



הפקולטה למדעי החברה

מעבדה בבינה מלאכותית 203.3630 ב.1 סמסטר ב' – שנה"ל תשפ"ב

מרצה: שי בושינסקי

ניסוי מספר 1א:

אלגוריתמים גנטיים (מערכות מתארגנות עצמית) - חלק א' במשימה

מועד הגשה אחרון: (יש להגיש יחדיו את שני החלקים של המשימה במועד זה)

shay@cs.haifa.ac.il -יום ו' 11 במרץ 2022 ההגשה באי-מייל ל

:מרכיב הציון

התרגיל הינו חובה

תנאי ההגשה:

העבודה וההגשה בזוגות (ניתן כמובן להגיש ביחידים)

:המשימה

סקרנו אלגוריתם גנטי פשוט אשר חיפש מחרוזת נתונה תוך שימוש בהיוריסטיקה של מרחקי אותיות. המשימה שלכם במעבדה היא להרחיב ולשכלל את הדוגמא ולחקור את ביצועי האלגוריתם עפ"י השינויים הבאים:

חלק א': יישום אלגוריתם גנטי ראשוני: הרחבת הדוגמא מההרצאה

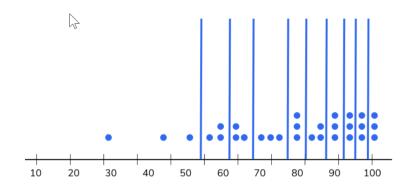
- 1. הוסיפו חישוב ודווח בכל דור של ממוצע ה- FITNESS של האוכלוסיה ושל סטיית התקן מהממוצע
- 12. הוסיפו חישוב ודווח בכל דור של זמן ריצה CLOCK TICKS וזמן ריצה. אבסולוטי בגאפור וכן עד להתכנסות למינימום לוקאלי או גלובאלי
- 3. הציגו חישוב ודווח בכל דור את החלוקה של הפרטים באוכלוסיה לקוונטילים לפי הפיטנס שלהם





אוניברסיטת חיפה החוג למדעי המחשב

הפקולטה למדעי החברה



- 4. ממשו כך שאפשר יהיה לבחור בין שלושה אופרטורים לשיחלוף SINGLE.TWO.UNIFORM
- 5. הוסיפו היוריסטיקה נוספת של "בול פגיעה" פונקציה "המצ'פרת" ניחוש אות במחרוזת ולו אם אינה במיקום הנכון וכן נותנת בונוס גדול על ניחוש אות במקום הנכון.
- 6. השוו את ההיוריסטיקה הזו מול המקורית. (הסבירו כיצד היא קשורה למוטציות במהלך האלגוריתם?) האם היא משפרת את ההיוריסטיקה המקורית ואם לאו מדוע?
- ואילו EXPLORATION זיינו ונמקו אלו חלקים באלגוריתם אחראיים ל EXPLOITATION?
- פקורס PSO ממשו לבעיה הנתונה את האלגוריתם האבולוציוני. המרוא
- 9. השוו בסימולציה בין ביצועי שני האלגוריתמים לגבי הבעיה הנתונה תחת ההיוריסטיקה המועדפת והפרמטריזציה המיטבית – התיחסו לאיכות הפתרונות ולמהירות ההגעה אליהם

הנחיות:

א. התרגיל ישמש כבסיס להרחבה ולתרגילים נוספים – לכן מומלץ להנדס אותו כך שחלקי הקוד יהיו שמישים שוב REUSABLE ושניתן לקנפג אותם לבעיות נוספות, ליצוג ידע שונה (מבהנ נתונים) ולתתי אלגוריתמים אלטרנטיווים

<u>:ההגשה</u>

במועד ההגשה יש להגיש דו"ח מסודר הכולל:





אוניברסיטת חיפה החוג למדעי המחשב

הפקולטה למדעי החברה

- א. תוכנת מקור SOURCE מימוש הנ"ל בשפת תכנות לבחירתך (מתועדת) לפי הסטנדרטים של הקורס
 - ב. תוכנות ריצה מתאימות בצ
- ג. מסמך המסכם את תוצאות הניסוי וניתוח רגישות לתוצאות יש להתייחס לפרמטרים של האלגוריתם הגנטי, מס' הגנים הנדרשים, לשרידות של הגנים ולכל אספקט מעניין שתמצאו לנכון.