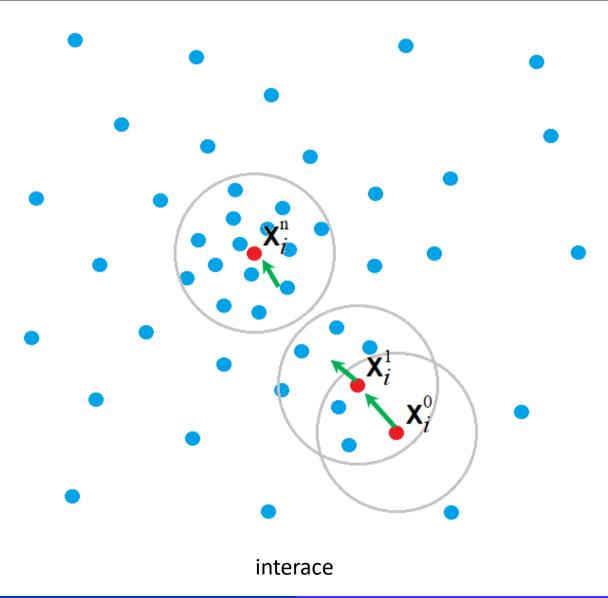
# MeanShift, HMM, MACE, SVM

doc. Ing. Josef Chaloupka, Ph.D.



- MeanShift přesun za průměrem
- patří mezi shlukovací (clusterovací) segmentační metody
- Bezparametrické není potřeba znát počet nebo tvar segmentů
- interativní algoritmus >>> v každé interaci se vypočte vážený průměr okna a do tohoto okna se nové okno posune. Dosažení konvergence (další posun = 0) konec. Posun jen v úrovni 1px ukončení při určitém počtu interací nebo po dosažení malého (předem daného) posunu.
- Body v prostoru jsou reprezentovány vekorem  $\mathbf{X}_i = [x, y, f(y, x)]; x, y souřadnice bodu, <math>f(y, x) \text{např.}$  jas (3D), RGB + 3 parametry (5D)
- Algoritmus 3 parametry: 1) poloměr výpočetního okna, 2) jádro (kernel) K, 3) maximální jasová vzdálenost



MeanShift – sledování objektů



https://docs.opencv.org/3.4/d7/d00/tutorial\_meanshift.html



Backhouse, I. Y. H. Gu and T. Wang, "ML Nonlinear Smoothing for Image Segmentation and its Relationship to the Mean Shift," *2007 IEEE International Conference on Image Processing*, San Antonio, TX, USA, 2007, pp. IV - 337-IV - 340

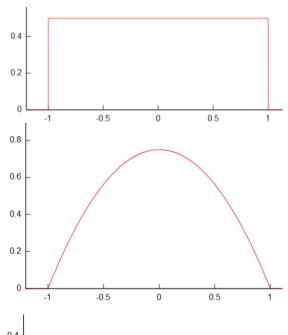
- Body v prostoru jsou reprezentovány vekorem  $\mathbf{X}_i = [x, y, f(y, x)]; x, y souřadnice bodu, <math>f(y, x) \text{např.}$  jas (3D)  $\mathbf{d} = 3$ , RGB + 3 parametry (5D)  $\mathbf{d} = 5$
- Algoritmus 3 parametry: 1) poloměr výpočetního okna h, 2) jádro (kernel) K,
   3) maximální jasová vzdálenost
- Obrazové body blízko u sebe se stejnou intenzitou budou v prostoru (3D, 5D) vytvářet shluky
- V každém kroku algoritmu se z vybraného bodu posunujeme ve směru váženého průměru (nového těžiště)
- Postup: 1) z každého bodu pustíme MeanShift a uložíme si lokální max., kam algoritmus dokonvergoval, 2) Shlukneme body, které dokonvergovaly do stejného místa (s jistou tolerancí)
- Odhad hustoty v bodě x:  $f(\mathbf{x}) = \frac{1}{nh^d} \sum_{i=1}^n K\left(\frac{\mathbf{x} \mathbf{x}_i}{h}\right)$

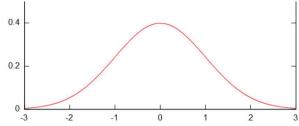
h – šířka kernelu,  $x_{1..n}$  jsou vzorky

- K kernel (jádro) radiálně symetrická funkce  $K(\mathbf{x}) = c_k k(\|\mathbf{x}\|^2)$
- k profil kernelu
- Představa 2D kruh, poloměr h, 3D koule, ND ND koule

$$K(x-x_i) = egin{cases} 1 & ext{if } \|x-x_i\| \leq \mathsf{h} \ 0 & ext{if } \|x-x_i\| > \mathsf{h} \end{cases}$$

- Uniformní kernel K(x) = 0.5pro  $\{|x| \le 1\}$ , jinak 0
- Epanechnikův kernel  $K(x) = (3 / 4)^* (1 x^2)$  pro  $\{|x| \le 1\}$ , jinak 0
- Gaussův kernel K(x) =  $\frac{1}{\sqrt{2\Pi}}e^{-0.5x^2}$





Hustota pravděpodobnosti není tak důležitá, důležitý je její gradient:

$$\nabla f(\mathbf{x}) = \frac{2c_k}{nh^d} \sum_{i=1}^n (\mathbf{x} - \mathbf{x}_i) k' \left( \left| \left| \frac{\mathbf{x} - \mathbf{x}_i}{h} \right| \right|^2 \right)$$

$$= \frac{2c_k}{nh^d} \left[ \sum_{i=1}^n g\left( \left\| \frac{\mathbf{x} - \mathbf{x_i}}{h} \right\|^2 \right) \right] \left[ \frac{\sum_{i=1}^n \mathbf{x}_i g\left( \left\| \frac{\mathbf{x} - \mathbf{x_i}}{h} \right\|^2 \right)}{\sum_{i=1}^n g\left( \left\| \frac{\mathbf{x} - \mathbf{x_i}}{h} \right\|^2 \right)} - \mathbf{x} \right] \qquad g(x) = -k'(x)$$

Postupujeme z bodu x ve směru gradientu dokud změna posunu není menší než námi zvolený práh, x<sub>i+1</sub> - x<sub>i</sub> meanshift krok

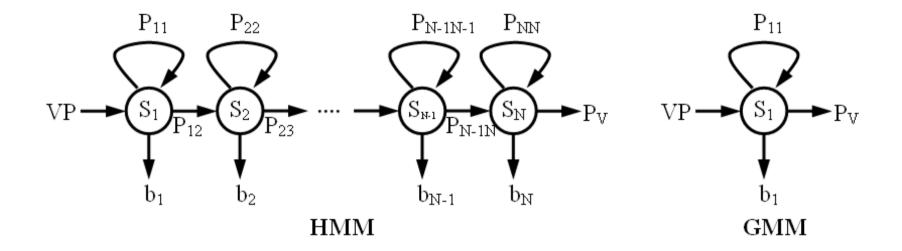
while(1)
$$\begin{aligned} \mathbf{x}_{j+1} &= \dots \\ \mathbf{i} &= \mathbf{i} + 1 \\ \mathbf{if} \parallel \mathbf{x}_{i+1} - \mathbf{x}_{i} \parallel < \mathsf{T} \text{ break} \end{aligned}$$

$$\mathbf{x}_{j+1} = \frac{\sum_{i=1}^{n} \mathbf{x}_{i} g\left(\left\|\frac{\mathbf{x}_{i} - \mathbf{x}_{j}}{h}\right\|^{2}\right)}{\sum_{i=1}^{n} g\left(\left\|\frac{\mathbf{x}_{i} - \mathbf{x}_{j}}{h}\right\|^{2}\right)}$$

Segmentace – shlukování bodů: pro každý bod máme spočítané lokální maximum (atraktor) z = [x, y, f(y, x)], sousední body A a B sloučíme pokud abs $(z_A - z_B) \le t$ 

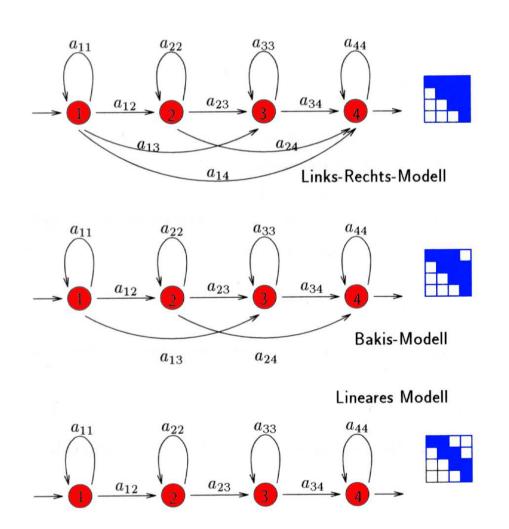
- Nastavení algoritmu
- K kernel nejmenší vliv
- Minimální jasová vzdálenost nutnost nastavit
- Poloměr výpočetního okna velký vliv na výpočet (čas), špatně zvolen špatná segmentace
- Zastavit včas algoritmus nespoléhat, že při konvergenci posun = 0, zastavit dřív při malém posunu, nastavit maximální počet interakcí
- Stejnobarevné plochy tvořené více atraktory, sloučení atraktorů dle minimální jasové vzdálenosti
- Modifikace Meanshift 1) zlepšení segmentační schopnosti volba vyhlazovacích parametrů, 2) zrychlení výpočtu – zjednodušení vyhledávání sousedních bodů, omezení počtu interací...

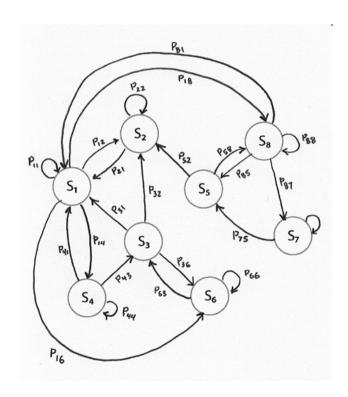
#### HMM - Hidden Markov Model



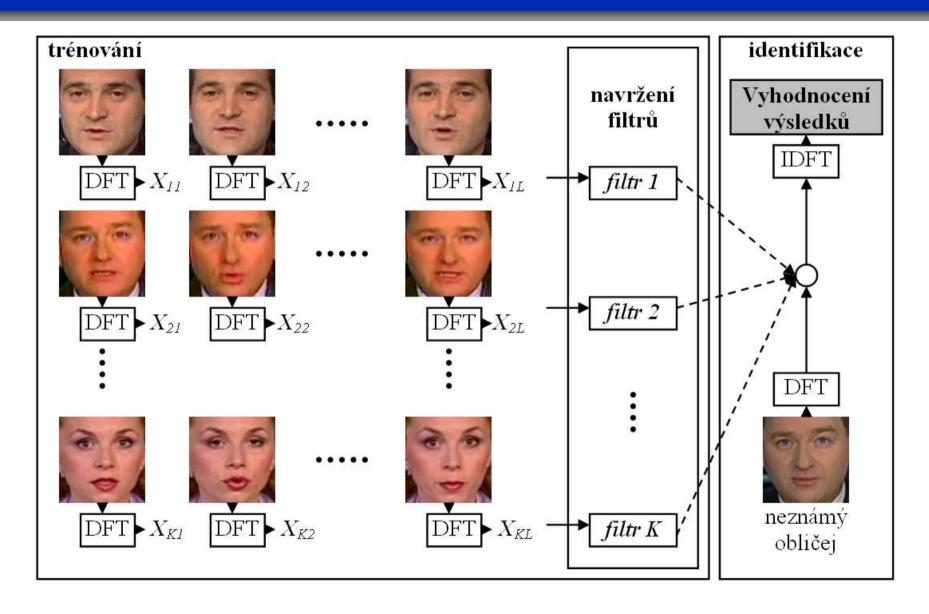
$$b_{s}(\vec{x}) = \sum_{m=1}^{M} c_{sm} \frac{1}{\sqrt{(2\pi)^{P} \det \Sigma_{sm}}} \cdot \exp\left[-0.5(\vec{x} - \vec{\bar{x}}_{sm})^{T} \Sigma_{sm}^{-1} (\vec{x} - \vec{\bar{x}}_{sm})\right] \qquad b_{s}(\vec{x}) = \prod_{t=1}^{T} \left(\sum_{m=1}^{M} c_{stm} \frac{1}{\sqrt{(2\pi)^{P} \det \Sigma_{stm}}} \cdot \exp\left[-0.5(\vec{x} - \vec{\bar{x}}_{stm})^{T} \Sigma_{stm}^{-1} (\vec{x} - \vec{\bar{x}}_{stm})\right]\right)^{\gamma_{t}}$$

### HMM - Hidden Markov Model





## MACE - Minimum Average Correlation Energy



## MACE - Minimum Average Correlation Energy

#### $\boldsymbol{H} = \boldsymbol{D}^{-1} \boldsymbol{X} (\boldsymbol{X}^{+} \boldsymbol{D}^{-1} \boldsymbol{X})^{-1} \boldsymbol{u}$ Návrh filtru MACE

X – matice z vektorů: DFT počítaná z trénovácích obrazů, lexikograficky řazené

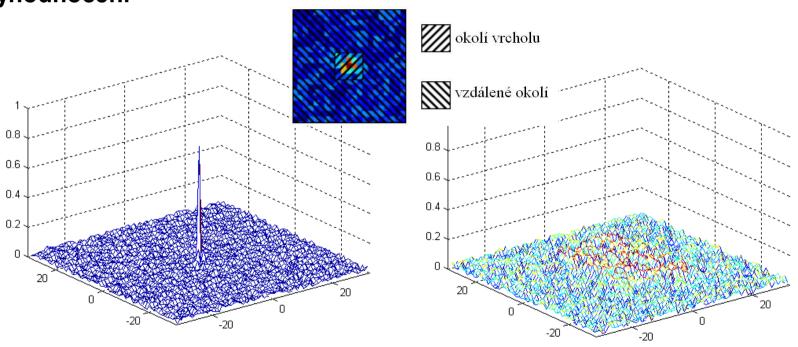
X<sup>+</sup>– matice transponovaná a komplexně sdružená k X

u – sloupcový vektor, hodnoty obvykle 1

u – sloupcový vektor, πουποιγ σενγιώς . D – diagonální matice: hodnoty spočítané jako průměr  $d_{jj} = \frac{1}{L} \sum_{i=1}^{L} \left| \mathbf{x}_i \left( j \right) \right|^2 \quad j = 1,...,N$ 

$$d_{jj} = \frac{1}{L} \sum_{i=1}^{L} |x_i(j)|^2$$
  $j = 1,...,N$ 

Vyhodnocení



#### MNIST dataset

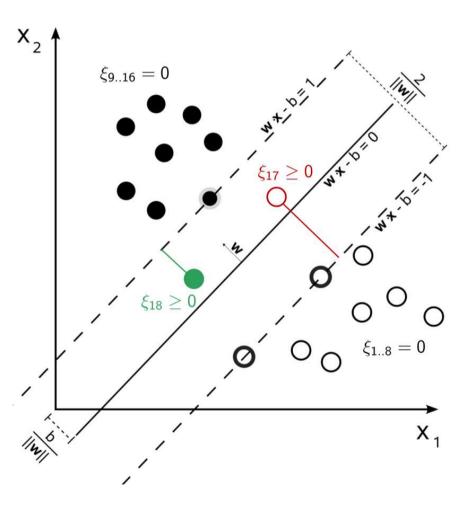
- Modified National Institute of Standards and Technology database (1994)
- 60 000 obrázků pro trénink, 10 000 pro testování

## **MNIST** dataset

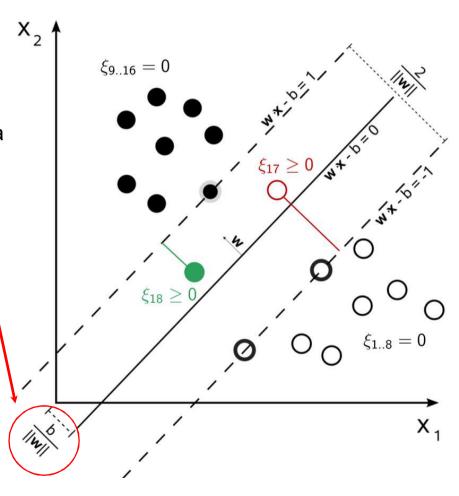
Type \$	Classifier +	Distortion +	Preprocessing +	Error rate \$ (%)
Linear classifier	Pairwise linear classifier	None	Deskewing	7.6 <sup>[10]</sup>
Decision stream with Extremely randomized trees	Single model (depth > 400 levels)	None	None	2.7 <sup>[28]</sup>
K-Nearest Neighbors	K-NN with rigid transformations	None	None	0.96 <sup>[29]</sup>
K-Nearest Neighbors	K-NN with non-linear deformation (P2DHMDM)	None	Shiftable edges	0.52 <sup>[30]</sup>
Boosted Stumps	Product of stumps on Haar features	None	Haar features	0.87 <sup>[31]</sup>
Non-linear classifier	40 PCA + quadratic classifier	None	None	3.3 <sup>[10]</sup>
Random Forest	Fast Unified Random Forests for Survival, Regression, and Classification (RF-SRC) <sup>[32]</sup>	None	Simple statistical pixel importance	2.8 <sup>[33]</sup>
Support-vector machine (SVM)	Virtual SVM, deg-9 poly, 2-pixel jittered 2002	None	Deskewing	0.56 <sup>[34]</sup>
Neural network	2-layer 784-800-10	None	None	1.6 <sup>[35]</sup>
Neural network	2-layer 784-800-10 <b>2003</b>	Elastic distortions	None	0.7 <sup>[35]</sup>
Deep neural network (DNN)	6-layer 784-2500-2000-1500-1000-500-10 <b>2010</b>	Elastic distortions	None	0.35 <sup>[36]</sup>
Convolutional neural network (CNN)	6-layer 784-40-80-500-1000-2000-10	None	Expansion of the training data	0.31 <sup>[37]</sup>
Convolutional neural network	6-layer 784-50-100-500-1000-10-10	None	Expansion of the training data	0.27 <sup>[38]</sup>
Convolutional neural network (CNN)	13-layer 64-128(5x)-256(3x)-512-2048-256-256-10	None	None	0.25 <sup>[22]</sup>
Convolutional neural network	Committee of 35 CNNs, 1-20-P-40-P-150-10	Elastic distortions	Width normalizations	0.23 <sup>[17]</sup>
Convolutional neural network	Committee of 5 CNNs, 6-layer 784-50-100-500-1000-10-10	None	Expansion of the training data	0.21[24][25]
Random Multimodel Deep Learning (RMDL)	10 NN-10 RNN - 10 CNN	None	None	0.18 <sup>[27]</sup>
Convolutional neural network	Committee of 20 CNNS with Squeeze-and-Excitation Networks <sup>[39]</sup>	None	Data augmentation	0.17 <sup>[40]</sup>
Convolutional neural network	Ensemble of 3 CNNs with varying kernel sizes 2020	None	Data augmentation consisting of rotation and translation	0.09 <sup>[41]</sup>

https://en.wikipedia.org/wiki/MNIST\_database

- Vladimir Naumovich Vapnik (\* 1936), Rusko, 1990 AT&T Bell Labs (USA)
- metoda podpůrných vektorů
- Základní metoda lineární klasifikace do dvou tříd
- Cíl -> nalézt nadrovinu, která prostor příznaků optimálně rozdělí -> trénovací data náležející odlišným třídám leží v opačných poloprostorech
- Optimální nadrovina -> hodnota minima vzdáleností příznaků od roviny je co největší, okolo nadroviny (na obě strany) je co nejširší pruh bez příznaků
- Maximální odstup (maximal margin) pásmo necitlivosti, hraniční pásmo
- Pro popis nadroviny stačí hraniční příznaky, těch bývá malé množství – podpůrné vektory (support vectors)



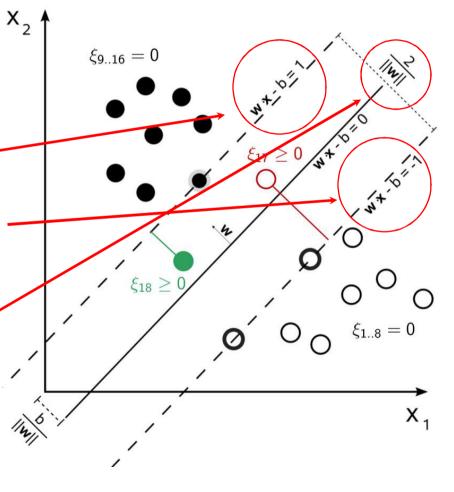
- Trénovací dataset  $(\mathbf{x}_1, y_1) \dots (\mathbf{x}_n, y_n) >>> \mathbf{x} = (x_1, x_2), y = 1 \text{ nebo -1 (dle třídy)}$
- Optimální nadrovina -> hodnota minima
   vzdáleností x<sub>i</sub> od roviny je co největší
- Nadrovina  $\mathbf{w}.\mathbf{x} \mathbf{b} = 0$
- w normála nadroviny, ||w|| Euklidovská norma
- |b| / ||w|| vzdálenost nadroviny od počátku souřadnic
- Nejkratší vzdálenost nejbližšího bodu z (1)
   d<sub>+</sub> a (-1) d<sub>-</sub>, d<sub>+</sub> + d<sub>-</sub> je šířka hraničního pásma
- body na hranici hraničního pásma jsou podpůrné vektory, pokud je odebereme, tak se změní Poloha optimální nadroviny



Trénovací dataset  $(\mathbf{x}_1, y_1) \dots (\mathbf{x}_n, y_n) >>> \mathbf{x} = (x_1, x_2), y = 1 \text{ nebo -1 (dle třídy)}$ 

$$x_i \cdot w - b \ge +1 \text{ pro } y_i = +1$$
  
 $x_i \cdot w - b \le -1 \text{ pro } y_i = -1$   
>>>  
 $y_i (x_i \cdot w - b) - 1 \ge 0$ 

- body  $(y_i = +1)$  kde platí = 1, leží v nadrovině  $H_1$ · w.x b = 1
- body  $(y_i = -1)$  kde platí = -1, leží v nadrovině  $H_2$ • w.x - b = -1
- nadroviny H<sub>1</sub> a H<sub>2</sub> jsou kolmé na normálový vektor **w**, vzdálenost od rozdělující nadroviny je 1 /||**w**||, dohromady 2 / ||**w**||



Trénovací dataset  $(\mathbf{x}_1, y_1) \dots (\mathbf{x}_n, y_n) >>> \mathbf{x} = (x_1, x_2), y = 1 \text{ nebo -1 (dle třídy)}$ 

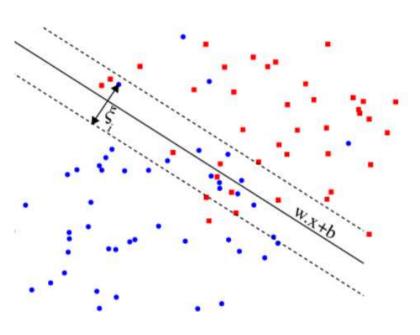
#### Neseparabilní případ - Soft-margin (Hard-margin)

>>> minimalizace chyby, E ≥ 0

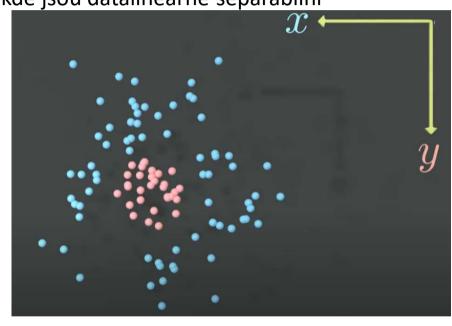
$$x_i \cdot w - b \ge +1 - E_i \text{ pro } y_i = +1$$
  
 $x_i \cdot w - b \le -1 - E_i \text{ pro } y_i = -1$ 

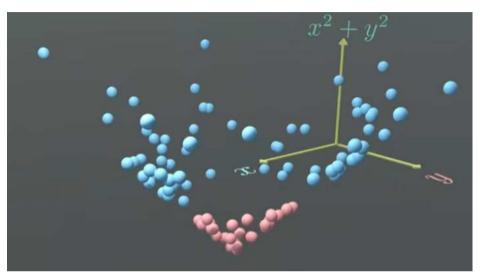
$$\min_{\mathbf{w}, \xi} \left\{ rac{1}{2} \|\mathbf{w}\|^2 + C \sum_{i=1}^n \xi_i 
ight\}$$

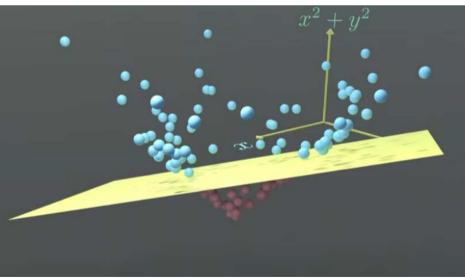
 C volitelný parametr, větší C = větší penalizace chyb



**Nelineární** SVM >>> jádrový trik (kernel trick) transformace dat do prostoru vyšší dimenze, kde jsou datalineárně separabilní







Support Vector Machine (SVM) in 2 minutes: https://youtu.be/\_YPScrckx28

- Řešení (trénování)>>> analytické řešení >>> jen pokud máme málo dat, nebo jsme schopni určit, které příznaky budou podpůrnými vektory
- Data jsou většinou zašuměná Neseparabilní případ Soft-margin >>> numerické řešení + speciální metody programování (kvadratického programování s lineárními vazbovými podmínkami, "hroudová" metoda (chunking method)
- Lagrangeova formulace SVM namísto y<sub>i</sub> (x<sub>i</sub> . w b) 1 ≥ 0 jsou využity Lagrangeovy multiplikátory
- Karushovy-Kuhnovy-Tuckerovy (KKT) podmínky >>> pro optimální řešení v úloze nelineárního programování
- **Testování** (klasifikace, identifikace, rozpoznávání) neznámý objekt parametry  $x = (x_1, x_2)$  spočítáme sgn( $\mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + \mathbf{b}$ ) a dle znaménka zařadíme do jedné ze tříd
- Využití SVM: dobře parametrizovatelné objekty, identifikace obličejů, OCR, bioinformatika (klasifikace proteinů), regresní analýza
- + oproti ANN vždy po trénování nalezeno řešení, malý počet parametrů, poměrně rychlé
- u rozsáhlé úlohy (miliony podpůrných vektorů) >>> velké nároky na paměť a rychlost https://scikit-learn.org/stable/modules/svm.html