דו"ח תרגיל בית 1 עיבוד שפה טבעית

איסה שוט סטיינברג ־ 341241897 רוני כהן ־ 206134867

אימון

המאפיינים אשר הגדרנו הם:

- $f_{100} f_{107} \bullet$
- מספר מכילה מילים מוכלת בקבוצת מוכלה מכילה מכילה $^{ au}$ f_{number}
- ם בין כל משפחה ההבדל אותיות גדולות, כאשר ההבדל בין כל משפחה החלקת משפחות עבור אותיות החלקת מחלקת מחל
 - "רבים", s מסתיימת מסתיימת המילה f_{plural}
 - בתחום בתחות נפוצות בתחום $^{ au}$ יש למילה סיפא/רישא מתוך רשימה של $^{ au}$ למילה סיפא/רישא מתוך רשימה בתחום $^{ au}$
 - (מקף) מכילה f_{hyfen}
 - מודל במילה ביטוי מוכר מהדומיין הרלוונטי עבור כל מודל מופיעה במילה ביטוי מופיעה ל f_{bio_terms}
 - המילה מסתיימת בנקודה $^{ au}$ f_{dot}

כאשר במודל 1 השתמשנו ב 9784 פרמטרים מהמשפחות: פפיצ'רים מדומיין הכלכלה, אותיות גדולות, מקף, נקודה, רבים, מספרים.

ובמודל 2 השתמשנו ב1942 פרמטרים מהמשפחות: פיצ'רים מדומיין הביולוגיה, רישות וסיפות ביולוגיות, אותיות גדולות, מקפים. בנוסף, מאחר וסט האימון קטן אך מספר המאפיינים האפשריים יחסית גדול, הספים ברובם נמוכים.

עבור כל אחד מהמודלים הגדרנו ספים שונים עבור המאפיינים שציינו מעלה על פי הרלוונטיות וניסוי אמפירי של האלגוריתם.

הסקה

ההסקה התבצעה ע"י אלגוריתם Viterbi עם אופטימיזציה של $Beam\ Search$, השינוי אשר ביצענו באלגוריתם ההסקה התבצעה ע"י אלגוריתם Viterbi עם אופטימיזציה של אותם הביטויים. השינוי תרם score היה בחישוב הפסקום כפל אקספוננטים המרנו לחיבור לוגריתמי של אותם הביטויים. השינוי עובר tag_all_test שותם לאחר מכן בפונקציית ה tag_all_test בתחילת המשפט, הורדנו אותם לאחר מכן בפונקציית tag_all_test

88.3% אחוז הדיוק על קובץ האימון עבור מודל 1 הוא 90.75% ואחוז הדיוק על קובץ האימון עבור מודל 2 הוא מבחן מבחן

אחוז הדיוק של מודל 1 עבור קובץ המבחן הוא:87.9%

Model 1 - test accuracy Token-level accuracy on test set: 87.88%

עבור המודל השני, עקב כמות דוגמאות קטנה באימון, ביצענו $5-fold\ Cross\ Validation$. בחרנו את המודל בהשוואה התוצאות הטובות ביותר והשתמשנו בו להסקה. הדבר שיפר משמעותית את היציבות והדיוק של המודל בהשוואה לשימוש במודל יחיד.

תחרות

לאחר ניתוח הטעויות בעזרת $Confusion\ Matrix$, דייקנו את הספים עבור הפיצ'רים שבהם נמצאה רמת בלבול גבוהה. בנוסף, העשרנו את רשימת הסיפות במאפיין f_{101} , לטיפול ספציפי בבלבולים. אנו צופות לקבל אחוז דיוק גבוהה בנוסף, העשרנו את רשימת הסיפות במאפיין אך לא גבוה ממנו משמעותית עקב overfit מסוים שנוצר דומה לזה שהושג בקובץ המבחן עבור המודל השני נצפה לראות אחוז דומה לזה שקיבלנו בזמן האימון בתוך לאור הנתונים המוגבלים שהיו לנו. עבור המודל השני נצפה לראות אחוז דומה לזה שקיבלנו בזמן האימון בתוך $Cross\ validation$.