# 天津医科大学理论课教案首页

(共3页、第1页)

课程名称:分子生物计算 课程内容/章节:编程的艺术/第3章

授课对象:生物医学工程与技术学院 2017 级生信班(本)

听课人数:28

授课方式:理论讲授 学时数:2 教材版本:Perl 语言在生物信息学中的应用——基础篇

### 教学目的与要求 (分掌握、熟悉、了解、自学四个层次):

• 掌握:编程的策略、步骤和基本流程;调试程序的主要方法。

• 熟悉: 学习编程的主要方法; 伪代码的编写与解读。

• 了解: Git 在版本控制中的应用。

• 自学: GitHub 的使用。

#### 授课内容及学时分配:

• (5') 引言与导入: 回顾学习 C 语言和 Linux 的经历。

• (10') 学习方法: 总结学习编程的各种方法。

• (30') 编程流程:介绍编程的基本流程,介绍版本控制的概念,详细讲解 Git 的使用。

• (10') 编程策略: 总结编程的主要策略。

• (30') 编程过程:通过实例讲解编程的基本步骤,介绍伪代码和代码注释。

• (5') 总结与答疑: 总结授课内容中的知识点与技能、解答学生疑问。

#### 教学重点、难点及解决策略:

• 重点:编程的策略、步骤和流程。

• 难点:编程的步骤和流程。

• 解决策略: 通过实例演示帮助学生理解、记忆。

#### 专业外语词汇或术语:

版本控制系统(VCS, Version Control System)

算法 (algorithm)

伪代码 (pseudocode) 注释 (comment)

### 辅助教学情况:

• 多媒体:编程中的版本控制;伪代码。

• 板书:编程的基本流程;解释算法的实例。

• 演示: Git 的使用。

#### 复习思考题:

• 总结学习编程语言的主要方法。

• 编写程序的基本流程是什么?

• 如何使用 Git 进行版本控制。

• 总结调试程序的方法。

- 总结常用的编程策略。
- 编程的基本过程是怎么样的?
- 在编程过程中需要构思哪些内容?
- 使用伪代码和注释有哪些优势?

#### 参考资料:

- Beginning Perl for Bioinformatics, James Tisdall, O'Reilly Media, 2001.
- Perl 语言入门 (第六版) , Randal L. Schwartz, brian d foy & Tom Phoenix 著, 盛春 译, 东南大学出版社, 2012。
- Mastering Perl for Bioinformatics, James Tisdall, O'Reilly Media, 2003.
- 维基百科等网络资源。

# 天津医科大学理论课教案续页

(共3页、第2页)

- 一、 引言与导入(5分钟)(引导学生进行回顾)
  - C语言的学习: 听课、编程、练习……
  - Linux 系统的学习: 听课、自学、练习……
- 二、 学习方法(10分钟)(通过自己的亲身经历进行讲解)
  - 1. 最佳方法:适合自己的才是最好的! (取决于任务属性、时间限制、个人喜好……)
  - 2. 常见方法:参加培训班、阅读书籍、死啃手册、拜师学艺、研读程序……
  - 3. 五字真言: 实践出真知! (Experience is the best teacher.)
- 三、【重点、难点】编程流程(30分钟)(通过实例进行讲解)
  - 1. 基本流程:编辑-运行-修正
  - 2. 版本控制
    - (1) 简介:一种记录若干文件内容变化,以便将来查阅特定版本修订情况的系统
    - (2) Git
      - 简介:分散式版本控制软件,Linus Torvalds, 2005年
      - 使用 (通过简单的实例演示使用方法)
    - (3) GitHub: 一个共享虚拟主机服务,用于存放使用 Git 版本控制的软件代码和内容项目;世界上最大的代码存放网站
  - 3. 错误信息
    - 出现错误并不可怕
    - 一定不要视而不见
    - 从第一个错误开始修复
    - 必要时进行一定的猜测

#### 4. 调试程序

- Perl 调试器: perl -d script.pl
- 加入 print 语句
- 选择性得注释掉部分代码
- 模 块: Benchmark, Data::Dumper, Smart::Comments, ...

#### **Basic Git Workflow Example**

Initialize a new git repository, then stage all the files in the directory and finally commit the initial snapshot.

```
$ git init
$ git add .
$ git commit -m 'initial commit'
```

Create a new branch named featureA, then check it out so it is the active branch. then edit and stage some files and finally commit the new snapshot.

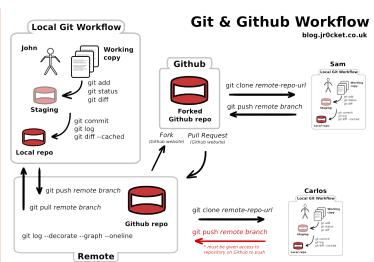
\$ git branch featureA
\$ git checkout featureA
\$ (edit files)
\$ git add (files)
\$ git commit -m 'add feature A'

Switch back to the master branch, reverting the featureA changes you just made, then edit some files and commit your new changes directly in the master branch context.

\$ git checkout master
\$ (edit files)
\$ git commit -a -m 'change files'

Merge the featureA changes into the master branch context, combining all your work. Finally delete the featureA branch.

\$ git merge featureA
\$ git branch -d featureA



### 四、【重点】编程策略(10分钟)(通过现实中的例子进行讲解)

- 1. 寻找现成的程序 (避免重复发明轮子)
- 2. 自己编写程序
  - (1) 修改现成的程序(注意:有时并不比从头编程容易!)
  - (2) 充分利用已有的模块快速拼凑程序
  - (3) 从头编写完整的程序
- 3. 请其他专家编写程序

# 天津医科大学理论课教案续页

(共3页、第3页)

- 五、【重点、难点】编程过程(30分钟)(以计算一个 DNA 序列中调控元件的数目为例进行讲解)
  - 1. 基本步骤: 确定输入 ⇒ 整体构思 ⇒ 确定输出 ⇒ 改善构思 ⇒ 编写程序
  - 2. 程序构思:确定输入输出,选择算法与数据结构,选择编程范式,……(三思而后行)
  - 3. 算法: 计算的思路与具体步骤 (类似于现实生活中处理问题的步骤)
  - 4. 伪代码:将整个算法运行过程的结构用接近自然语言的形式描述出来(介于编程语言和自然语言的"中间语言")

get the name of DNAfile 5. 注释 (牢记: 程序不仅是给计算机看的,也 read in the DNA from the DNAfile会被人查看)

for each regulatory element
if element is in DNA, then
add one to the count
print count

• 以#进行注释

• 目的、思路、输入输出、……

• 妙用: 在源代码中保留伪代码

六、 总结与答疑 (5分钟)

- 1. 知识点
  - 学习编程:培训班、书籍、手册、……
  - 基本流程:编辑-运行-修正
  - 版本控制: Git, GitHub
  - 程序调试:调试器, print, 注释, 模块, ……
  - 编程策略: 找现成程序, 自己编写, 找人代写, ……
  - 基本步骤: 构思(输入输出,算法),编程(伪代码,注释)
- 2. 技能
  - 熟练应用编程的基本策略、步骤和流程
  - 能够使用 Git 和 GitHub 进行版本控制
  - 能够使用不同的方法调试程序