UNIVERSIDADE FEDERAL DO RIO GRANDE DO SUL - UFRGS INSTITUTO DE INFORMÁTICA - DEPTO INFORMÁTICA TEÓRICA BIOLOGIA COMPUTACIONAL- 2018

LISTA DE EXERCÍCIOS III

Instruções:

- A resolução do exercício deve ser feita **individualmente**. Cópias evidentes entre trabalhos não serão aceitas.
- A entrega deve ser online via Moodle (exclusivamente), somente até a data especificada.
- Para cada uma das tarefas deve-se entregar o com codigo fonte. O nome do aquivo deve identificar a tarefa, exemplo "e3-1a.py" referente ao item "1a" da tarefa. Arquivos corrompidos serão desconsiderados.
- Além do código fonte deve-se entregar um um único arquivo PDF com o nome "e3-i1.pdf" apresentando o pseudocódigo do algoritmo desenvolvido e os resultados encontrados.
- Não serão aceitos trabalhos atrasados.
- Data de entrega: 28.08.2018 (terça-feira) até as 13:00 via Moodle (https://moodle.ufrgs.br/login/index.php).

NOME:	CARTÃO:
NOME	UAILI AU

Considere as sequintes seqüências:

>gi|110319967|emb|CAJ44466.1| haemoglobin type 1 [Biomphalaria glabrata] MFVLKGSVVQAFVLLSIVCLEITIADDGVRYVNAEWKRPEQSQEGRHSCTARRLEDNSEEVACSTEVKFR QRAPAEYANKIKKAKDKLRRLESQFDDCQQENDRKDRLIQLQANLTDTIHRLVTDSDIQALRSSWATLTA GADGRNNFGNNFVLWLLNTIPNIRERFEKFNAHQSDEALKNDNEFVKQVKLIVGGLQSFIDNLENPGQLQ ATIERLASVHLKMRPTIGLEYFRPLQENIAQYVASALGVGADDAAPKAWERLLNAFNEVLNSFANYNIGL SDTDKVALQSSWSRLTAGADGKRNAGVRLVLWMFNNVPNMRERFTKFNARQSDEALKTDAEFLKQVDAII GGFETLINNLNDADLLLNRLESLADEHLEKKPAISSNYFGPLQKNIHLFIEGTLNFGSDSDEARAWTHLV GALNKVIKDHAIHNLGLSDIDRDALVSSWNQLTGRAGGSRNAGTNLVLWMLENVPNMRDQFSKFNARQSD DNLRKDAEFVRQVDLITGGLESLVDNVNNPIFLQEALVRLADAHLNLKPRVGLEYFGPLQRYIHAYIEKA LGVSADSAAPRAWTDLLTAFNNVLKDRTFLRIVSDDDRRALQSSWSRLQSQAGNKQEAGIKLVTWLFDNV PNMRDRFTKFNAHSSDEALRANNEFLRQVDVIVGGLDSLINNVDNSDNFQAAIERLVDVHLHMSPSVGLE YFGPLQQNIRSYIQNALGVAADSAEARSWTNLFTAFNEFLADHTIQKIGLSPTDRKVLDRTWKQLTSGGK QEAGVKLVLWMFDQVPNMRDQFSKFDARKSEAELRNDAEFINQVNNIVGGLDSILNNLDKPGQLQAALER LADYHLDHKPRIGLEFFGPLQKYIHLYIESALNVAVGSEESRAWTDLLTALNKVIRDHAIDRLGLSDNDR EAIDSSWKKLRSGAGGRRNAGIKLVQWMLRTIPNMRDRFNKFDAKQSDAALQRDPEFLAQVDRILGGVES LVNNVDDPVALKAAIDRLADAHLSFDPRVGLDYFGPLQTYIHDYIEEALGVGADSDEAKGWTDLFAAFNK VLKERTVLKIVSDNERAALRSSWDSLKSAAGGTQEAGVRLVLWMLQNVPNMRERFNKFNALQGDDALRAD AEFVKQVERIAGGLESLINNVDNQGKLQAAIDRLVNAHLNFRPSVGLEYFQPLQENIYKYLESALIVAAD SNEAKAWTHLLSAFNTVLREHSLEKIGLSDVDRKALESSWKKLTDAAGGSENAGTNLVFWLLDNVPNMRD RFTKFNAHQSNAALQDDDEFRNQVRAITRGIESFVNNVNNPAALQSSIENLVDAHLNFQPSIGLSYFGSV QQYIHLYIAKALGVASNSDEAKSWTNLFAAFNKVLKEHSLEKIGISDSDKRALVSSWKKLTAGGRQNFGV DLVLWMFNNVPNMREQFTKFDAKQSDADLRRDPNFLKQVNNIINGVGDLVDSVNDPGKLQANLERLTDVH LHFVPSVGPEFFGPLQKNIHTFIEQALGVGADSDEPKAWTDLIGAFNKVLNDHAIQHIGLSETDRRALDS SWKRLTAGENGVQKAGVNLVLWFFNNIPNMRERFTKFDANQADDALRADPEFQKQVNVIVGGLKSFLDSV NDPIALQANMDRVAEAHLSMDPVVGVPYFSALSQNIHRFIEISLGVTADSDESQAWTDLLAGFTRVVRNR AVLRKVSDSDKSAFVSSWNELIRKAASRRNAGVNLVLWLFNNVPNMRNHFTKFNGNQPDAALRNDQEFLN QVDRIAGGLESLVKNVNNPARFLDALERLSSAHLNMKPSIGLEYFGPLQQNIHTYIESALGVAAGSDEAN AWTDVFGAFNEILKYSSVEKIGLSDSDKQALTSSWSSLIAEGKDTAGEKLVLWMFDNVPNMRARFTKFDA

TQSDEALRNDKEFRNQVNVIVGGLELLINSVNEPGQLQANLEKLVDDHLHMVPSVGLEYFGPLQKYIHLF IEKALGVSSNSVESKSWTNLLRAFNKVLKEHSVKKIGLSEEDRKAIVSSWRKLVGRAGGRDNAGTNLVLW MFENVPNMRDRFTKFNAYQPDSALRQDREFGAQVDRITSGLESLVNNVENPGQFQAALERLSTLHKNKTP SVGLQYFGPLQRYIHLYIEQNLNVASDSVESRAWTNLFASFNEVLKKA

>gi|19549331|ref|NP599030.1| cytoglobin [Homo sapiens]
MEKVPGEMEIERRERSEELSEAERKAVQAMWARLYANCEDVGVAILVRFFVNFPSAKQYFSQFKHMEDPL
EMERSPQLRKHACRVMGALNTVVENLHDPDKVSSVLALVGKAHALKHKVEPVYFKILSGVILEVVAEEFA
SDFPPETQRAWAKLRGLIYSHVTAAYKEVGWVQQVPNATTPPATLPSSGP



Figure 1: Biomphalaria Glabrata (esquerda) e Homo Sapiens (direita).

Implemente um conjunto de rotinas computacionais para realizar as tarefas que seguem:

- 1. Desenvolva um algoritmo que leia duas seqüências n e m.
- 2. Implemente e utilize o algoritmo de Smith-Waterman para alinhar estas següências.
- 3. O programa deve imprimir na tela a tabela final de alinhamento, as duas cadeias alinhadas e identidade do alinhamento.
- 4. Regras:
 - Valor para GAP: -2
 - Valor para Match: +1
 - Valor para Mismatch: -1

•
$$S_{i,j} = \text{MAX} \begin{bmatrix} 0 \\ S_{i-1,j-1} + s(a_i, b_j) \\ S_{i,j-1} + gap(seq1) \\ S_{i-1,j} + gap(seq2) \end{bmatrix}$$

5. O que podemos concluir a partir do alinhamento?

- ⇒ Biomphalaria glabrata é uma espécie de caramujo da família Planorbidae, hospedeiro intermediário do Schistosoma mansoni causador da doença chamada esquistossomose. B.glabrata é uma espécie aquática e habita ambientes de água doce, principalmente em lagoas, canais e valas de irrigação e em pequenos cursos de água.
- \Rightarrow Cytoglobin is a globin molecule ubiquitously expressed in all tissues and most notably utilized in marine mammals. It was discovered in 2001 and named cytoglobin in 2002. It is thought to protect against hypoxia. The predicted function of cytoglobin is the transfer of oxygen from arterial blood to the brain.