**Overleg natural computing**

**28 april 2016**

**Plan van actie:**

Eerste stap is repliceren Joshi:

- Run het algorithme apart op R, B en G values

- Voeg pheromone matrices samen en gebruik dan threshold function OF gebruik voor alle 3 de matrices de threshold function en voeg dan de lijnen samen.

Andere opties:

- Maak één nieuwe waarde voor RGB (maar niet basic grayscale)

- RGB omzetten naar 3 nieuwe waardes, waarop je dan weer 3 aco’s toepast en combineerd.

- Maak verschillende afbeeldingen die gevoelig zijn voor verschillende contrasten

- Vector methode, één aco, maar elke positie heeft 3 waarde. Eventueel de distance between vectors gebruiken voor het bepalen van de heuristics.

Evaluatie:

- Canny edge detection op grayscale image en vergelijk results

- Zelf een data base maken, zodat je een groundtruth hebt

- Ridho vragen of hij nog een data base weet (of toegang heeft tot de bestaande database) en of hij visuele vergelijking ook een goede methode vind.

**Taken:**

**Roos:**

- baseline color edge algoritme bekijken

- canny color edge detector zoeken

- Ridho mailen

**Wytze:**

- ACO toepassen op vectoren. Vector distance in plaats van intensiteitsverschil.

**Diede:**

- ACO color model implementeren, per R G en B waarde.

- Tunen van het model: hoe samenvoegen RGB waardes?

- andere waardes: HVX CIElab

**Verder bij tijd over (zeg t even als je het gaat doen):**

- RGB samenvoegen tot 1 nieuwe waarde, maar niet gray scale

- filter op plaatjes toepassen 🡪 meerdere verschillende inputs voor de ACO

**Volgende meeting**:

Maandag 9 mei om 10:45 uur.