

MolProbity Ramachandran analysis

3scj.H.pdb, model 1



82.9% (230/278) of all residues were in favored (90%) regions.

16.7% (46/278) of all residues were in allowed (10%) regions.

There were 0 outliers (0% out).

Residues in disallowed regions:

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 348 CYS

F 348 CYS

F 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE

A 416 PHE