Modelo SEIR mejorado del COVID-19 y sus dinámicas

Rafael Mejía Zuluaga

Departamento de Ingeniería Eléctrica, Electrónica y Computación Universidad Nacional de Colombia sede Manizales rmejiaz@unal.edu.co

Resumen—El presente documento es un análisis del artículo SEIR modeling of the COVID-19 and its dynamics [1]. Primero, se hace una breve descripción del modelo SEIR clásico y del modelo presentado por los autores, el cual es una versión mejorada del mismo. Luego, se presentan los resultados y el análisis de algunas simulaciones realizadas en Python y por último se exponen algunas conclusiones.

Palabras Clave— Modelo SEIR, Modelado Epidemiológico, COVID-19, Bifurcaciones, Predicciones, Caos

I. Introducción

Los modelos SEIR son ampliamente utilizados en el campo de la epidemiología para modelar el compartamiento de enfermedades infecciosas como lo es en la actualidad el COVID-19. Utilizando estos modelos es posible hacer predicciones con respecto a la evolución y propagación de enfermedades infecciosas dentro de una población, que luego pueden ser utilizadas por los entres gubernamentales en la toma de desiciones.

El modelo SEIR clásico parte de un principio fundamental el cual consiste en dividir a la población total en cuatro grupos diferentes: S (susceptibles), E (expuestos), I (infectados) y R (recuperados). La idea es que a media que pasa el tiempo, todos los individuos de la población van a pertenecer a todos los grupos, siguiendo la ruta $S \to E \to I \to R$. Las variables del sistema son prescisamente la cantidad de personas en cada uno de estos grupos. El modelo también parte de la base que la cantidad total de individuos N se mantiene constante (no toma en cuenta los nacimientos ni las muertes), por lo que la cantidad de personas que salen de un grupo necesariamente deben entrar a otro de los grupos, y en todo momento se cumple N=S+E+I+R.

II. MODELO SEIR MEJORADO

El modelo propuesto por He et al. [1] es una versión ampliada del modelo SEIR clásico, en el cual se incluyen dos variables más: H (hospitalizados) y Q (en cuarentena). Además, se divide la categoría de infectados en dos grupos: I_1 (infecados sin intervención) e I_2 (infectados con intervención).

A diferencia del modelo SEIR clásico, en este modelo se tienen dos canales principales, el primero es $S \to E \to I_1 \to R$ y el segundo $S \to Q \to I_2 \to H \to R$. El primer caso ilustra el comportamiento natural de una pandemia y equivale al SEIR clásico, mientras que el segundo hace referencia a los mecanismos de control impuestos por los gobiernos tales como cuarentenas y hospitazaciones. Por último, otra diferencia importante de este modelo con respecto al SEIR clásico es que en este los individuos pueden pasar de R nuevamente a S, pues se ha demostrado que es

posible contagiarse más de una vez. A continuación se muestra el modelo propuesto:

$$\begin{cases} \dot{S} = -\frac{S}{N} \left(\beta_{1} I_{1} + \beta_{2} I_{2} + \chi E \right) + \rho_{1} Q - \rho_{2} S + \alpha R \\ \dot{E} = \frac{S}{N} \left(\beta_{1} I_{1} + \beta_{2} I_{2} + \chi E \right) - \theta_{1} E - \theta_{2} E \\ \dot{I}_{1} = \theta_{1} E - \gamma_{1} I_{1} \\ \dot{I}_{2} = \theta_{2} E - \gamma_{2} I_{2} - \varphi I_{2} + \lambda \left(\Lambda + Q \right) \\ \dot{R} = \gamma_{1} I_{1} + \gamma_{2} I_{2} + \phi H - \alpha R \\ \dot{H} = \varphi I_{2} - \phi H \\ \dot{Q} = \Lambda + \rho_{2} S - \lambda \left(\Lambda + Q \right) - \rho_{1} Q \end{cases}$$
(1)

En los cuadros I y II se pueden ver las descripciones de las variables y los parámetros del modelo respectivamente.

Variable	Descripción
\overline{S}	Susceptibles
E	Expuestos
I_1	Infectados sin intervención
I_2	Infectados con intervención
R	Recuperados
Q	En cuarentena
H	Hospitalizados
	Cuadro I

DESCRIPCIÓN DE LAS VARIABLES DEL SISTEMA

Parámetros	Descripción	
α	Tasa de inmunidad temporal	
β_1, β_2	Tasa de transmisión por contacto con la clase de infecados	
χ	Probabilidad de transmisión por contacto con individuos expuestos	
θ_1, θ_2	Tasa de transición de individuos a la clase de infectados	
γ_1,γ_2	Tasa de recuperación de infectados sintomáticos a recuperados	
φ	Tasa de transición de infectados con síntomas a hospitalizados	
ϕ	Tasa de recuperación de individuos infectados en cuarentena	
λ	Tasa de transición de individuos en cuarentena a infectados	
ρ_1, ρ_2	Tasa de transición entre susceptibles y en cuarentena y vice versa	
Λ	Entrada externa de otros países o regiones	
Cuadro II		

DESCRIPCIÓN DE LOS PARÁMETROS DEL SISTEMA

La figura 1 muestra un diagrama de flujo del modelo con los diferentes canales.

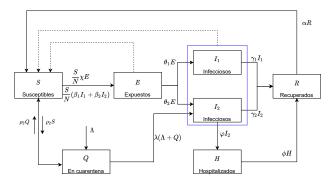


Figura 1. Diagrama de flujo del modelo

Como puede verse, el modelo tiene una gran cantidad de parámetros, los cuales deben ser cuidadosamente seleccionados según las dinámicas de cada región. Por ejemplo, los mecanismos de control impuestos por los gobiernos pueden variar en cada país.

En el caso del artículo original, se utiliza el algoritmo PSO (particle swarm optimization) para estimar los parámetros del modelo de acuerdo a un conjunto de datos de la provincia de Hubei, en China, de donde también se toman las condiciones iniciales del sistema.

Los cuadros IV y III muestran las condiciones iniciales y los parámetros utilizados.

Parámetros	Valores
α	$1,2048 \times 10^{-4}$
β_1	$1,0538 \times 10^{-1}$
eta_2	$1,0538 \times 10^{-1}$
χ	$1,6221 \times 10^{-1}$
$ heta_1$	9.5×10^{-4}
θ_2	$3,5412 \times 10^{-2}$
γ_1	8.5×10^{-3}
$\dot{\gamma}_2$	$1,0037 \times 10^{-3}$
$\dot{\lambda}$	$9,4522 \times 10^{-2}$
$ ho_1$	$2,8133 \times 10^{-3}$
ρ_2	$1,2668 \times 10^{-1}$
Cıı	adro III

PARÁMETROS UTILIZADOS ESTIMADOS A PARTIR DEL ALGORITMO PSO

Variable	Valor		
N	$6,5563 \times 10^4$		
E	5077		
I_1	$I_2 \times 0.01$		
I_2	729		
H	658		
R	32		
Q	4711		
Λ	10		
Cuadro IV			

CONDICIONES INICIALES DEL SISTEMA

La figura 2 muestra una simulación del problema de valor inicial, utilizando los mismos parámetros y valores iniciales del artículo.

III. INFECCIÓN ESTOCÁSTICA Y ESTACIONAL

La estacionalidad es ampliamente utilizada en modelos epidemiológicos. A pesar de que no se sabe a ciencia cierta su efecto en la propagación del COVID-19 (por lo menos a la

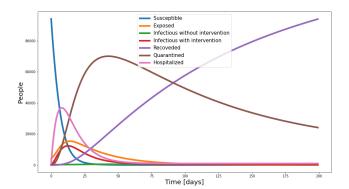


Figura 2. Solución numérica del problema de valores iniciales realizada en Python

fecha de publicación del artículo original), se intenta introducir estacionalidad al sistema para analizar el caos, por fines netamente académicos.

Además de esto, existen muchos factores imprededecibles que afectan las diferentes tazas de contagio, por lo que es conveniente estudiar también el efecto del ruido en estas.

En particular, se analizan 3 casos diferentes, introduciendo estacionalidad y ruido a diferentes parámetros.

III-1. Caso 1: El parámetro β_1 contiene estacionalidad e infección estocástica, y las tres tazas de contacto e infección se definen como:

$$\beta_2 = 30,03, \ \chi = 30,40$$

 $\beta_1(t) = \beta_0(1 + \varepsilon_1 \sin(2\pi t) + \varepsilon_2 \xi(t)$

Donde $\beta_0 = 2 \times \beta_1 = 60$, ε_1 y ε_2 son grados de infección estacional y estocástica respectivamente. $\langle \xi(t) \rangle$ es ruido blanco gausiano, el cual tiene las propiedadees de $\langle \xi(t) \rangle = 0$ y $\langle \xi(t), \xi(\tau) \rangle = \delta(t-\tau)$

La figura 3 muestra algunas simulaciones de este caso variando $\varepsilon_1, \varepsilon_2$ y α . En particular se analizan 3 casos: uno sin infección estacional ni estocástica, otro con infección unicamente estacional, y por ultimo uno con infección estacional y estocástica.

Para el primer caso, puede verse como el sistema se estabiliza en una región confinada, mientras que con infección estacional y estocástica el sistema presenta oscilaciones alrededor de un punto. En ambos casos las órbitas no son únicas; por el contrario existen diferentes órbitas (caos) las cuales en el caso de infección estacional no se hacen tan evidentes por su proximidad, mientras que en el caso estacional y estocástico se pueden apreciar claramente numerosas órbitas.

III-2. Caso 2: El parámetro β_2 contiene infección estocástica y estacional, mientras que las otras dos tazas de infección permanecen constantes. Los parámetros quedan definidos como:

$$\beta_1 = 30, \ \chi = 30,40$$

 $\beta_2(t) = \beta_0(1 + \varepsilon_1 \sin(2\pi t) + \varepsilon_2 \xi(t))$

Donde $\beta_0=2\times\beta_2=60,\ \varepsilon_1\ y\ \varepsilon_2$ son grados de infección estocástica y estacional respectivamente.

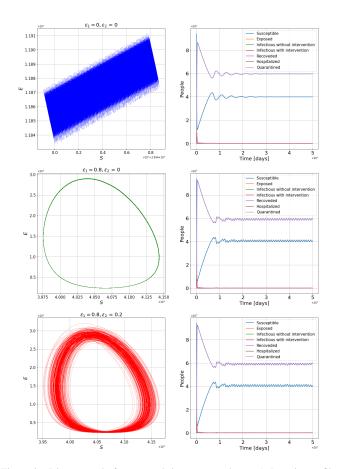


Figura 3. Diagramas de fase y en el tiempo para el caso 1. La primera fila representa el caso en el que $\varepsilon_1=0$ y $\varepsilon_2=0$ (sin infección estacional ni estocástica). La segunda fila para $\varepsilon_1=0.8$ y $\varepsilon_2=0$ (infección estacional pero no estocástica) y la tercera para $\varepsilon_1=0.8$ y $\varepsilon_2=0.2$ (infección estacional y estocástica)

Al igual que en el caso 1, en este se varían los parámetros de diferentes formas para analizar diferentes escenarios, como se puede ver en la figura 4. Dado que ya se demostó en el caso 1 que el sistema sin infección estacional ni estocástica no presenta caos, este caso se obvia. Para los otros dos casos (solo estacional y tanto estacional como estocástica) se utilizan diferentes valores de α . En general, los resultados son muy similares a los del caso 1. En ambos casos se evidencia presencia de caos, aunque claramente y por obvias razones más marcada en el caso de infección estocástica. A pesar de que las figuras lucen todas iguales, hay variaciones en las escalas por lo que se puede concluir que el parámetro α afecta la amplitud de las oscilaciones generadas por la estacionalidad de la infección.

III-3. Caso 3: El parámetro χ contiene infección estocástica y estacional, y β_1 y β_2 son constanes. En este caso, los parámetros estarían dados por:

$$\beta_1 = 30, \ \beta_2(t) = 30$$
$$\chi = \chi_0(1 + \varepsilon_1 \sin(2\pi t) + \varepsilon_2 \xi(t))$$

Donde $\chi_0=2\chi=60.8,\ \varepsilon_1$ y ε_2 son grados de infección estocástica y estacional respectivamente.

Como se puede ver en la figura 5, se realizan simulaciones para 3 casos diferentes variando α, ε_1 y ε_2 . Al igual que con los

dos casos anteriores, en este también se presentan diferentes tipos de órbitas, siendo de mayor amplitud la de mayor α . Esto se puede ver tanto en el diagrama de fase como en la solución en el tiempo. Además, también es evidente que el caso en el que $\alpha=0.08$ el sistema se estabiliza mucho más rápido que los otros dos.

En todos los casos, el ruido blacno gausiano se simuló utilizando una variable aleatoria con función de distribución normal, con $\mu=0$ y $\sigma=0,1$.

La tabla V contiene los valores de los demás parámetros utilizados en esta sección. Los cuales pueden parecer demasiado grandes para tratarse de un modelo epidemiológico, sin embargo estos pueden tener sentido, ya que dentro del modelo se multiplica por S/N. Estos parámetros no son los mismos que se estimaron con el algortimo PSO, sino que se seleccionaron porque se encontró que con estos puede encontrarse caos en el sistema.

Por último cabe resaltar que para los diagramas de fase se graficaron únicamente los últimos valores de la simulación, para eliminar así el transotorio de esta. De lo contrario, por temas de escala no sería posible apreciar las órbitas que aparecen en el estado estacionario.

Parámetros	Valores		
θ_1	20,054		
$ heta_2$	20,12		
γ_1	26		
γ_2	26		
φ	0,00009		
ϕ	0,8		
λ	0,4		
$ ho_1$	1/14		
$ ho_2$	0,002		
Λ	10		
Cuadro V			

PARÁMETROS UTILIZADOS PARA SIMULAR LOS DIFERENTES CASOS DE INFECCIÓN ESTACIONAL Y ESTOCÁSTICA

IV. CONCLUSIONES

- Los modelos SEIR pueden ser de gran utilidad para predecir el avance de una epidemia en una región determinada.
- La estimación de los parámetros de acuerdo a cada región es de vital importancia para obtener resultados útiles e interpretables.
- El modelo en cuestión presenta caos pero únicamente para los casos en los cuales se añaden tazas de infección estacionales y estocásticas, y las oscilaciones que se tienen son en realidad forzadas.

ANEXO 1: CUADERNO CON SIMULACIONES

Todas las simulaciones y códigos pueden ser consultados en el siguiente enlace: https://github.com/Rmejiaz/ModeladoSimulacion/blob/main/Cuadernos/Proyecto.ipynb

V. REFERENCIAS

 He, S., Peng, Y. & Sun, K. SEIR modeling of the COVID-19 and its dynamics. Nonlinear Dyn 101, 1667–1680 (2020). https://doi.org/10.1007/s11071-020-05743-y

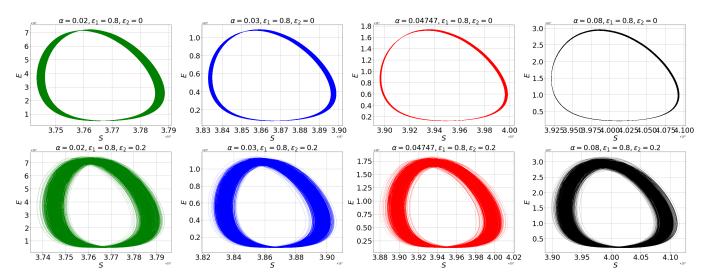


Figura 4. Diagramas de fase para diferentes valores de ε_1 , ε_2 y α . La primera fila con $\varepsilon_1=0.8$ y $\varepsilon_2=0$ (infección estacional pero no estocástica), mientras que en la segunda fila se encuentran $\varepsilon_1=0.8$ y $\varepsilon_2=0.2$ (infección estacional y estocástica). En cuanto al parámetro α , este varía a lo largo de las columnas en el siguiente orden: $\alpha=[0.02;0.03;0.04747;0.08]$

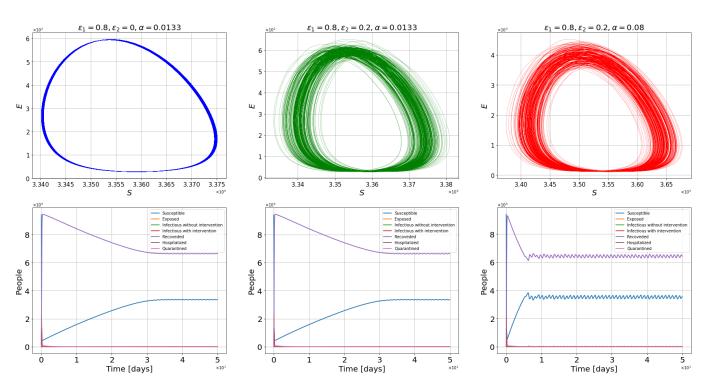


Figura 5. Diagramas de fase y en el tiempo para: $\varepsilon_1=0.8, \varepsilon_2=0$ y $\alpha=0.01333$ (infección estacional); $\varepsilon_1=0.8, \varepsilon_2=0.2$ y $\alpha=0.0133$ (infección estacional y estocástica); $\varepsilon_1=0.8, \varepsilon_2=0.2$ y $\alpha=0.0133$ (infección estacional y estocástica)