

```

prof_url <-
"http://www.profepa.gob.mx/innovaportal/file/7635/1/accionesInspeccionfoanp.csv"
profepa <- read.csv(prof_url, encoding = "latin1")
head(profepa)

summary(profepa)

mean(profepa$Inspección)

ins <- subset(profepa, profepa$Inspección >=mean(profepa$Inspección))
bajo <- subset(profepa, profepa$Inspección <=mean(profepa$Inspección))
cero <- subset(profepa, profepa$Inspección == 0)
todos <- subset(profepa, profepa$Inspección != 0)

# Descarga de datos seguros -----

library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")

conjunto$Especie <- as.factor(conjunto$Especie)
conjunto$Clase <- as.factor(conjunto$Clase)
summary(conjunto)

boxplot(conjunto$Diametro ~ conjunto$Especie)

SpFH <- subset(conjunto, conjunto$Especie != "C")
tapply(SpFH$Diametro, SpFH$Especie, mean)

boxplot(SpFH$Diametro ~ SpFH$Especie,
        xlab = "Especies",
        ylab = "Diametro",
        col = "blue")

# Normalidad de datos -----
shapiro.test(SpFH$Diametro)

# Homogeniedad de varianzas -----
bartlett.test(SpFH$Diametro, SpFH$Especie)

# Prueba de t independiente -----
t.test(SpFH$Diametro ~ SpFH$Especie, var.equal = T)

# Prueba t de una muestra -----
t.test(conjunto$Diametro, mu = 16.4)

prod <- read.csv("produccion.csv", header = T)
View(prod)
boxplot(prod$Kgsem ~ prod$Tiempo)

t.test(prod$Kgsem ~ prod$Tiempo, paired = T)

```

```
tapply(prod$Kgsem, prod$Tiempo, mean)
```