## 天津医科大学理论课教案首页

(共3页、第1页)

课程名称:分子生物计算 课程内容/章节:绪论/第1章

授课对象:生物医学工程与技术学院 2016 级生信班 (本)

听课人数:28

**授课方式:**理论讲授 学时数:2 教材版本:Perl 语言在生物信息学中的应用──基础篇

### 教学目的与要求(分掌握、熟悉、了解、自学四个层次):

• 掌握:分子生物学的基础知识; Markdown 的基本语法。

• 熟悉:格式转换工具 pandoc 的使用方法。

• 了解: 生物信息学和计算机科学的概况; 生物信息学中常用的编程语言。

• 自学: Markdown 的扩展语法; 使用 Markdown 进行可重复性研究。

#### 授课内容及学时分配:

• (5') 引言与导入:回顾已经学习的生物学基础知识。

- (45') 学科简介:回顾分子生物学的基本知识,介绍生物信息学和计算机科学,比较生物信息学中常用的编程语言。
- (45') Markdown 标记语言:介绍 Markdown,讲解其基本语法与扩展语法,演示 Markdown 在可重复性研究中的应用以及其格式的转换。
- (5') 总结与答疑: 总结授课内容中的知识点与技能, 解答学生疑问。

#### 教学重点、难点及解决策略:

• 重点: Markdown 的基本语法。

• 难点: Markdown 的基本语法。

• 解决策略:通过实例演示帮助学生理解、记忆。

#### 专业外语词汇或术语:

生物信息学 (bioinformatics) 在活体内 (in vivo) 分子生物学 (molecular biology) 在玻璃中 (in vitro) 计算机科学 (computer science) 在硅之中 (in silico)

#### 辅助教学情况:

• 多媒体: 生物信息学的研究领域, 分子生物学和计算机科学的发展简史, 编程语言的比较。

• 板书:分子生物学中的中心法则, Markdown 的基本语法。

• 演示: Markdown 在可重复性研究中的应用,格式转换工具 pandoc 的使用方法。

#### 复习思考题:

• 生物信息学是哪些学科的交叉学科?

• 生物信息学需要哪些基本的知识和技能?

- DNA 的碱基组成是什么? 和 RNA 有何不同?
- 列举 20 种氨基酸的三字母和单字母缩写。
- 列举常见的存储 DNA 序列和蛋白质结构

的数据库。

- 解释 in vivo、in vitro 和 in silico 的含义。
- 列举生物信息学中常用的编程语言。
- 如何使用 Markdown 实现常见的文本样式?
- 如何把 Markdown 转换成其他常见的格式?

#### 参考资料:

- Beginning Perl for Bioinformatics, James Tisdall, O'Reilly Media, 2001.
- Perl 语言入门 (第六版) , Randal L. Schwartz, brian d foy & Tom Phoenix 著, 盛春 译, 东南大学出版社, 2012。
- Mastering Perl for Bioinformatics, James Tisdall, O'Reilly Media, 2003.
- 维基百科等网络资源。

主任签字: 年 月 日 教务处制

## 天津医科大学理论课教案续页

(共3页、第2页)

- 一、 引言与导入 (5分钟)
  - 回顾生物学的基本知识: 孟德尔遗传定律, DNA 双螺旋结构, 人类基因组计划, ……
- 二、 学科简介(45分钟)
  - 1. 生物信息学
    - 交叉学科: 生物学、计算机科学、数学(统计学)
    - 知识/技能: 生物学、计算机编程、数理统计
    - 研究内容: 计算(算法、软件、数据库),应用(序列分析、功能分析、结构分析)
  - 2. 分子生物学
    - 中心法则: DNA→RNA→ 蛋白质
    - 核酸: DNA (A、C、G、T) , RNA (A、C、G、U)
    - 蛋白质: 氨基酸 → 多肽, 一级结构 → 二级结构 → 三级结构 → 四级结构
    - 数据库: GenBank, PDB
  - 3. 计算机科学
    - 术语: *in vivo* (生物活体内), *in vitro* (生物活体外), *in silico* (进行于电脑中)
  - 4. 编程语言 (进行可视化比较,基于 Bioinformatics Career Survey 2008/2010 进行讲解)
    - 计算机编程语言: C、C++、C#、Java、Python、Perl、Ruby、JavaScript、PHP、……
    - 生物信息学常用编程语言: Perl (1987)、Python (1991)、Ruby (1995)、Java (1995)
    - 生物信息学专用: BioPerl、Biopython、BioRuby、BioJava
- 三、 Markdown 标记语言 (45 分钟)
  - 1. 【重点、难点】基本语法(逐一进行演示)

Markdown Cheat Sheet **Format Text** Lists Miscellaneous Headers Unordered Images # This is an <h1> tag \* Item 1 ![GitHub Logo](/images/logo.png) ## This is an <h2> tag Format: ![Alt Text](url) Item 2 ###### This is an <h6> tag \* Item 2a \* Item 2b Text styles http://github.com - automatic! Ordered \*This text will be italic\* [GitHub](http://github.com) \_This will also be italic\_ 1. Item 1 \*\*This text will be bold\*\* 2. Item 2 Blockquotes \_\_This will also be bold\_\_ 3. Item 3 \* Item 3a As Kanye West said: \* Item 3b \*You \*\*can\*\* combine them\* > We're living the future so > the present is our past. Code Examples in Markdown Syntax highlighting with GFM Or, indent your code 4 spaces Inline code for comments ```javascript Here is a Python code example I think you should use an function fancyAlert(arg) { without syntax highlighting: `<addr>` element here instead. if(arg) { def foo: \$.facebox({div:'#foo'}) if not bar: return true

- 2. 扩展语法: 目录、标签、表格、公式、流程图、……
- 3. 可重复性研究 (展示实例): R+Markdown+knitr (RStudio)
- 4. 格式转换(进行操作演示): pandoc

# 天津医科大学理论课教案续页

(共3页、第3页)

### 四、 总结与答疑 (5分钟)

- 1. 知识点
  - 生物信息学: 交叉学科、多种技能、领域宽泛
  - 分子生物学: DNA、RNA、蛋白质
  - 计算机科学: in vivo、in vitro、in silico
  - 编程语言: Perl、Python、Ruby、Java
  - Markdown 语法:标题、文本样式、列表、链接、引用、插入代码、……
  - Markdown 相关: knitr、pandoc
- 2. 技能
  - 熟练使用 Markdown 撰写文档
  - 使用 pandoc 转换文档格式