eDNA十年发展调查

在过去的十多年里,eDNA方法的发展和应用推动了对生物监测的研究。本研究旨在深入了解研究人员和技术专家对近10年来eDNA方法发展的看法,以及这些方法在生物监测领域的实际应用。我们将通过收集意见、经验和洞察,揭示eDNA技术的优势、局限性以及未来发展的潜力。

| 1. 研究机构所在国家 Country of research institute [填空题] * |
|--|
| 2. 以下哪项最能描述您与环境DNA (eDNA) 的关系? Which best describes your affiliation with eDNA? [单选题] * 研究人员 (学术) researcher (academia) 服务提供商 (商业领域) service provider (commercial sector) 最终用户 (政府机构) end-user (governmental organisation or similar) |
| 3. 您已经从事环境DNA工作多长时间? How long have you worked with eDNA? [单选题] * |
| ○ 2 年以下 < 2 years |
| ○ 2 - 5 年 2-5 years |
| ○ 5 年以上 > 5 years |
| 4. 您目前在哪个职业阶段? At which career stage are you? [单选题] * |
| 〇 硕士/本科生 Master/Undergraduate |
| ○ 博士生 Doctoral student |
| 〇 技术员 Technician |
| ○ 博士后 Post-Doc/Senior Researcher |
| ○ 教授 Group leader/Professor 依赖于第2题第1个选项 |
| 5. 哪个领域最能描述您的工作? Which area would you consider best describes your work? [单选题] * |
| 〇 公司职员 Commercial sector |
| ○ 政府工作人员 Government worker |
| ○ 非政府工作者 Non-goverment worker 依赖于第2题第2;3个选项 |
| 6. 您主要负责eDNA方法的哪个环节? (多选) How do you work with eDNA data/samples? (select all that apply) [多选题] * |
| □ 野外采样 Field work |
| □ 样品处理(eDNA提取、PCR、建库、测序) Sampling processing |
| □ 生物信息学 Bioinformatics |
| □ 数据分析(生物多样性评估等) Data analysis |
| □ 数据解读(生态健康评估、模型等) Data Interpretation |
| □ 生态修复或政策制定 End-user |
| 7. 您主要关注的生态系统? With regards to eDNA, where is your main area of expertise? [单选题] * |
| ○ 淡水生态系统 Freshwater |
| 〇 海洋生态系统 Marine |
| ○ 陆地牛杰系统 Terrestrial |

8. 您主要处理哪种类型的样品? |What type of eDNA samples do you work with? [多选题]

| 空气 air | | | | | |
|---|---------------|---------------|-----------------|-----------------|--------------|
| 水 water | | | | | |
| 生物膜 biofilm | | | | | |
| 注要关注哪种生物类郡 选题] * | 詳? (多选) Wth | regards to eD | NA, what type o | f organism(s) o | do you study |
| 脊椎动物 Vertebrates | | | | | |
| 无脊椎动物 Invertebra | ates | | | | |
| 植物或大型藻类 Plan | ts/Macroalgae | | | | |
| 微型真核生物 Micro-e | eukaryotes | | | | |
| 原核生物 Prokaryotes | 5 | | | | |
| 您认为以下领域尚需多 - 技术成熟,需要较少 elopment required) f单选题] * | | | | 需要大量发展 | extensive |
| ++2005] | 1-技术成熟 | 2 | 3 | 4 | 5-起步阶段 |
| 1) 野外采样方 去 Sampling nethodology (in the | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| ield) 2) 引物设计 (宏条 形码) Primer development | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| metabarcoding) 3) 引物设计(单一 勿种) Primer development | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| single-species) 4) 参考数据库的质量/完整性 Reference | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| quality/completion 5) 环境DNA浓度的 定量和物种丰度评估 (单一物 中) Quantification single species) | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 6) 环境DNA浓度的 定量和物种丰度评估 (宏条形 码) Quantification | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| metabarcoding) 7) 生物监测 Biomonitoring | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 8) 理解环境DNA的 亏为(降解、脱落、 专 番) Understanding | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 9) 解读eDNA数据的 能力(生态评估、模 型等) Ability to nterpret results | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 10) 将研究成果应用 于实际操作的能力 (政策、生态修复 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |

| 〇 邮件 email | |
|---------------------|--|
| ○ 社交媒体 social media | |
| ○ 其他?others | |

| 12. 您的其他评价/建议 Do you have any other comments? [填空题] | | | | | |
|---|---|--|--|--|--|
| | · | | | | |
| | | | | | |
| | | | | | |