

# Informe Assignment 1

ICAI. Machine Learning.

Álvaro Rodríguez González, Pablo Sanz Caperote

Curso 2021-22. Última actualización: 2021-10-24

# Índice

<b>Análisis exploratorio de los datos.</b>	<b>3</b>
<b>Regresión Logística</b>	<b>5</b>
Caso general . . . . .	5
Optimizada . . . . .	5
<b>KNN</b>	<b>5</b>
<b>Árboles de decisión</b>	<b>5</b>
Caso general . . . . .	5
Optimizada . . . . .	5
<b>SVM</b>	<b>5</b>
SVM Lineal . . . . .	5
SVM Radial . . . . .	5
<b>Redes Neuronales</b>	<b>5</b>
Caso general . . . . .	5
Optimizada . . . . .	5
<b>Random Forest</b>	<b>5</b>
<b>Comparación de modelos</b>	<b>5</b>
<b>Conclusiones</b>	<b>5</b>

## Análisis exploratorio de los datos.

Comenzamos cargando tanto los datos como las librerías que necesitaremos para el desarrollo de nuestros modelos. Tras ello hacemos una primera exploración rápida de estos a través de la tabla de R.

A continuación lo primero que hacemos es ver como esta estructurado nuestro conjunto de datos y nos damos cuenta de que todas las variables son de tipo numérico (int o num). Esto nos supone un problema para trabajar con los modelos ya que necesitamos que nuestra variable de salida (en este caso sera DIABETES) sea un factor. Por ello transformamos la variable DIABETES en factor, donde también cambiamos los 0's por "No" y los 1's por "Si" ya que si dejásemos los 0's y 1's no estaríamos trabajando correctamente con factores.

Tras este cambio lo que haremos será hacer un summary de la tabla de datos con la finalidad de ver si esta tiene algun valor nulo (NA's). La función nos devuelve que no existe ningún NA, por ello podemos pasar a buscar valores atípicos dentro de nuestras variables.

Para encontrar los outliers lo primero que haremos será una representación gráfica de todas las variables juntas (un ggpairs) con la finalidad de ver como se comportan. En este gráfico observamos que las variables GLUCOSE, BLOODPRESS, SKINTHICKNESS, BODYMASSINDEX e INSULIN tienen valores los cuales podríamos considerar atípicos. Para una mejor valoración haremos boxplots de las diferentes variables.

Tanto en la variable GLUCOSE como en la variable BODYMASSINDEX existen datos que toman el valor 0, lo cual es absolutamente imposible. Por ello, tendremos que decidir que hacer con ellos. A nuestro parecer existen tres posibles opciones, eliminar dichas observaciones (con la consecuente pérdida de información del resto de variables) o sustituirlas por alguna medida de tendencia central como puede ser la media o la mediana. Como no sabemos que opción nos dará un mejor resultado en nuestros modelos lo que haremos será hacer un modelo sencillo que enfrente a la variable salida con la variable a la que queremos evaluar que hacer con los valores atípicos (en nuestro caso dicho modelo será una regresión logística). Finalmente mirando los resultados de la tabla 1 decidimos que los valores iguales a 0 de la variable GLUCOSE los sustituiremos por la mediana mientras que en BODYMASSINDEX lo haremos por la media. Cabe destacar que puede que los valores de accuracy sean más altos que los de la media o mediana pero estamos primando tener más información del resto de variables que tener un poco más de accuracy sobre una variable.

En el resto de variables hemos hecho el mismo proceso y toda la información de los modelos esta en la tabla 1. Si es cierto que hay que hacer especial hincapié en una de las variables, INSULIN. Esta tiene una gran cantidad de 0's que no aparecen como outliers (se debe a que la gran cantidad de 0's afecta a los valores de la media y cuantiles) en los boxplot pero que si que hacen la función de outliers. Debido a que el número de observaciones que tienen 0 en la variable INSULIN representa casi la mitad de la muestra es obvio que se descartará la opción de eliminar dichas observaciones, y por ende solo quedará la opción de sustituir las observaciones por la media o la mediana.

Variable	Eliminar Datos	Sust. Media	Sust. Mediana
GLUCOSE	0.7479623	0.7400434	0.7415142
BLOODPRESS	0.6533898	0.6536022	0.6466102
SKINTHICKNESS	0.6673865	0.632392	0.6347352
BODYMASSINDEX	0.6676503	0.6634551	0.6564784
INSULIN	-	0.6536224	0.6504231

Cuadro 1: Comparación accuracy opciones outliers

Una vez resuelto el problema de los outliers analizaremos las diferentes variables continuas del conjunto de datos. Usando otra vez el ggpairs nos damos cuenta de que las escalas de nuestras variables son muy diferentes, por ello tendremos que hacer una estandarización. Pero esta se implementará cuando nos pongamos a trabajar con los modelos, por tanto ahora mismo no nos tendremos que preocupar.

Antes de iniciar el desarrollo de los modelos debemos estudiar las posibles correlaciones que existen entre nuestras variables con el fin de poder conocer si existen variables que nos predigan lo mismo. Como se puede observar en la imagen inferior la correlación entre nuestras variables es muy baja como para contemplarse cualquier acción, por lo que podemos pasar al siguiente punto.

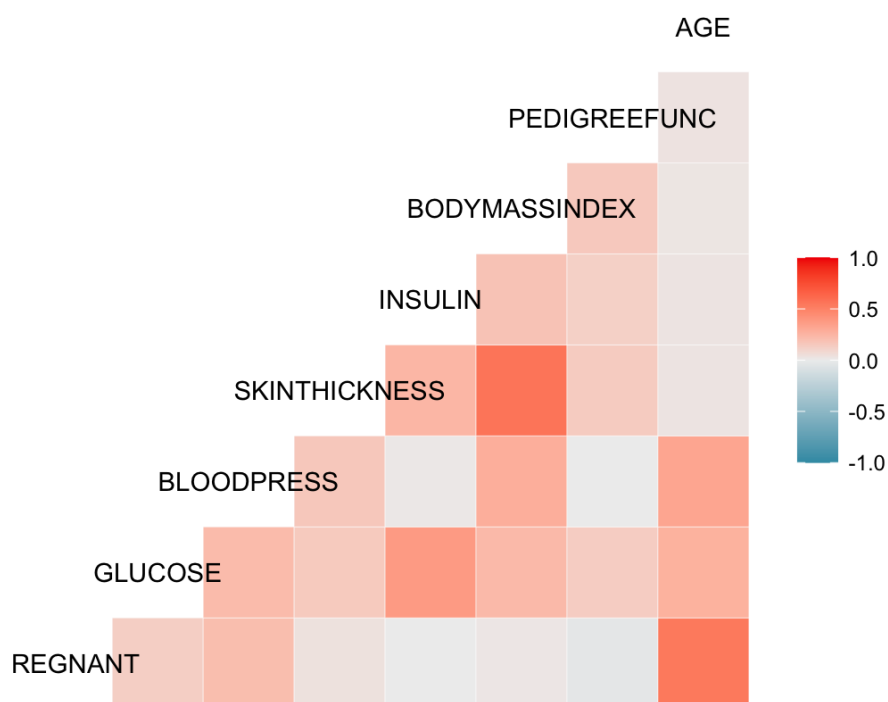


Figura 1: Matriz correlación

Por último antes de comenzar con los modelos miraremos si nuestra clase de salida esta balanceada o no. En caso de no estar deberemos contemplar si la balanceamos o no. Haciendo un table sobre la variable DIABETES observamos que nuestra clase no esta para nada balanceada 70-30. Por ello lo que haremos será mirar si en los modelos, estos son capaces de medirnos bien la salida de “Si”.

Haciendo una regresión logística obtenemos que sensibilidad tanto en entrenamiento como en test es muy baja, 0.6 y 0.35 respectivamente, por lo que nos vemos obligados a balancear los datos. Para ello usaremos la libreria ROSE a traves de la función ovun.sample. A su vez también definiremos los métodos de control y la partición de datos (80-20) que usaremos para nuestros modelos.

## Regresión Logística

Caso general

Optimizada

KNN

## Árboles de decisión

Caso general

Optimizada

SVM

SVM Lineal

SVM Radial

## Redes Neuronales

Caso general

Optimizada

Random Forest

## Comparación de modelos

Conclusiones