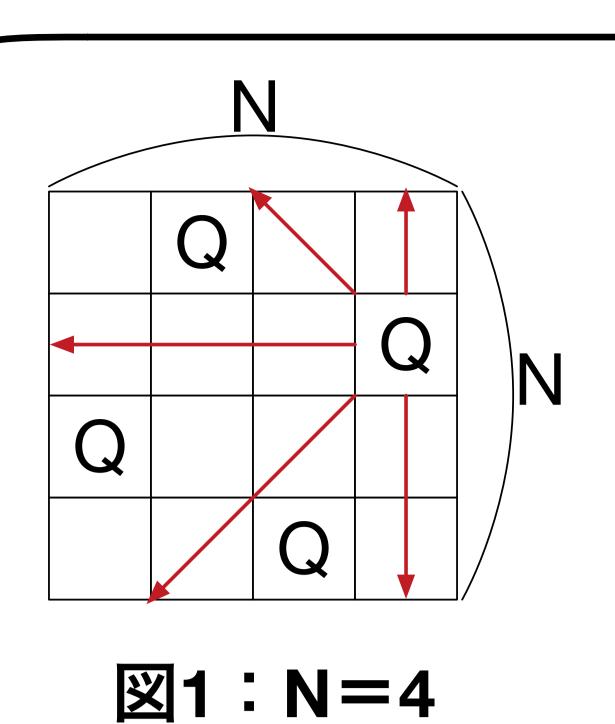
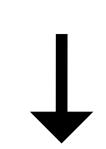
遺伝的アルゴリズムで解くNQueen問題



N*NのマスにN個のクイーンを置く時に お互いに取ることができない配置を考える(例:図1)

Nが増えると解が爆発的に増加



配置を遺伝子情報としてGAで解く

コーディング

開始

1: 遺伝子型の決定

2: 初期遺伝子集団生成

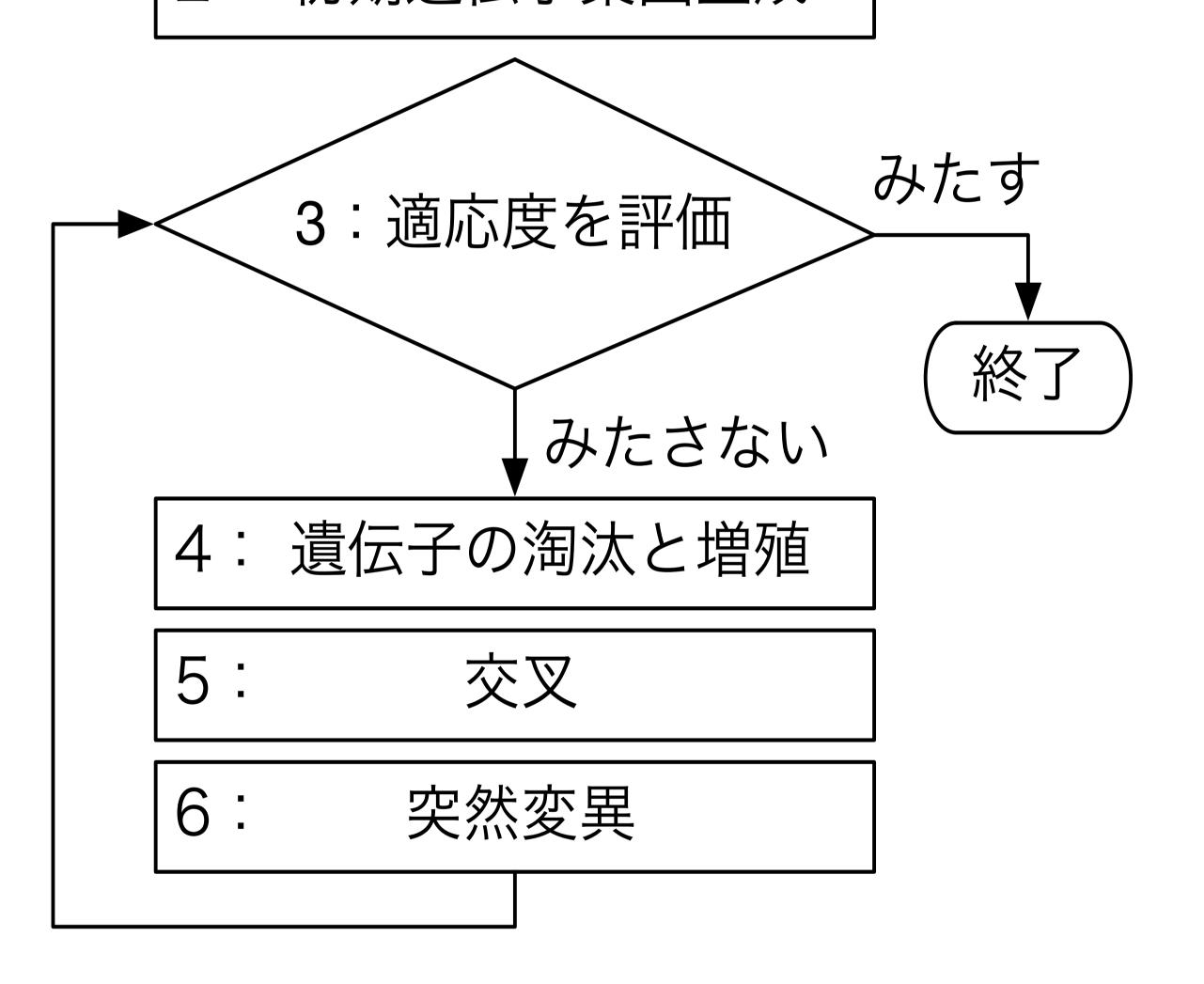


図2:フローチャート

1:一次元配列で行列を表現(図1の例)

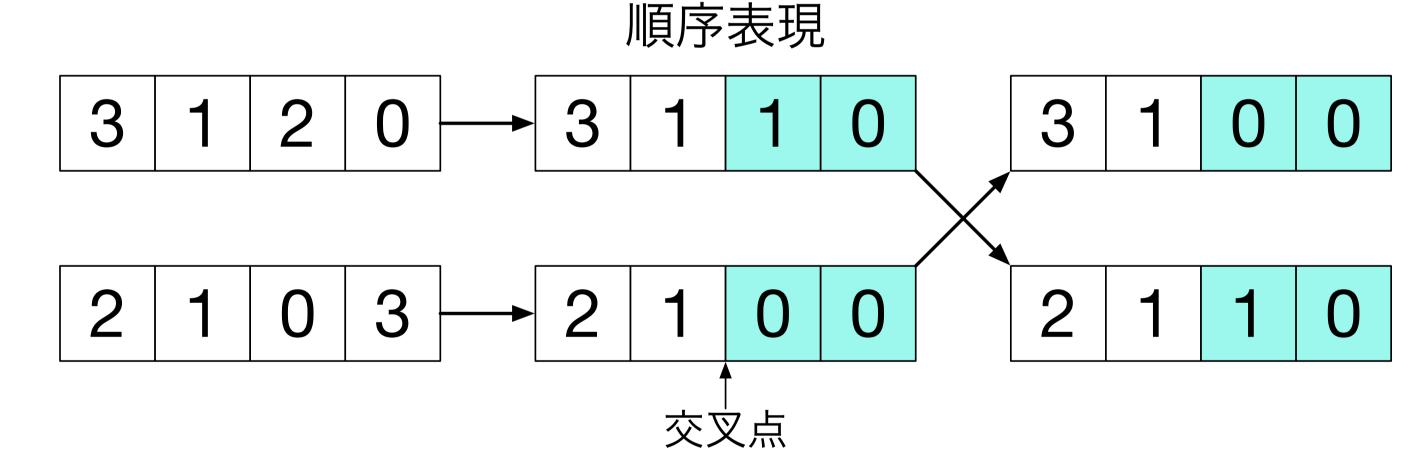
1 3 0 2

2:ランダム生成(配列内に同じ数値を入れない)

3: ぶつかるクイーンの数, 0で終了

4:優秀でないものを優秀なものに置き換える

5:順序表現の遺伝子同士を一点交叉 ※配列内に同じ値ができる可能性を防ぐ



6: ランダムで一つ遺伝子を選び 要素を入れ替える

言語別処理速度比較

言語:C(最適化有無),Java, Python(2, 3)

考察・爆発的に増加するパターンに対して 速度増加は n log nだと考えられる

・処理数が多くなるならPythonよりも高速なC, Javaを, そうでないなら書きやすいPythonを選択したい

最適化C, Javaは Python系に比べて 処理速度が約400倍!

