \text{GRAY};$ 
9:     for each  $c \in P_u$  do
10:       $v.P_v.\text{add}(c);$ 
11:    end for
12:     $\text{emit}(v.\text{ID}, v);$ 
13:  end for
14:   $u.\text{color} \leftarrow \text{BLACK};$ 
15: end if
16:  $\text{emit}(\text{key}, u);$ 
17: return ;
```

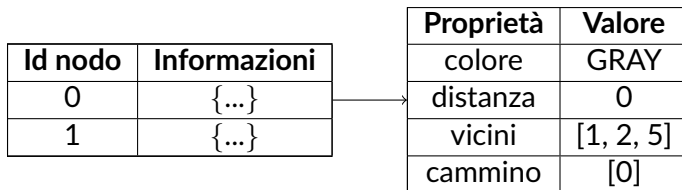
▷ mark  $v$  as unexplored  
▷  $L_u$  is the adjacency list of  $u$

▷  $P_u$  is the path list of  $u$

▷ mark  $u$  as explored

# Shuffle

I risultati della fase di mapping vengono riorganizzati in un dizionario annidato.



# Reduce

Quest'ultima routine acquisisce i risultati ottenuti dalla fase precedente e mantiene solo l'istanza del nodo che presenta la distanza minore, ovvero il cammino minimo trovato finora. Restituisce una lista di nuovi nodi aggiornati da fornire in ingresso alla funzione **map** nella prossima iterazione.

# Reduce

```
1: Input: values (nodes from shuffling phase)
2: Output: nodes (list of updated nodes)
3:
4: nodes  $\leftarrow []$ 
5: for each  $v \in \text{values}$  do
6:   newNode  $\leftarrow$  new Node();
7:   newNode.dist  $\leftarrow \min(v.\text{dist})$ ;
8:   index  $\leftarrow \text{index}(v.\text{dist})$ ;
9:   newNode.color  $\leftarrow \text{setToDarkest}(v.\text{color})$ ;
10:  newNode.path_list  $\leftarrow v.\text{path\_list}[\text{index}]$ ;
11:  nodes.add(newNode);
12: end for
13: return nodes;
```

# Esempio di esecuzione

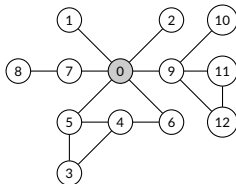


Figure: Iterazione 0

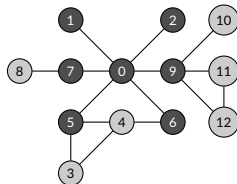


Figure: Iterazione 2

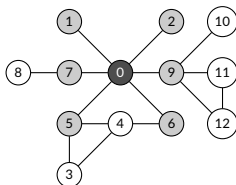


Figure: Iterazione 1

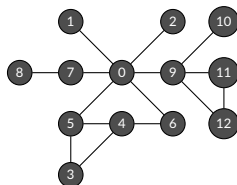


Figure: Iterazione 3

# Dataset utilizzati

Dataset	Nodes	Edges
tiny	13	15
small	250	1273
medium	77.360	905.468
large	325.729	1.497.134

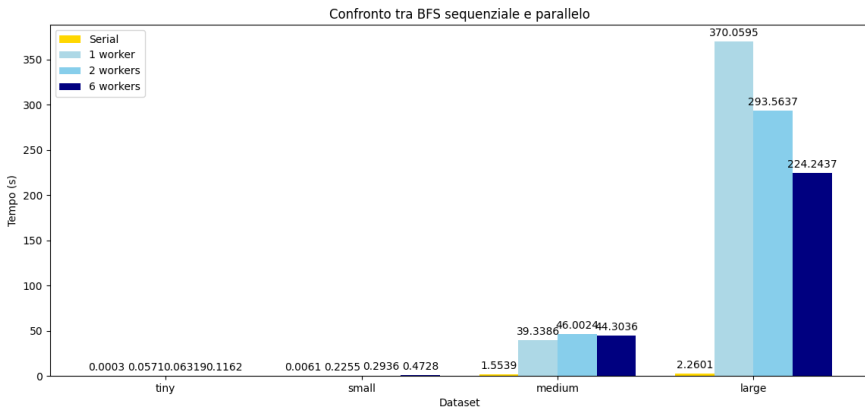
**Table:** Dimensioni dei dataset

# Formato dei dataset utilizzati

FromNodeID	ToNodeID
0	5
4	3
0	1
9	12
6	4
5	4
0	2
11	12
9	10
0	6
7	8
9	11
5	3
0	7
0	9



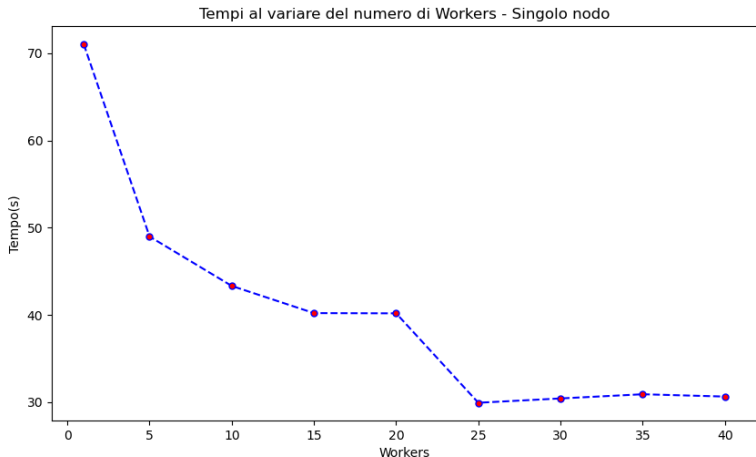
# Risultati ottenuti



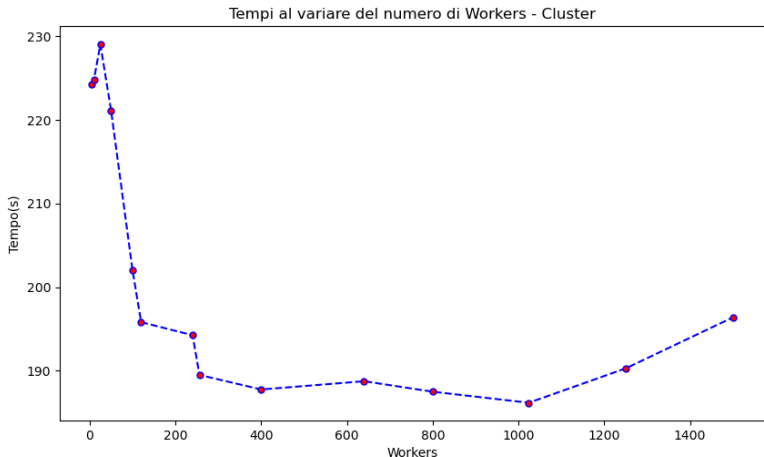
# Risultati ottenuti

Dopo aver constatato la maggiore efficienza dell'implementazione sequenziale si è cercato di trovare la quantità di partizioni che ottimizza il più possibile la variante parallela ottenendo i seguenti risultati lanciando il codice rispettivamente in un cluster contenete un singolo nodo e in quello completo.

# Risultati ottenuti



# Risultati ottenuti



# Conclusioni

Non è stato trovato il dataset che ha permesso di individuare il *cut off*, cioè il punto in cui le prestazioni dell'algoritmo BFS implementato in modo sequenziale divergono significativamente rispetto a quelle ottenute implementando l'algoritmo in modo distribuito.

# Sviluppi futuri

Implementare l'algoritmo BFS in contesti *distribuiti* risulta essere sfidante a causa della comunicazione di rete, vengono proposte diverse soluzioni. Tra queste:

- Identificare e filtrare visite ai vertici non necessarie per ridurre le comunicazioni.
- Sfruttare architetture gerarchiche moderne per aggregare informazioni e eliminare visite inutili.

# Istruzioni di avvio

Per eseguire il codice appena descritto, il comando da lanciare è del seguente tipo:

```
BFS_map_reduce.py -p dataset.txt -w NUM_WORKERS
```

<https://github.com/Riachi02/BFS-MapReduce.git>