5	5-HTR7						
Hsap a	127	170 179	251	336	380	445	
Hsap b	127	170 179	251	336	380	432	
Hsap d	127	170 179	251	336	380		479
Ptro	127	170 179	251	336	380	432	
Ptro X1	127	170 179	251	336	380	_	492
Ptro X2	127	170 179	251	336	380	445	<u> </u>
Ggor X1	127	170 179	251	336	380	445	
Ggor X2	127	170 179	251	336	380	432	
Mmul X1	127	170 179	251	336	380	445	
Mmul X2	127	170 179	251	336	380	432	
Mmul X3	127	170 179	251	336	380		466
Mfas X1	127	170 179	251	336	380	445	'
Mfas X2	127	170 179	251	336	380	432	
Mfas X3	127	170 179	251	336	380		466
Cjac X1	127	170 179	251	336	380	445	!
Cjac X2	127	170 179	251	336	380	432	
Cjac X3	127	170 179	251	336	380		466
Cjac X4	127	170 179	251	336	380		485
Mmur X1	130	173 182	254	339	383		470
Mmur X2	130	173 182	254	339	383	448	_
Mmur X3	130	173 182	254	339	383	435	
Mmus 1	130	173 182	254	339	383	448	
Mmus 2	130	173 182	254	339	383		470
Mmus 3	130	173 182	254	339	383	435	_
Rnor	130	173_182	254	339	383	435	
Rnor X1	130	173 182	254	339	383	448	
Rnor X2	130	173 182	254	339	383	-	470
Pcat	129	172_181	253	339	383	435	_
Btau X1	129	172_181	253	339	383	<u> </u>	476
Btau X2	129	172 181	253	339	383	448	
Chir	129	172_181	253	339	383	435	
Oari	129	172_181	253	339	383	435	
Sscr	129	172 181	253	338	382	447	
Sscr X1	130	173 182	254	340	384	452	
Sscr X2	130	173 182	254	340	384	436	
Ocun X1	129	172 181	253	338	382		504
Ocun X2	129	172_181	253	338	382	447	<u> </u>
Cfam X1	129	172_181	253	339	383	448	
Cfam X2	129	172 181	253	339	383	435	
Fcat X1	129	172 181	253	339	383	448	
Fcat X2	129	172 181	253	339	383	442	
Fcat X3	129	172_181	253	339	383	435	
Nmel	123	166 175	247	332		425	
Ggal X1	123	166 175	247	332	376	436	
Ggal X2	123	166 175	247	332		425	
Ggal X3	123	166 175		300 344	404		
Xtro	116	159 168	240	332	376		477
Xmac		142 185 194	266		402	446	493
Drer	107	150 159	231	317 36	1 410		
L	107	157 207	257	307 357	407	457	507