天津医科大学理论课教案首页

(共3页、第1页)

课程名称:分子生物计算 课程内容/章节:编程的艺术/第3章

授课对象:生物医学工程与技术学院 2016 级生信班(本)

听课人数:28

授课方式:理论讲授 学时数:2 教材版本:Perl 语言在生物信息学中的应用——基础篇

教学目的与要求 (分掌握、熟悉、了解、自学四个层次):

• 掌握:编程的策略、步骤和基本流程;调试程序的主要方法。

• 熟悉: 学习编程的主要方法; 伪代码的编写与解读。

• 了解: Git 在版本控制中的应用。

• 自学: GitHub 的使用。

授课内容及学时分配:

• (5') 引言与导入: 回顾学习 C 语言和 Linux 的经历。

• (10') 学习方法: 总结学习编程的各种方法。

• (35') 编程流程:介绍编程的基本流程,介绍版本控制的概念,详细讲解 Git 的使用。

• (10') 编程策略: 总结编程的主要策略。

• (35') 编程过程:通过实例讲解编程的基本步骤,介绍伪代码和代码注释。

• (5') 总结与答疑: 总结授课内容中的知识点与技能, 解答学生疑问。

教学重点、难点及解决策略:

• 重点:编程的策略、步骤和流程。

• 难点:编程的步骤和流程。

• 解决策略: 通过实例演示帮助学生理解、记忆。

专业外语词汇或术语:

版本控制系统(VCS, Version Control System)

伪代码 (pseudocode) 注释 (comment)

算法 (algorithm)

辅助教学情况:

• 多媒体:编程中的版本控制:伪代码。

• 板书:编程的基本流程;解释算法的实例。

• 演示: Git 的使用。

复习思考题:

• 总结学习编程语言的主要方法。

• 编写程序的基本流程是什么?

• 如何使用 Git 进行版本控制。

• 总结调试程序的方法。

- 总结常用的编程策略。
- 编程的基本过程是怎么样的?
- 在编程过程中需要构思哪些内容?
- 使用伪代码和注释有哪些优势?

参考资料:

- Beginning Perl for Bioinformatics, James Tisdall, O'Reilly Media, 2001.
- Perl 语言入门 (第六版) , Randal L. Schwartz, brian d foy & Tom Phoenix 著, 盛春 译, 东南大学出版社, 2012。
- Mastering Perl for Bioinformatics, James Tisdall, O'Reilly Media, 2003.
- 维基百科等网络资源。

天津医科大学理论课教案续页

(共3页、第2页)

- 一、 引言与导入(5分钟)(引导学生进行回顾)
 - C语言的学习: 听课、编程、练习……
 - Linux 系统的学习: 听课、自学、练习……
- 二、 学习方法(10分钟)(通过自己的亲身经历进行讲解)
 - 1. 最佳方法:适合自己的才是最好的! (取决于任务属性、时间限制、个人喜好……)
 - 2. 常见方法:参加培训班、阅读书籍、死啃手册、拜师学艺、研读程序……
 - 3. 五字真言: 实践出真知! (Experience is the best teacher.)
- 三、 【重点、难点】编程流程(35 分钟)(通过实例进行讲解)
 - 1. 基本流程:编辑-运行-修正
 - 2. 版本控制
 - (1) 简介:一种记录若干文件内容变化,以便将来查阅特定版本修订情况的系统
 - (2) Git
 - 简介:分散式版本控制软件,Linus Torvalds, 2005年
 - 使用 (通过简单的实例演示使用方法)
 - (3) GitHub: 一个共享虚拟主机服务,用于存放使用 Git 版本控制的软件代码和内容项目;世界上最大的代码存放网站
 - 3. 错误信息
 - 出现错误并不可怕
 - 一定不要视而不见
 - 从第一个错误开始修复
 - 必要时进行一定的猜测

4. 调试程序

- Perl 调试器: perl -d script.pl
- 加入 print 语句
- 选择性得注释掉部分代码
- 模 块: Benchmark, Data::Dumper, Smart::Comments, ...

Basic Git Workflow Example

Initialize a new git repository, then stage all the files in the directory and finally commit the initial snapshot.

```
$ git init
$ git add .
$ git commit -m 'initial commit'
```

Create a new branch named featureA, then check it out so it is the active branch. then edit and stage some files and finally commit the new snapshot.

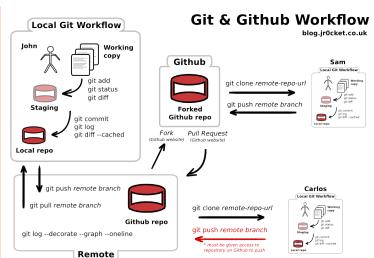
```
$ git branch featureA
$ git checkout featureA
$ (edit files)
$ git add (files)
$ git commit -m 'add feature A'
```

Switch back to the master branch, reverting the featureA changes you just made, then edit some files and commit your new changes directly in the master branch context.

```
$ git checkout master
$ (edit files)
$ git commit -a -m 'change files'
```

Merge the featureA changes into the master branch context, combining all your work. Finally delete the featureA branch.

```
$ git merge featureA
$ git branch -d featureA
```



四、【重点】编程策略(10分钟)(通过现实中的例子进行讲解)

- 1. 寻找现成的程序 (避免重复发明轮子)
- 2. 自己编写程序
 - (1) 修改现成的程序(注意:有时并不比从头编程容易!)
 - (2) 充分利用已有的模块快速拼凑程序
 - (3) 从头编写完整的程序
- 3. 请其他专家编写程序

天津医科大学理论课教案续页

(共3页、第3页)

- 五、【重点、难点】编程过程(35分钟)(以计算一个 DNA 序列中调控元件的数目为例进行讲解)
 - 1. 基本步骤: 确定输入 ⇒ 整体构思 ⇒ 确定输出 ⇒ 改善构思 ⇒ 编写程序
 - 2. 程序构思:确定输入输出,选择算法与数据结构,选择编程范式,……(三思而后行)
 - 3. 算法: 计算的思路与具体步骤 (类似于现实生活中处理问题的步骤)
 - 4. 伪代码:将整个算法运行过程的结构用接近自然语言的形式描述出来(介于编程语言和自然语言的"中间语言")

get the name of DNAfile 5. 注释 (牢记:程序不仅是给计算机看的,也 read in the DNA from the DNAfile会被人查看)

for each regulatory element
if element is in DNA, then
add one to the count
print count

- 以# 进行注释
- 目的、思路、输入输出、……
 - 妙用: 在源代码中保留伪代码

六、 总结与答疑 (5分钟)

- 1. 知识点
 - 学习编程:培训班、书籍、手册、……
 - 基本流程:编辑-运行-修正
 - 版本控制: Git, GitHub
 - 程序调试:调试器, print, 注释, 模块, ……
 - 编程策略: 找现成程序, 自己编写, 找人代写, ……
 - 基本步骤: 构思(输入输出,算法),编程(伪代码,注释)
- 2. 技能
 - 熟练应用编程的基本策略、步骤和流程
 - 能够使用 Git 和 GitHub 进行版本控制
 - 能够使用不同的方法调试程序