



The Elements of Bioinformatics

Year of first release

Xx

Tool name

xx

OPEN SOURCE TOOLS

KEY TO TOOL TYPE																						
<div></div> Aligners (pairwise)	<div></div> Aligners (short read)	<div></div> Other Aligners	<div></div> Multiple Sequence Aligners	<div></div> Assemblers Genomic (Long read)	<div></div> Assemblers Genomic (Short read)	<div></div> Assemblers (mRNA)	<div></div> Structure Modelling	<div></div> Gene Prediction (mRNA)	<div></div> Gene Prediction (ncRNA)	<div></div> Sequence Tools	<div></div> Database / Warehouse	<div></div> Workflows	<div></div> Genome Browsers	<div></div> ToolKit & APIs	<div></div> Structure Visualisation							
<div>90</div> <div>Bn</div> <div>BLAST NCBI</div>	<div>08</div> <div>So</div> <div>SOAP</div>															<div>81</div> <div>Py</div> <div>PHYILIP</div>	<div>00</div> <div>Em</div> <div>EMBOSS</div>	<div>00</div> <div>Bj</div> <div>BIOJAVA</div>	<div>01</div> <div>Bc</div> <div>BIOCONDUCTOR</div>	<div>10</div> <div>Bi</div> <div>BISMARK</div>	<div>03</div> <div>Ms</div> <div>SWISS-MODEL</div>	
<div>98</div> <div>Hm</div> <div>HMMER</div>	<div>07</div> <div>Ma</div> <div>MAQ</div>															<div>01</div> <div>Bs</div> <div>BIOSQL</div>	<div>00</div> <div>Eh</div> <div>eHIVE</div>	<div>00</div> <div>En</div> <div>ENSEMBL API</div>	<div>00</div> <div>Br</div> <div>BIOBUBY</div>	<div>03</div> <div>La</div> <div>LAGAN</div>	<div>10</div> <div>Mve</div> <div>MAUVE</div>	<div>05</div> <div>Hh</div> <div>HHPRD</div>
<div>99</div> <div>Mu</div> <div>MUMMER</div>	<div>08</div> <div>Bo</div> <div>BOWTIE</div>	<div>94</div> <div>Cl</div> <div>CLUSTALW</div>	<div>06</div> <div>Pe</div> <div>PECAN</div>	<div>97</div> <div>Mi</div> <div>MIRA 97</div>	<div>04</div> <div>Se</div> <div>SEQCLEAN</div>	<div>01</div> <div>Jm</div> <div>JMOL</div>	<div>09</div> <div>Sd</div> <div>SOAP: DE NOVO</div>	<div>03</div> <div>Un</div> <div>UNIGENE</div>	<div>98</div> <div>Gl</div> <div>GLIMMER 3</div>	<div>06</div> <div>Cd</div> <div>CD-HIT</div>	<div>97</div> <div>Tr</div> <div>TRNASCAN</div>	<div>03</div> <div>Bm</div> <div>BIOBART</div>	<div>03</div> <div>Ta</div> <div>TAVERNA</div>	<div>00</div> <div>Eb</div> <div>ENSEMBL BROWSER</div>	<div>00</div> <div>Bp</div> <div>BIOPERL</div>	<div>07</div> <div>Pl</div> <div>PLINK</div>	<div>09</div> <div>Sa</div> <div>SAMTOOLS</div>	<div>99</div> <div>Ps</div> <div>PSIPRED</div>				
<div>03</div> <div>Ss</div> <div>SSAHA</div>	<div>09</div> <div>Bw</div> <div>BWA</div>	<div>00</div> <div>Cf</div> <div>T-COFFEE</div>	<div>10</div> <div>Pr</div> <div>PRANK</div>	<div>97</div> <div>Ce</div> <div>CELERA</div>	<div>09</div> <div>Fo</div> <div>FORGE</div>	<div>95</div> <div>Rm</div> <div>RASMO</div>	<div>09</div> <div>Sg</div> <div>SGA</div>	<div>09</div> <div>Cu</div> <div>CUFFLINKS</div>	<div>99</div> <div>Eu</div> <div>EUGENE</div>	<div>09</div> <div>Fx</div> <div>FASTX-TOOLKIT</div>	<div>10</div> <div>Rn</div> <div>RNAFOLD</div>	<div>07</div> <div>In</div> <div>INTERMINE</div>	<div>07</div> <div>Gx</div> <div>GALAXY</div>	<div>02</div> <div>Ap</div> <div>APOLLO</div>	<div>04</div> <div>Ig</div> <div>IGB</div>	<div>07</div> <div>Ut</div> <div>UTGB</div>	<div>10</div> <div>Am</div> <div>AMPLICONNOISE</div>	<div>09</div> <div>Qi</div> <div>QIIME</div>				
<div>05</div> <div>Ex</div> <div>EXONERATE</div>	<div>09</div> <div>Bf</div> <div>BFAST</div>	<div>02</div> <div>Ma</div> <div>MAFFT</div>	<div>04</div> <div>Mv</div> <div>MAVID</div>	<div>02</div> <div>Ar</div> <div>ARACHNE</div>	<div>10</div> <div>Me</div> <div>MERACULOUS</div>	<div>08</div> <div>Co</div> <div>CORTX_CON_RP</div>	<div>10</div> <div>Pa</div> <div>PE-ASSEMBLER</div>	<div>10</div> <div>Oa</div> <div>OASES</div>	<div>00</div> <div>Ep</div> <div>ENSEMBL PIPELINE</div>	<div>10</div> <div>Fq</div> <div>FASTXQC</div>	<div>97</div> <div>Si</div> <div>SIGNALP</div>	<div>10</div> <div>Ch</div> <div>CHADO</div>	<div>08</div> <div>Kn</div> <div>KNIME</div>	<div>02</div> <div>Gb</div> <div>GBROWSE</div>	<div>04</div> <div>Nc</div> <div>NCBI-MAPVIEWER</div>	<div>03</div> <div>By</div> <div>BIOPYTHON</div>	<div>09</div> <div>Pic</div> <div>PICARD</div>	<div>09</div> <div>Vc</div> <div>VCFTOOLS</div>				
<div>88</div> <div>Fa</div> <div>FASTA</div>	<div>10</div> <div>Sm</div> <div>SMALT</div>	<div>04</div> <div>MI</div> <div>MUSCLE</div>	<div>05</div> <div>Pb</div> <div>PROBCONS</div>	<div>03</div> <div>Ph</div> <div>PHUSION(2)</div>	<div>10</div> <div>Qu</div> <div>QUAKE</div>	<div>07</div> <div>Al</div> <div>ALLPATHS-LG</div>	<div>09</div> <div>Ba</div> <div>BAMBUS 2.09</div>	<div>10</div> <div>Ty</div> <div>TRINITY</div>	<div>11</div> <div>Sn</div> <div>SNAP</div>	<div>96</div> <div>Rk</div> <div>REPEATMASKER</div>	<div>11</div> <div>Vt</div> <div>VARIANTTOOLS</div>	<div>71</div> <div>Pd</div> <div>PDP</div>	<div>03</div> <div>Up</div> <div>UniPROT</div>	<div>08</div> <div>Iv</div> <div>IGV</div>	<div>07</div> <div>Ag</div> <div>ARGO</div>	<div>02</div> <div>At</div> <div>ARTEMIS</div>	<div>05</div> <div>As</div> <div>APSAMPLER</div>	<div>12</div> <div>Ge</div> <div>GENABEL</div>				
<div>05</div> <div>Ac</div> <div>ACT</div>	<div>12</div> <div>Rs</div> <div>RNA-STAR</div>	<div>12</div> <div>Po</div> <div>PROT PAL</div>	<div>08</div> <div>Fs</div> <div>FSA</div>	<div>11</div> <div>Pi</div> <div>PRICE</div>	<div>07</div> <div>Ve</div> <div>VELVET</div>	<div>09</div> <div>Sp</div> <div>SPADES</div>	<div>09</div> <div>Cn</div> <div>CONTRAIL</div>	<div>09</div> <div>Au</div> <div>AUGUSTUS</div>	<div>08</div> <div>Mg</div> <div>MGENE</div>	<div>09</div> <div>Mm</div> <div>METABIOME</div>	<div>04</div> <div>Jv</div> <div>JALVIEW</div>	<div>97</div> <div>Ct</div> <div>CATH</div>	<div>12</div> <div>Tg</div> <div>MISO</div>	<div>10</div> <div>Da</div> <div>DALLIANCE BROWSER</div>	<div>07</div> <div>Jb</div> <div>JBROWSE</div>	<div></div> <div>Mb</div> <div>MrBAYES</div>	<div>04</div> <div>Pn</div> <div>PHASTCONS</div>	<div>08</div> <div>Ug</div> <div>UGENE</div>				
	<div>11</div> <div>Gm</div> <div>GMAP/GSNAP</div>								<div>05</div> <div>Ji</div> <div>JIGSAW</div>	<div>08</div> <div>Th</div> <div>TOPHAT</div>	<div>12</div> <div>Re</div> <div>RSEM</div>	<div>12</div> <div>Fb</div> <div>FLEXBAR</div>	<div>12</div> <div>En</div> <div>ENA</div>	<div>11</div> <div>Pf</div> <div>PFAM</div>	<div>07</div> <div>Sk</div> <div>SeqMONK</div>	<div>10</div> <div>Sv</div> <div>SAVANT</div>						
												<div>82</div> <div>Gk</div> <div>GENBANK</div>	<div>05</div> <div>Ip</div> <div>INTERPRO</div>	<div>08</div> <div>Cm</div> <div>CHEMBAL</div>	<div>10</div> <div>Cb</div> <div>CHEBIV</div>							

TOOLS FREE FOR ACADEMICS ONLY

Bl	Vm	Rt	Av	Fg	Gn	Bh	Ga	Pm	Ro	Cr	DI	Pc
BLAT	VMATCH	RNNOTATOR	ANNOVAR	FGENESH	GENSCAN	BIOWAREHOUSE	GATK	PAML	ROSETTA	CHIMERA	DALI	PCAP
Cm	Sh	Md	Ab	Mk	Mr	Uc	Pt	Sw	Mo	Pm	No	
CROSSMATCH	SSAHA2	MASKERAID	ABYSS	MAKER	MIRDEEP	UCSC	PATHWAY TOOLS	sRNA WORKBENCH UEA	MODELLER	PYMOL	AA	

COMMERCIAL TOOLS

Zm	Ca	Oz	Ne	Gd	It	Sr	Gp	Mh	Ge	Pp	Gs	Gu	Cb	An	Pk
ZOOM	CASAVA	OLIGOZIP	NEWBLER	GENEDATA	INTEGROMICS	SRS	GENEPOOL	MATCH	GENEXPLAIN	PIPELINE PILOT	GENESPRING	GENEIOUS PRO	CLC BIO	AVIDASNGS	PARTEK

#egelements

elements.eaglegenomics.com

This table is distributed under the Creative Commons License. It can be downloaded from our website. © Eagle Genomics Ltd 2012. All rights reserved. Eagle Genomics is a company registered in England and Wales. Company no. 6587071.

