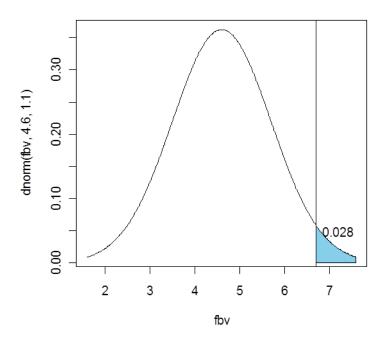
## Fasteblodsockervärde



```
fbv<- seq(1.6, 7.6, 0.01) plot(fbv, dnorm(fbv, 4.6, 1.1), type="l", xlim=c(1.6, 7.6), main="Fasteblodsockervärde") 1 - pnorm(6.7, 4.6, 1.1) # andelen personer som har 6.7 eller högre abline(v=6.7) # vi ritar in mätningen 6.7 i grafen. v står för x-värdet för vertikal linje cord.x<- c(6.7, seq(6.7, 7.6, 0.01), 7.6) cord.y<- c(0, dnorm(seq(6.7, 7.6, 0.01), 4.6, 1.1), 0) polygon (cord.x, cord.y, col='skyblue') text(7.2, 0.05, (round(1 - pnorm(6.7, 4.6, 1.1), 3)))
```