# TP1 Biomoléculas.

### RETO I: ¿Podrías buscar un ejemplo de macromoléculas que almacenen información sobre la ‘identidad’ de un organismo dado?

Un ejemplo es el ADN

### RETO II: Propone una forma de expresar la información contenida en la estructura primaria de las proteínas usando tipos de datos de los lenguajes de programación que conocés.

La forma mas facil de expresar la información contenido en la estructura primaria de las proteínas es a partir de un STRING

### RETO III: ¿ En qué tipo de datos podrías expresar la información de la estructura terciaria proteica?

Podría ser un Árbol o por una matriz de datos

### RETO IV: Rosalind Franklin es una científica muy relevante, que tuvo menos reconocimiento del merecido. ¿Cuáles fueron sus contribuciones en este campo? ¿Qué nos cuenta su historia acerca del mundo de la ciencia?

Ella brindó las primeras imágenes de un ADN. Ella brindó como es la estructura de un ADN.

Esta historia nos demuestra que la ciencia no está exenta de la nube del machismo.

### RETO V: Proponé en pseudocódigo un programa que prediga la estructura secundaria que adoptará cada residuo (aminoácido) de la secuencia proteica dada, especificandola como H (si es una hélice), B (si es una hoja beta plegada) y L (si es un bucle o loop).

### ☑ PREGUNTAS DISPARADORAS: ¿Qué inputs tendría tu programa? ¿De qué modo se te ocurre configurar el output?

### RETO VI: ¿Qué hace distintos a dos individuos de una especie? Propone una forma de corroborar tu respuesta realizando un diagrama de un posible método computacional para dicho fin.

### ☑ PREGUNTAS DISPARADORAS: ¿Qué información deberías tener? ¿De qué modo deberías expresar dicha información para el análisis?