Travaux pratiques N°3, Programmation II Filière: SMI/S4

Année universitaire: 2023 – 2024

Exercice 1

- 1) Ecrire une fonction *ADN_Sequences*, qui génère aléatoirement une séquence ADN de longueur N spécifiée par l'utilisateur, contenant 10 % de A, 50 % de G, 30 % de T et 10 % de C.
- 2) Un isogram (hétérogramme) est un mot qui ne contient aucune lettre répétée. Ecrire une fonction *Isogram* qui permet d'extraire de la séquence, toutes les séquences isograms de taille 3.

Exemple

Séquence d'ADN

ATCGTTTAGCTATATTTGC

La séquence des hétérogrammes

ATC TCG CGT TAG AGC GCT CTA TGC

- 3) Ecrire la fonction *codon_start(ADN)*, qui prenant en entrée une séquence d'ADN renvoie les positions de tous les codons start 'ATG' trouvés (on indiquera l'indice du 'A'). Traiter le cas où aucun codon 'ATG' n'est trouvé.
- 4) Écrire une fonction *codon_stop (ADN, i)* prenant en entrée une séquence d'ADN (chaîne de caractères) et l'indice i du début d'un codon start et renvoyant l'indice du début du premier codon stop (de la forme **TAA**, **TAG** ou **TGA**) rencontré.
- 5) Une région codante est une succession de codons qui commence par un codon start et s'achève par un codon stop. Ecrire une fonction *régions_codante* prenant en entrée une séquence d'ADN et renvoyant les régions codantes trouvées ou une chaine vide sinon.

ATC TCA ATG CTC GGT AAT CTC TCA TAG CCG ACG ATG CTA CGA TAA							
Non codante	Start	Région codante	Stop	Non codante	Start	Région codante	Stop

6) Ecrire un programme principal de test.