R 교육 세미나 ToBig's 8기류호성

# Decision Tree

의사 결정 나무

# onte nts

Unit 01 | Decision tree

Unit 02 | Rule of Tree

Unit 03 | Tree 알고리즘

Unit 04 | Ensemble

# Decision Tree

분류 / 예측을 하는 지도학습 방법론

의사결정 규칙(Decision Rule) 에 따라서 Tree를 생성한 후에 분류/예측하는 방법론

분류트리 / 회귀트리

https://ko.wikipedia.org/wiki/%EA%B2%B0%EC%A0%95 %ED%8 A%B8%EB%A6%AC %ED%95%99%EC%8A%B5%EB%B2%95

#### 감기 유무를 맞추자!

타겟변수 (종속변수)

- 예시 데이터!

이름	통학시간(분)	히트텍	양치	감기
김강열	40	X	X	No
김소희	30	0	0	No
류호성	120	0	X	Yes
최서현	90	X	X	Yes
황다솔	100	0	0	No

다른 데이터(train data)로 이미 만들어진 Tree Model

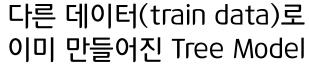
Test data

통학시간 > 60		]	이름	통학시간(분)	히트텍	양치	감기
07/12/	5 7 7 6 7 00	]	김강열	40	X	X	No
No Yes		Yes	김소희	30	0	0	No
감기 : No		100	류호성	120	0	X	Yes
		양치	최서현	90	X	X	Yes
		황다솔	100	0	0	No	
Yes No							

감기 : No

감기 : Yes

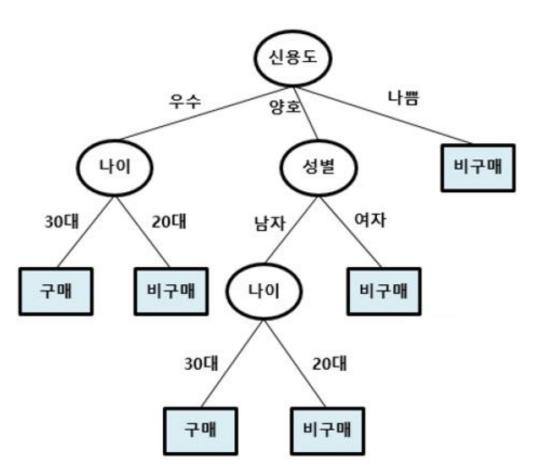
류호성



Test data

THE TECHNOLOGI			iest data			
토	학시간 > 60	이름	통학시간(분)	히트텍	양치	감기
07/12/00		김강열	40	X	X	No
No Yes		김소희	30	0	0	No
감기 : No		류호성	120	0	X	Yes
	양치	최서현	90	X	X	Yes
김강열 김소		황다솔	100	0	0	No
	Yes	No		\ \( \lambda \)	1	
	감기 : No	감기 : Yes		Accurac 성능이 중	.y· i 좋은 Tree	

최서현



뿌리마디(root node): 시작되는 마디로 전체 자료 포함 부모마디(parent node): 주어진 마디의 상위마디 자식마디(child node): 하나의 마디로부터 분리되어

나간 마디들

중간마디(internal node): 부모마디와 자식마디가

모두 있는 마디

끝 마디 (terminal node): 자식마디가 없는 마디

가지 (branch): 뿌리마디로부터 끝마디까지 연결된 마디들

깊이(depth): 뿌리마디로부터 끝마디까지의 중간마디들의 수

#### Tree 를 만드는 기준은 어떻게 될까?

#### 분류 트리 :

종속변수(타겟변수)가 <mark>범주형 변수</mark>일 때, 만들어지는 모델(트리)

#### 회귀 트리 :

종속변수(타겟변수)가 <mark>연속형 변수</mark>일 때, 만들어지는 모델(트리)

두 트리의 만드는 방식은 같은데 split(growing) 기준과 예측하는 방식이 다르다

예측

	Split Rule (Growing Rule) : Tree의 분리 규칙 / 성장 규칙 - 부모 마디로부터 자식 마디를 생성하는 기준을 정한다 - 목표 변수의 분포를 잘 분할하는 기준으로 Split 한다
Tree 형성	Stop Rule : 정지 규칙 - 분리가 더 이상 일어나지 않도록 하는 기준을 정한다
	Pruning - Tree가 지나치게 많은 마디를 가지고 있을 경우, Overfitting의 문제가 발생할 수 있다. - 부적절한 마디를 잘라내 모형을 단순화한다.
타당성 평가	이익도표(gain chart)나 위험도표(risk chart) 또는 Cross validation을 이용해서 Tree 평가
해석 및 예측	생성한 Tree 에 새로운 데이터(test data) 대입해보고 분류 및 예측을 한다.

#### Tree 형성 (분류 Tree일 경우)

Split Rule (Growing Rule): Tree의 분리 규칙 / 성장 규칙

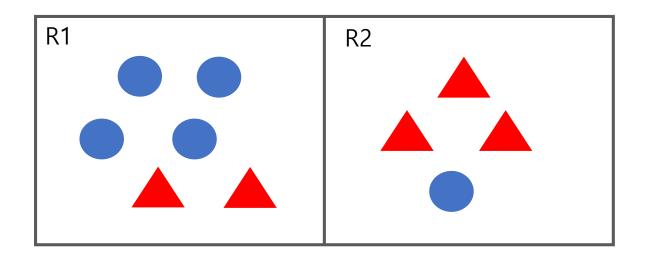
- 부모 마디로부터 자식 마디를 생성하는 기준을 정한다
- 목표 변수의 분포를 잘 <mark>분할하는 기준</mark>으로 Split 한다

불순도(Impurity): 얼마나 다른 범주의 개체들이 포함되어 있는가를 의미한다

- 1. 카이제곱 통계량 : p-값이 가장 작은 분할 기준에 따라 자식 마디를 생성한다.
- 2. 지니 계수: 지니 계수를 감소시켜주는 분할 기준에 따라 자식 마디를 생성한다.
- 3. 엔트로피 계수: 엔트로피 계수가 가장 작은 분할 기준에 따라 자식 마디를 생성한다.

#### 지니 계수 (Gini index)

- 지니 계수를 가장 감소시켜주는 설명변수와 그 때의 최적 분리로 자식 마디를 생성한다.
- $I(A) = 1 \sum_{1}^{m} p_k^2$ ,  $p_k$ :직사각형 A에서 K 집단에 속하는 관측치비율



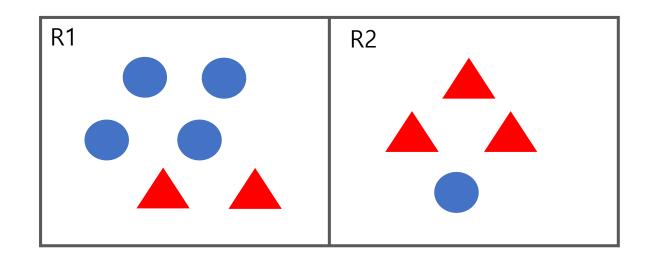
$$I(R1) = 1 - \left\{ \left(\frac{4}{6}\right)^2 + \left(\frac{2}{6}\right)^2 \right\} = 0.444$$

$$I(R2) = 1 - \left\{ \left(\frac{3}{4}\right)^2 + \left(\frac{1}{4}\right)^2 \right\} = 0.375$$

$$G = \frac{6}{10} \times I(R1) + \frac{4}{10} \times I(R2) = \frac{6}{10} \times 0.444 + \frac{4}{10} \times 0.375 = 0.4164$$

#### 엔트로피 계수 (Entropy index)

- 엔트로피 계수를 가장 감소시켜주는 설명변수와 그 때의 최적 분리로 자식 마디를 생성한다.
- entropy $(A) = -\sum_{1}^{m} p_k \log_2(p_k)$ ,  $p_k$ :직사각형 A에서 K 집단에 속하는 관측치비율

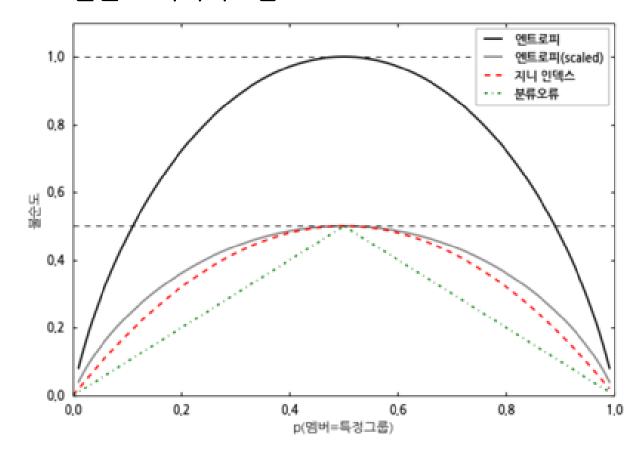


$$I(R1) = -\left\{\frac{4}{6} \times \log_2\left(\frac{4}{6}\right) + \frac{2}{6} \times \log_2\left(\frac{2}{6}\right)\right\}$$
$$= 0.9182$$

$$I(R2) = -\left\{\frac{3}{4} \times \log_2\left(\frac{3}{4}\right) + \frac{1}{4} \times \log_2\left(\frac{1}{4}\right)\right\}$$
$$= 0.8113$$

$$G = \frac{6}{10} \times I(R1) + \frac{4}{10} \times I(R2) = \frac{6}{10} \times 0.9182 + \frac{4}{10} \times 0.8113 = 0.8754$$

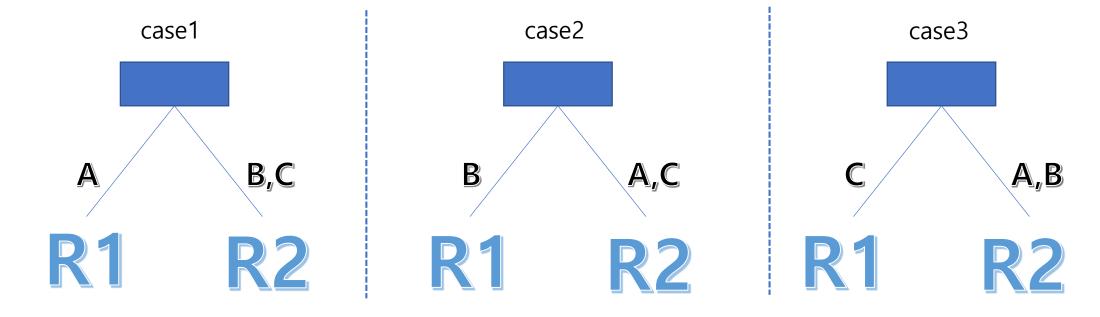
#### 불순도 다이어그램



두 집단의 분류 확률이 같은 경우 ( $p_k$  = 0.5)

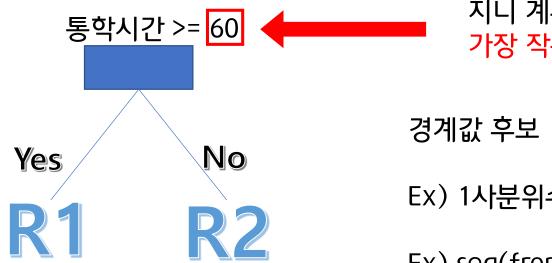
- → 어느 집단으로 분류될지가 모호함
- → 불순도 최대

설명변수: 범주형 ("A","B","C")일 경우



Case 별로 지니 계수 혹은 엔트로피 계수를 비교해 가장 작은 값을 갖는 Split rule(case)을 선택한다

설명변수: 연속형일 경우 경계값의 기준을 찾는다.



지니 계수 혹은 엔트로피 계수를 비교해 가장 작은 값을 갖도록 하는 경계값을 잘 찾아야 된다.

Ex) 1사분위수 / 2사분위수 / 3사분위수

Ex) seq(from=1사분위수,to=3사분위수,length.out=10)

Ex) seq(from=min(x),to=max(x),length.out=20)

모든 설명 변수에 대한 Split 기준 중에 불순도 (지니 계수 / 엔트로피 계수)가 가장 작은 값을 갖는 설명 변수와 그 때의 기준으로 Split을 한다!

# 칠판 주목!

#### Tree 형성 (분류 Tree일 경우)

Stop Rule : 정지 규칙

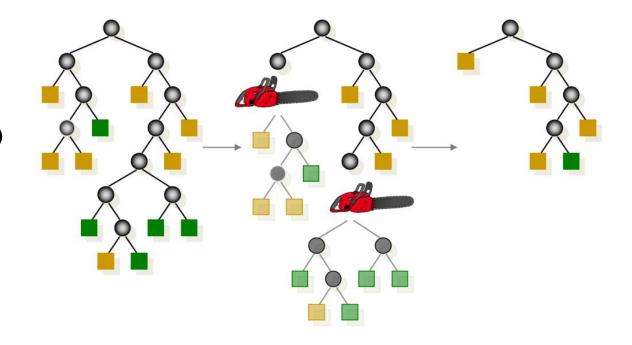
- 분리가 더 이상 일어나지 않도록 하는 기준을 정한다
  - 1. 분리를 더 이상 하더라도 불순도가 줄어들지 않을 경우
  - 2. 자식 마디에 남아 있는 sample 수가 적은 경우(일반적으로 전체 데이터의 5%)
  - 3. 분석자가 미리 정해 놓은 깊이에 도달했을 경우

#### Tree 형성 (분류 Tree일 경우)

#### Pruning

- Tree가 지나치게 많은 마디를 가지고 있을 경우, Overfitting의 문제가 발생할 수 있다. (Train data에만 좋은 모델! Test data에는 합당하지 않는 경우가 발생한다)
- 이를 해결하기 위해 부적절한 마디를 잘라내 모형을 단순화한다.

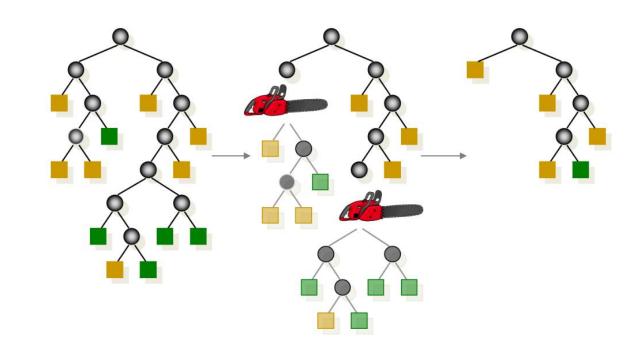
Pre- pruning/ Post- pruning



#### Post-Pruning

Tree를 먼저 완성시킨 후에, Pruning을 하는 방식

- 1. 비용 복잡도(cost-complexity) 에 의거한 pruning
- 2. Pessimistic pruning



#### 비용 복잡도(cost-complexity) 에 의거한 Pruning

비용 복잡도 
$$CC(T)=Err(T)+a\times L(T)$$

CC(T): Tree의 비용 복잡성(= 오류가 적으면서 끝 마디 수가 적은 단순한 모델일수록 작은 값)

Err(T): 오분류율 (불순도)

L(T): 끝마디의 수 (구조 복잡도)

Alpha: Err(T)와 L(T)를 결합하는 가중치(보통 0.01~0.1의 값을 쓴다)

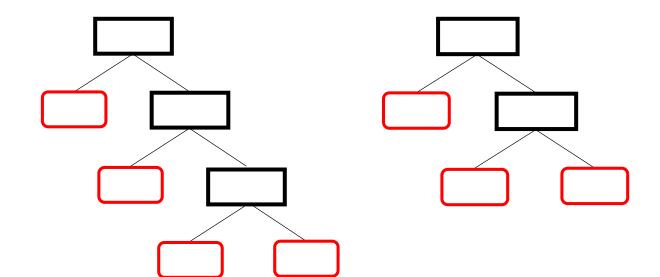
#### Pessimistic pruning

일반적으로 Split할 때, 오분류율 (불순도)이 작아지면서 Split이 된다. 그런데 Pessimistic pruning에서는 Split 할 때마다 오분류율 + (마디 수\*0.5) 만큼의 오차가 더 있다고 가정을 한다.

왜 Why?

→ 과적합을 피하기 위해서!

Ex)



Pruning 한 Tree model의 Pessimistic error 값이 더 낮으므로, Pruning을 한다!

오분류율: 0.45

끝 마디 수 : 4

Pessimistic error:

0.45 + 4 \* 0.5 = 2.45

오분류율: 0.66

끝 마디 수: 3

Pessimistic error:

0.66+3\*0.5 = 2.16

회귀 Tree(타겟변수 : 연속형) 일 때는?

분류 Tree일 때와 tree 형성 과정이 똑같은데 Split 기준과 예측 방법이 다르다!

분류 Tree의 불순도:

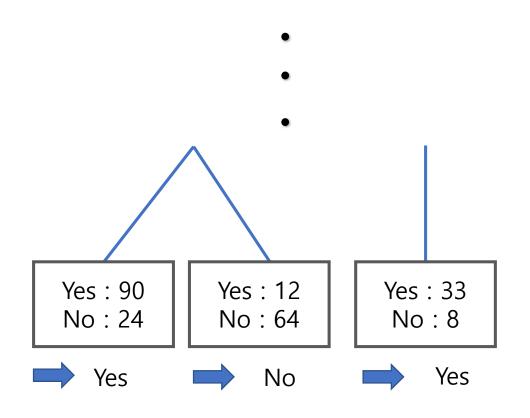
카이제곱 통계량 / 지니 계수/ 엔트로피 계수

회귀 Tree의 불순도:

F 통계량 / 분산의 감소량

→ 우리가 알고 있는 최소 제곱 추정량 (sse) 을 줄여 나가는 방식으로 split하면 된다.

분류 Tree에서는 끝마디의 범주로 예측을 하면 된다.



그렇다면, 회귀 Tree에서는 어떻게 예측해야 되지..?

#### <mark>회귀 Tree</mark>에서는 끝마디의 $\bar{y}$ 로 예측한다.



$$y_{11} = 10$$
  
 $y_{12} = 11$   
 $y_{13} = 12$   
 $y_{14} = 9$   
 $y_{15} = 8$ 

$$\bar{y} = 10$$

#### Node2

$$y_{21} = 20$$
  
 $y_{22} = 22$   
 $y_{23} = 24$   
 $y_{24} = 18$   
 $y_{25} = 16$ 

 $\bar{y} = 20$ 

$$(10-10)^2 + (10-10)^2 + \dots + (10-10)^2 = 10$$

#### 오른쪽 node 의 sse

$$(20-20)^2+(22-20)^2+\cdots+(16-20)^2=40$$

$$: \frac{5}{10} \times 10 + \frac{5}{10} \times 40 = 25$$



Sse 를 줄여 나가는 방식으로 Split

Tree 장점	Tree 단점
- 해석의 용이성	- 비연속성
→ 사용자가 쉽게 이해 가능	→ 분리의 경계점 근방에서는 예측오류가
_ 사ౚ자요 ㅎ그녀 웨서	클 가능성이 있다.
- 상호작용 효과의 해석	ᅕᄭᇞᆏᄿᆘᅕᄔᅛᅕᄔ
→ 두 개 이상의 변수가 종속변수에 어떻게	- 축에 평행한 분할
영향을 주는지 쉽게 알 수 있다.	→ 한 노드에서 한 변수에 의해서만 분할이
	일어난다. 그래서 직선으로만 분리
- 비모수적 모형	
→ 선형성,정규성,등분산성 등의 가정이 필요 없다.	- 비안정성
	→ train data에 의존하는 경향이 크다.
- 이상치에 민감하지 않다.	

#### Unit 03 | Tree 알고리즘

- Tree 패키지 (Binary Recursive Partitioning)
- Rpart 패키지 (Classification And Regression Tree)
- 이 패키지들은 엔트로피, 지니계수를 기준으로 가지치기를 할 변수를 결정
- 상대적으로 연산 속도는 빠르지만 과적합화의 위험성이 존재
- 그래서 두 패키지를 사용할 경우에는 Pruning 과정을 거쳐서 의사결정나무를 최적화 하는 과정이 필요.
- Party 패키지(Unbiased recursive partitioning based on permutation tests)
- p-test를 거친 Significance를 기준으로 가지치기를 할 변수를 결정
- biased 될 위험이 없어 별도로 Pruning할 필요가 없다는 장점
- 입력 변수의 레벨이 31개 까지로 제한되어 있다는 단점

#### R 코드에서 같이 봅시다!!

#### Unit 04 | ensemble

Tree는 해석이 용이하고, 의사결정 방법이 인간의 의사결정 방법과 유사하지만, 예측력이 많이 떨어지고, bias-variance 문제가 발생한다.



이를 해결하기 위해서 Tree를 여러 개 생성하고 결합하는 Ensemble (bagging, boosting, Random Forest) 이 나오게 됐다! 이로써 Tree의 예측력을 높인다.

Ensemble 방식들은 여러 개의 약한 학습기의 결합이다

자세한 건 **서현**이 강의에서 배우자!!

Q&A

들어주셔서 감사합니다.

#### 참고 링크

https://ratsgo.github.io/machine%20learning/2017/03/26/tree/http://contents.kocw.net/KOCW/document/2014/korea/choijonghu/5.pdfhttps://m.blog.naver.com/PostView.nhn?blogId=2011topcit&logNo=220611261399&proxyReferer=https%3A%2F%2Fwww.google.co.kr%2Fhttp://datamining.dongguk.ac.kr/lectures/2011-2/dm/S1\_tree2.pdfhttp://www.dodomira.com/2016/05/29/564/