Análises dos dados SIVEP-GRIPE, SINASC e SIM para painel Qualidados

Qualidados

05/julho/2023

Bases, importações e devidos tratamentos.

A seguir, são carregados os pacotes do R (https://www.r-project.org) utilizados para filtragem e tratamento dos dados considerados no dashboard https://observatorioobstetrico.shinyapps.io/oobr_qualidados2/. Os dados do painel foram atualizados no dia $04/\mathrm{Junho}/2023$.

```
#carregar pacotes
loadlibrary <- function(x) {</pre>
  if (!require(x, character.only = TRUE)) {
    install.packages(x, dependencies = T)
    if (!require(x, character.only = TRUE))
      stop("Package not found")
  }
}
packages <-
  c(
    "readr",
    "readxl",
    "janitor",
    "dplyr",
    "forcats",
    "stringr",
    "lubridate",
    "summarytools",
    "magrittr",
    "questionr",
    "knitr",
    "data.table",
    "writexl",
    "modelsummary",
    'coro',
    'getPass','httr'
lapply(packages, loadlibrary)
```

SIVEP-GRIPE

A base de dados SIVEP-Gripe (Sistema de Informação da Vigilância Epidemiológica da Gripe) contém os registros de casos e óbitos de SRAG (Síndrome Respiratória Aguda Grave). A notificação é compulsória para síndrome gripal, caracterizada por pelo menos dois dos seguintes sinais e sintomas: febre, mesmo que referida, calafrios, dor de garganta, dor de cabeça, tosse, coriza, distúrbios olfatórios ou de paladar, além de dispneia/desconforto respiratório, pressão persistente no peito, Saturação de O2 menor que 95% no ar ambiente ou cor azulada dos lábios ou rosto. Indivíduos assintomáticos com confirmação laboratorial por biologia molecular ou exame imunológico para infecção por COVID-19 também são relatados.

Para notificações no Sivep-Gripe, devem ser considerados os casos hospitalizados em hospitais públicos e privados, bem como todas as mortes decorrentes de infecções respiratórias agudas graves, independentemente da hospitalização.

A vigilância da SRAG no Brasil é realizada pelo Ministério da Saúde (MS), por meio da Secretaria de Vigilância em Saúde (SVS), desde a pandemia de Influenza A (H1N1) em 2009. Para obter mais informações, acesse: https://coronavirus.saude.gov.br/definicao-de-caso-e-notificacao.

Extração

Os dados de 2009 a 2022 são extraídos com auxílio da API da Plataforma de Ciência de Dados Aplicada à Saúde (PCDaS) e, em seguida, são tratados com base no fluxo ETL (Extração, Transformação e Carga). Durante a extração da API, os dados são filtrados utilizando consultas SQL, conforme demonstrado, em que a variável CS_GESTANT assume os seguintes valores: 1-1º Trimestre; 2-2º Trimestre; 3-3º Trimestre; 4-Idade Gestacional Ignorada; 5-Não; 6-Não se aplica; 9-Ignorado.

```
# Função para converter os resultados das consultas para data.frame
convertRequestToDF <- function(request, column_names = c()){</pre>
  if("RequestError" %in% names(content(request))) stop(content(request)$RequestError)
  variables = unlist(content(request)$columns)
  variables = variables[names(variables) == "name"]
  if (!length(column_names)){
    column_names <- unname(variables)</pre>
  }
  values = content(request,)$rows
  df <- as.data.frame(do.call(rbind,lapply(values,function(r) {</pre>
    row <- r
    row[sapply(row, is.null)] <- NA</pre>
    rbind(unlist(row))
  } )))
  names(df) <- column_names</pre>
  return(df)
}
query_with_cursor <- generator(function(sql_query, token, nrows){</pre>
  tryCatch({
    json_api <- paste0('{"token": "'token": "',token,'"}, "sql": {"sql": {"query":"',sql_query,'", "fet</pre>
    response <- POST(url = "https://bigdata-api.fiocruz.br/sql_query/", body = json_api, encode = "json
    df <- convertRequestToDF(response)</pre>
    col_names <- colnames(df)</pre>
    yield(df)
    while(TRUE){
      ison api <- paste0('{"token": {"token": "',token,'"}, "sql": {"sql": {"cursor":"',content(respons)</pre>
      response <- POST(url = "https://bigdata-api.fiocruz.br/sql_query/", body = json_api, encode = "js
```

```
if(length(content(response)$rows)>0){
        yield(convertRequestToDF(response,col_names))
      else return(NULL)
  }, error=function(cond) message(paste0(cond,"\n",content(response))) )
})
convertColTypeToNum <- function(df, colname){</pre>
  df[,colname] <- as.numeric(as.character(df[,colname]))</pre>
  return(df)
}
anos <- c(2009:2022)
df_total_max3 <- data.frame()</pre>
for(i in anos){
  query <- pasteO('SELECT (*)',
                   ' FROM \\"datasus-srags\\" WHERE (',
                   '(CAST(RIGHT(DT_SIN_PRI, 4) AS int) = ',i,') AND ',
                   '(CS_GESTANT = 1 OR CS_GESTANT = 1.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 2 OR CS_GESTANT = 2.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 3 OR CS_GESTANT = 3.0 OR ',
                   'CS_GESTANT = 4 OR CS_GESTANT = 4.0 OR ',
                   'PUERPERA = 1 OR PUERPERA = 1.0))')
  df_total <- data.frame()</pre>
  loop(for (df in query_with_cursor(query, token, nrows=10000)) {
    print(paste0('Número de registros recuperados a cada iteração: ', nrow(df)))
    df_total <- rbind(df_total,df)</pre>
  })
  df_total_max3 <- rbind(df_total,df_total_max3)</pre>
}
write_rds(df_total_max3,file = 'data1/Sivep_2009-2022.rds')
```

Há atualmente 60730 observações na base de dados e são as variáveis:

names(df_total_max3)

```
[1] "AMOSTRA"
##
                          "ANTIVIRAL"
                                           "AN_ADENO"
                                                            "AN_OUTRO"
##
     [5] "AN_PARA1"
                          "AN_PARA2"
                                           "AN_PARA3"
                                                            "AN_SARS2"
##
     [9] "AN_VSR"
                          "ARTRALGIA"
                                           "ASMA"
                                                            "AVE_10_DIA"
   [13] "AVE_SUINO"
                          "CALAFRIO"
                                           "CARDIOPATI"
                                                            "CLASSI_FIN"
##
    [17] "CLASSI_OUT"
                          "COD_IDADE"
                                           "CONJUNTIV"
                                                            "CORIZA"
##
   [21] "CO_LAB_IF"
                          "CO_LAB_PCR"
                                           "CO_MUN_NOT"
                                                            "CO_MUN_RES"
##
   [25] "CO MU INTE"
                          "CO PAIS"
                                           "CO PS VGM"
                                                            "CO REGIONA"
##
   [29] "CO_RG_INTE"
##
                          "CO_RG_RESI"
                                           "CO_UF_INTE"
                                                            "CO_UNI_NOT"
                                           "CS_GESTANT"
    [33] "CRITERIO"
                          "CS_ESCOL_N"
##
                                                            "CS RACA"
## [37] "CS_SEXO"
                          "CS_ZONA"
                                           "CULT_AMOST"
                                                            "CULT_OUT"
## [41] "CULT_RES"
                          "DESC RESP"
                                           "DIABETES"
                                                            "DIARREIA"
   [45] "DISPNEIA"
                          "DOENCA_TRA"
                                           "DOR_ABD"
                                                            "DOSE_1_COV"
##
```

```
[49] "DOSE 2REF"
                           "DOSE 2 COV"
                                            "DOSE REF"
                                                              "DS_AN_OUT"
##
##
    [53] "DS_IF_OUT"
                           "DS OAGEETI"
                                            "DS OUTMET"
                                                              "DS OUTSUB"
##
    [57] "DS PCR OUT"
                           "DT 1 DOSE"
                                            "DT 2 DOSE"
                                                              "DT ANTIVIR"
    [61] "DT_COLETA"
                           "DT_CO_SOR"
                                            "DT_CULTURA"
                                                              "DT_DIGITA"
##
##
    [65] "DT_DOSEUNI"
                           "DT ENCERRA"
                                            "DT_ENTUTI"
                                                              "DT EVOLUCA"
##
    [69] "DT HEMAGLU"
                           "DT IF"
                                            "DT IFI"
                                                              "DT INTERNA"
##
    [73] "DT NASC"
                           "DT NOTIFIC"
                                            "DT OBITO"
                                                              "DT OUTMET"
    [77] "DT PCR"
##
                           "DT_PCR_1"
                                            "DT RAIOX"
                                                              "DT RES"
##
    [81] "DT_RES_AN"
                           "DT_RT_VGM"
                                            "DT_SAIDUTI"
                                                              "DT_SIN_PRI"
##
    [85] "DT_TOMO"
                           "DT_UT_DOSE"
                                            "DT_VAC_MAE"
                                                              "DT_VGM"
##
    [89] "ESTRANG"
                           "EVOLUCAO"
                                            "FAB_COVREF"
                                                              "FAB_COVRF2"
                                            "FADIGA"
##
    [93] "FAB_COV_1"
                           "FAB_COV_2"
                                                              "FATOR_RISC"
    [97] "FEBRE"
                           "FLUASU_OUT"
                                            "FLUBLI_OUT"
                                                              "FNT_IN_COV"
##
   [101] "GARGANTA"
                           "HEMATOLOGI"
                                            "HEMA_ETIOL"
                                                              "HEMA_RES"
   [105] "HEMOGLOBI"
                                            "HEM_TIPO_N"
                           "HEM_TIPO_H"
                                                              "HEPATICA"
   [109] "HISTO_VGM"
                           "HOSPITAL"
                                            "ID_MN_INTE"
                                                              "ID_MN_RESI"
   [113] "ID_MUNICIP"
                           "ID_OCUPA_N"
                                            "ID_PAIS"
                                                              "ID_REGIONA"
##
   [117] "ID RG INTE"
                           "ID RG RESI"
                                            "ID UNIDADE"
                                                              "IFI"
                                            "IF_PARA1"
   [121] "IF_ADENO"
                           "IF_OUTRO"
                                                              "IF_PARA2"
##
   [125] "IF PARA3"
                           "IF RESUL"
                                            "IF VSR"
                                                              "IMUNODEPRE"
##
   [129] "LAB_IF"
                           "LAB_PCR"
                                            "LAB_PR_COV"
                                                              "LOTE_1_COV"
   [133] "LOTE 2 COV"
                           "LOTE REF"
                                            "LOTE REF2"
                                                              "LO PS VGM"
   [137] "MAE_VAC"
                           "METABOLICA"
                                            "MIALGIA"
                                                              "MONITORA"
##
   [141] "MORB DESC"
                           "M AMAMENTA"
                                            "NEUROLOGIC"
                                                              "NOSOCOMIAL"
   [145] "NU ANO"
                           "NU IDADE N"
                                            "OBESIDADE"
                                                              "OBES IMC"
   [149] "OUTRO_DES"
                           "OUTRO_SIN"
                                            "OUT AMOST"
                                                              "OUT ANIM"
         "OUT_ANTIV"
                           "OUT_METODO"
                                            "OUT_MORBI"
                                                              "OUT_SOR"
   [153]
##
   [157] "OUT_TRAT"
                           "PAC_COCBO"
                                            "PAC_DSCBO"
                                                              "PAIS_VGM"
                           "PCR_ADENO"
                                                              "PCR_BOCA"
   [161] "PCR"
                                            "PCR_AMOSTR"
   [165] "PCR_ETIOL"
                           "PCR_FLUASU"
                                            "PCR_FLUBLI"
                                                              "PCR_METAP"
   [169] "PCR_OUT"
                           "PCR_OUTRO"
                                            "PCR_PARA1"
                                                              "PCR_PARA2"
##
   [173] "PCR_PARA3"
                           "PCR_PARA4"
                                            "PCR_RES"
                                                              "PCR_RESUL"
   [177] "PCR_RINO"
                           "PCR_SARS2"
                                            "PCR_TIPO_H"
                                                              "PCR_TIPO_N"
   [181] "PCR_VSR"
                           "PERD_OLFT"
                                            "PERD_PALA"
                                                              "PNEUMOPATI"
   [185] "POS AN FLU"
                           "POS AN OUT"
                                            "POS IF FLU"
                                                              "POS IF OUT"
##
                           "POS PCROUT"
                                                              "RAIOX OUT"
##
   [189] "POS PCRFLU"
                                            "PUERPERA"
   [193] "RAIOX RES"
                           "RENAL"
                                            "REQUI GAL"
                                                              "RES ADNO"
   [197] "RES_AN"
                           "RES_FLUA"
                                            "RES_FLUASU"
                                                              "RES_FLUB"
##
##
   [201] "RES IGA"
                           "RES_IGG"
                                            "RES_IGM"
                                                              "RES_OUTRO"
   [205] "RES_PARA1"
                           "RES_PARA2"
                                            "RES_PARA3"
                                                              "RES_VSR"
##
   [209] "SATURACAO"
                           "SEM NOT"
                                            "SEM PRI"
                                                              "SG UF"
   [213] "SG UF INTE"
                           "SG_UF_NOT"
                                            "SIND_DOWN"
                                                              "SOR OUT"
##
   [217] "SRAG2009FINAL"
                           "SRAG2010FINAL"
                                            "SRAG2011FINAL"
                                                             "SRAG2012FINAL"
   [221] "SRAG2013FINAL"
                           "SRAG2014FINAL"
                                            "SRAG2015FINAL"
                                                             "SRAG2017FINAL"
  [225] "SRAG2018FINAL"
                           "ST_TIPOFI"
                                            "SUPORT_VEN"
                                                              "SURTO_SG"
  [229]
         "TABAGISMO"
                                            "TIPO_TRAT"
                           "TIPO_PCR"
                                                              "TOMO_OUT"
##
   [233]
         "TOMO RES"
                           "TOSSE"
                                            "TPAUTOCTO"
                                                              "TP_AMOSTRA"
                                            "TP_FLU_AN"
                                                              "TP_FLU_IF"
   [237]
         "TP_AM_SOR"
                           "TP_ANTIVIR"
   [241] "TP_FLU_PCR"
                           "TP_IDADE"
                                            "TP_SOR"
                                                              "TP_TES_AN"
   [245] "TRAT_COV"
                           "UTI"
                                            "VACINA"
                                                              "VACINA_COV"
   [249] "VOMITO"
                           "watermark"
```

Tratamento

A base de dados do SIVEP-GRIPE utilizada no Painel Qualidados passa por um processo de reorganização, no qual os valores das observações que se enquadram em alguma das regras de indicadores de má qualidade dos dados (Incompletude, Implausibilidade ou Inconsistência) são substituídos. Os indicadores podem ser visualizados na aba de dicionário, na tabela de regras, para cada uma das respectivas bases de dados dentro do Painel. Por exemplo, os dados "NA" (Not Available) são substituídos por "Em Branco". Tanto os dicionários de variáveis quanto o conjunto de regras estão disponíveis no GitHub do Painel, no seguinte endereço: https://github.com/observatorioobstetrico/Qualidados.

```
SIVEP_dic <- read_excel("data1/dicionarios.xlsx", sheet = "SIVEP")
df <- readRDS("data1/Sivep 2009-2022.rds")</pre>
variaveis_dic <- SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`</pre>
#BANCO AUXILIAR PARA CORRECAO DOS MUNICIPIOS
aux_muni2 <- abjData::muni %>%
dplyr::select(uf_id,
muni id,
muni nm clean,
uf_sigla) %>%
mutate_at("muni_id", as.character) %>%
mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 6))
#CRIANDO CLASSIFICACAO DE GESTANTE E PUERP E CORRIGINDO OS MUNICIPIOS
df_gest <- df %>%
  #CORRECAO MUNICIPIOS
 left_join(aux_muni2, by = c("ID_MUNICIP" = "cod_mun")) %>%
    mutate(SG_UF_NOT = ifelse(is.na(muni_nm_clean), SG_UF_NOT, uf_sigla),
          ID_MUNICIP = ifelse(is.na(muni_nm_clean), ID_MUNICIP, muni_nm_clean)) %>%
    mutate(
    #DATA DO PRIMEIRO SINTOMA
      dt_sint = as.Date(DT_SIN_PRI, format = "%d/%m/%Y"),
    #DATA DO NASCIMENTO
      dt_nasc = as.Date(DT_NASC, format = "%d/%m/%Y"),
    #ANO, BASEADO NA DATA DO PRIMEIRO SINTOMA
      ANO = lubridate::year(dt_sint),
    #MUNICIPIO
      MUNICIPIO = paste(ID_MUNICIP, "-", SG_UF_NOT)
    ) %>%
  select(-muni_nm_clean, -uf_sigla)
# CORRECAO DO ERRO QUE A FALTA DE PADRONIZACAO DOS DADOS OCASIONOU
df_gest <- df_gest %>% mutate_if(~ !is.character(.), as.character)
df_gest <- data.frame(lapply(df_gest,</pre>
    function(x) ifelse(x == "1.0", '1',
      ifelse(x == '2.0','2',
        ifelse(x == '3.0', '3',
          ifelse(x == '4.0','4',
            ifelse(x == '5.0', '5',
              ifelse(x == '6.0', '6',
                ifelse(x == '7.0', '7',
                  ifelse(x == '8.0','8',
                    ifelse(x == '9.0','9',x))))))))))
df_gest %>% nrow()#CONFERINDO SE VOLTOU TUDO
sivep2 <- df gest
```

```
regras_incom <- fromJSON('data1/incompletude_sivep.json')</pre>
#VARIAVEIS DO DICIONARIO + VARIAVEIS PARA FILTRAGEM
df_gest2 <-
    df_gest[,c(variaveis_dic,'ANO','MUNICIPIO','SG_UF_NOT','CLASSI_FIN')]
#VARIAVEIS EM QUE O VALOR 9 E O VALOR IGNORADO:
variaveis_ign <- c('CS_SEXO','CS_RACA','CS_ESCOL_N','CS_ZONA',</pre>
                 'NOSOCOMIAL', 'AVE_SUINO', 'FEBRE', 'TOSSE', 'GARGANTA', 'DISPNEIA',
                 'DESC RESP', 'SATURACAO', 'DIARREIA', 'VOMITO', 'OUTRO SIN',
                 'FATOR_RISC', 'CARDIOPATI', 'HEMATOLOGI', 'SIND_DOWN',
                'HEPATICA', 'ASMA', 'DIABETES', 'NEUROLOGIC', 'PNEUMOPATI',
                'IMUNODEPRE', 'RENAL', 'OBESIDADE', 'OUT_MORBI',
                 'MAE_VAC', 'M_AMAMENTA', 'ANTIVIRAL', 'HOSPITAL',
                'UTI', 'SUPORT VEN', 'AMOSTRA', 'POS PCRFLU', 'POS PCROUT',
                'EVOLUCAO', 'DOR_ABD', 'FADIGA', 'PERD_OLFT', 'PERD_PALA',
                'POS_AN_FLU', 'POS_AN_OUT', 'CS_GESTANT',
                 'TOMO_RES','VACINA_COV','VACINA','PUERPERA',
                 'CLASSI_FIN', "RAIOX_RES" )
setdiff(variaveis_dic,variaveis_ign)
#SUBSTITUIR VALORES NA POR EM BRANCO
sivep <- replace(df_gest2,is.na(df_gest2) ,"Em Branco")</pre>
#SUBSTITUIR VALORES 9 POR IGNORADO
sivep[, variaveis_ign] <- lapply(sivep[, variaveis_ign],</pre>
                               function(x) ifelse((x == 9'|x == 9.0'),
                                              "Ignorado", x))
# Calcular as porcentagens de valores 'Ignorados' e
#'Em branco' por coluna so para ver se funcionou
  colMeans(sivep == "Ignorado",na.rm = TRUE) * 100
  colMeans(sivep == "Em Branco", na.rm = TRUE) * 100
# IMPLAUSIBILIDADE ----
regras_implau <- fromJSON('data1/implausibilidade_gestantes.json')</pre>
regras_implau2 <- fromJSON('data1/implausibilidade_puerperas.json')</pre>
# Criando vetores de variáveis improváveis e impossíveis
improvavel <- grep("_IMPROVAVEL", names(regras_implau), value = TRUE)</pre>
impossivel <- grep("_IMPOSSIVEL", names(regras_implau), value = TRUE)</pre>
impossivel2 <- grep("_IMPOSSIVEL", names(regras_implau2), value = TRUE)</pre>
impossivel <- c(impossivel2,impossivel) %>% unique()
# Criando um data.frame com as variáveis improváveis
df_improvavel <- data.frame(</pre>
  variavel = gsub(improvavel, pattern = ' IMPROVAVEL', replacement = ''))
# Criando um data.frame com as variáveis impossíveis
df_impossivel <- data.frame(</pre>
  variavel = gsub(impossivel,pattern = '_IMPOSSIVEL',replacement = ''))
# Trocando regras em string por booleANOs
df_impossivel <- df_impossivel %>%
  mutate(condicao = case_when(
    grepl("CS_SEXO", variavel) ~ "CS_SEXO != 'F'",
    grepl("NU_IDADE_N", variavel) ~ "as.integer(NU_IDADE_N) < 0 |</pre>
```

```
as.integer(NU_IDADE_N) > 90",
grepl("CS_GESTANT", variavel) ~ "CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4') &
PUERPERA == '1' ",
grepl("DT_INTERNA", variavel) ~ "lubridate::year(as.Date(DT_INTERNA,format =
'%d/%m/%Y')) < 2019 & !(is.na(lubridate::year(as.Date(DT_INTERNA,format =
'%d/%m/%Y'))))",
grepl("DT_COLETA", variavel) ~ "lubridate::year(as.Date(DT_COLETA,format =
'%d/%m/%Y')) < 2019 & !(is.na(lubridate::year(as.Date(DT COLETA,format =
'%d/%m/%Y'))))",
grepl("TP_IDADE", variavel) ~ "TP_IDADE != '1' & TP_IDADE != '2' &
TP IDADE != '3'",
grepl("TP_ANTIVIR", variavel) ~ "TP_ANTIVIR != '1' &
TP ANTIVIR != '2' & TP ANTIVIR != '3'",
grep1("SURTO_SG", variavel) ~ "SURTO_SG != '1' & SURTO_SG != '2' &
SURTO_SG != 'Ignorado'",
grep1("NOSOCOMIAL", variavel) ~ "NOSOCOMIAL != '1' & NOSOCOMIAL != '2' &
NOSOCOMIAL != 'Ignorado'",
grepl("AVE_SUINO", variavel) ~ "AVE_SUINO != '1' & AVE_SUINO != '2' &
AVE_SUINO != 'Ignorado'",
grepl("FEBRE", variavel) ~ "FEBRE != '1' & FEBRE != '2' &
FEBRE != 'Ignorado'".
grepl("TOSSE", variavel) ~ "TOSSE != '1' & TOSSE != '2' &
TOSSE != 'Ignorado'",
grepl("GARGANTA", variavel) ~ "GARGANTA != '1' & GARGANTA != '2' &
GARGANTA != 'Ignorado'",
grep1("DISPNEIA", variavel) ~ "DISPNEIA != '1' & DISPNEIA != '2' &
DISPNEIA != 'Ignorado'",
grep1("DESC RESP", variavel) ~ "DESC RESP != '1' & DESC RESP != '2' &
DESC RESP != 'Ignorado'",
grepl("SATURACAO", variavel) ~ "SATURACAO != '1' & SATURACAO != '2' &
SATURACAO != 'Ignorado'",
grepl("DIARREIA", variavel) ~ "DIARREIA != '1' & DIARREIA != '2' &
DIARREIA != 'Ignorado'",
grepl("VOMITO", variavel) ~ "VOMITO != '1' & VOMITO != '2' &
VOMITO != 'Ignorado'",
grepl("OUTRO_SIN", variavel) ~ "OUTRO_SIN != '1' & OUTRO_SIN != '2' &
OUTRO_SIN != 'Ignorado'",
grepl("FATOR_RISC", variavel) ~ "FATOR_RISC != '1' & FATOR_RISC != '2' &
FATOR_RISC != 'Ignorado'",
grepl("CARDIOPATI", variavel) ~ "CARDIOPATI != '1' & CARDIOPATI != '2' &
CARDIOPATI != 'Ignorado'",
grep1("HEMATOLOGI", variavel) ~ "HEMATOLOGI != '1' & HEMATOLOGI != '2' &
HEMATOLOGI != 'Ignorado'",
grep1("SIND DOWN", variavel) ~ "SIND DOWN != '1' & SIND DOWN != '2' &
SIND DOWN != 'Ignorado'",
grepl("HEPATICA", variavel) ~ "HEPATICA != '1' & HEPATICA != '2' &
HEPATICA != 'Ignorado'",
grepl("ASMA", variavel) ~ "ASMA != '1' & ASMA != '2' &
ASMA != 'Ignorado'",
grepl("DIABETES", variavel) ~ "DIABETES != '1' & DIABETES != '2' &
DIABETES != 'Ignorado'",
grepl("NEUROLOGIC", variavel) ~ "NEUROLOGIC != '1' & NEUROLOGIC != '2' &
NEUROLOGIC != 'Ignorado'",
```

```
grepl("PNEUMOPATI", variavel) ~ "PNEUMOPATI != '1' & PNEUMOPATI != '2' &
  PNEUMOPATI != 'Ignorado'",
  grepl("IMUNODEPRE", variavel) ~ "IMUNODEPRE != '1 ' & IMUNODEPRE != '2' &
  IMUNODEPRE != 'Ignorado'",
  grepl("RENAL", variavel) ~ "RENAL != '1' & RENAL != '2' &
 RENAL != 'Ignorado'",
  grepl("OBESIDADE", variavel) ~ "OBESIDADE != '1' & OBESIDADE != '2' &
  OBESIDADE != 'Ignorado'",
  grepl("OUT MORBI", variavel) ~ "OUT MORBI != '1' & OUT MORBI != '2' &
  OUT MORBI != 'Ignorado'",
  grepl("VACINA", variavel) ~ "VACINA != '1' & VACINA != '2' &
 VACINA != 'Ignorado'",
  grepl("MAE_VAC", variavel) ~ "MAE_VAC != '1' & MAE_VAC != '2'
 & MAE_VAC != 'Ignorado'",
  grepl("M_AMAMENTA", variavel) ~ "M_AMAMENTA != '1' &
 M_AMAMENTA != '2' & M_AMAMENTA != 'Ignorado'",
  grepl("ANTIVIRAL", variavel) ~ "ANTIVIRAL != '1' &
  ANTIVIRAL != '2' & ANTIVIRAL != 'Ignorado'",
  grepl("HOSPITAL", variavel) ~ "HOSPITAL != '1' &
 HOSPITAL != '2' & HOSPITAL != 'Ignorado'",
  grepl("UTI", variavel) ~ "UTI != '1' & UTI != '2' &
 UTI != 'Ignorado'",
 grepl("AMOSTRA", variavel) ~ "AMOSTRA != '1' &
 AMOSTRA != '2' & AMOSTRA != 'Ignorado'",
  grepl("POS_PCRFLU", variavel) ~ "POS_PCRFLU != '1' &
 POS PCRFLU != '2' & POS PCRFLU != 'Ignorado'",
  grepl("POS PCROUT", variavel) ~ "POS PCROUT != '1' &
 POS_PCROUT != '2' & POS_PCROUT != 'Ignorado'",
  grepl("HISTO_VGM", variavel) ~ "HISTO_VGM != '1' &
 HISTO_VGM != '2' & HISTO_VGM != 'Ignorado'",
  grepl("DOR_ABD", variavel) ~ "DOR_ABD != '1' &
 DOR_ABD != '2' & DOR_ABD != 'Ignorado'",
  grepl("FADIGA", variavel) ~ "FADIGA != '1' &
 FADIGA != '2' & FADIGA != 'Ignorado'",
  grepl("PERD_OLFT", variavel) ~ "PERD_OLFT != '1' &
 PERD_OLFT != '2' & PERD_OLFT != 'Ignorado'",
  grepl("PERD_PALA", variavel) ~ "PERD_PALA != '1' &
 PERD PALA != '2' & PERD PALA != 'Ignorado'",
  grepl("POS_AN_FLU", variavel) ~ "POS_AN_FLU != '1' &
 POS_AN_FLU != '2' & POS_AN_FLU != 'Ignorado'",
  grepl("POS_AN_OUT", variavel) ~ "POS_AN_OUT != '1' &
 POS_AN_OUT != '2' & POS_AN_OUT != 'Ignorado'",
  grepl("TP AM SOR", variavel) ~ "TP AM SOR != '1' &
 TP_AM_SOR != '2' & TP_AM_SOR != 'Ignorado'",
  grepl("PUERPERA", variavel) ~ "(PUERPERA %in% c('1')) &
  (CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4'))"
 ))
 df_improvavel <- df_improvavel %>%
mutate(condicao = case_when(
 grepl("NU_IDADE_N", variavel) ~ "(as.integer(NU_IDADE_N) < 10 &</pre>
  as.integer(NU_IDADE_N) >= 0) | (as.integer(NU_IDADE_N) > 55 &
  as.integer(NU_IDADE_N) <= 90)"))</pre>
```

```
#Substituindo os valores do banco sivep por improvavel e impossivel
attach(sivep)
for(i in 1:nrow(df impossivel)){
  var <- df impossivel$variavel[i]</pre>
  cond <- df impossivel$condicao[i]</pre>
  sivep[eval(parse(text = paste0(cond," & (",var," != 'Em Branco')"))),var]<-</pre>
    'Impossivel'
for(i in 1:nrow(df_improvavel)){
  var <- df_improvavel$variavel[i]</pre>
  cond <- df_improvavel$condicao[i]</pre>
  sivep[eval(parse(text = paste0("(",cond,") & (",
                                  var," != 'Em branco' &",var,
                                  " != 'Ignorado') "))),var] <- 'Improvavel'</pre>
}
detach(sivep)
sivep_ic_ip <- sivep</pre>
# INCONSISTENCIA -----
regras_incon <- fromJSON('data1/SIVEP_Inconsistencias_Regras.json')</pre>
# Criando um data.frame com as variáveis improváveis
df_inconsistencia <- data.frame(</pre>
  variavel = names(regras_incon) %>% gsub(pattern = '_e_', replacement = ' e '))
# Trocando regras em string por booleANOs
df_inconsistencia <- df_inconsistencia %>%
  mutate(condicao = case_when(
    grepl("CS_SEXO e CS_GESTANT", variavel) ~ "(df_gest_aux$CS_SEXO %in%
    c('M', 'I')) & (df_gest_aux$CS_GESTANT %in% c('1','2','3','4'))",
    grepl('FATOR_RISC e COMORBIDADES', variavel) ~
      "((df_gest_aux$FATOR_RISC == '2' | df_gest_aux$FATOR_RISC == '9') &
    (df_gest_aux$CARDIOPATI == '1' | df_gest_aux$HEMATOLOGI == '1' |
    df_gest_aux$SIND_DOWN == '1' | df_gest_aux$HEPATICA == '1' |
   df_gest_aux$ASMA == '1' | df_gest_aux$DIABETES == '1' |
   df_gest_aux$NEUROLOGIC == '1' | df_gest_aux$PNEUMOPATI == '1' |
   df_gest_aux$IMUNODEPRE == '1' | df_gest_aux$RENAL == '1' |
   df_gest_aux$OBESIDADE == '1' | df_gest_aux$OBES_IMC == '1' |
   df_gest_aux$OUT_MORBI == '1')) | ((df_gest_aux$FATOR_RISC == '1') &
    (df_gest_aux$CARDIOPATI != '1' & df_gest_aux$HEMATOLOGI != '1' &
   df_gest_aux$SIND_DOWN != '1' & df_gest_aux$HEPATICA != '1' &
   df_gest_aux$ASMA != '1' & df_gest_aux$DIABETES != '1' &
   df_gest_aux$NEUROLOGIC != '1' & df_gest_aux$PNEUMOPATI != '1' &
   df_gest_aux$IMUNODEPRE != '1' & df_gest_aux$RENAL != '1' &
    df_gest_aux$OBESIDADE != '1' & df_gest_aux$OBES_IMC != '1' &
   df_gest_aux$OUT_MORBI != '1'))",
    grepl("VACINA e DT_UT_DOSE", variavel) ~
      "df_gest_aux$VACINA %in% c('2', '9') &
    (df_gest_aux$DT_UT_DOSE != 'Em Branco')",
    grep1("MAE_VAC e DT_VAC_MAE", variavel) ~ "df_gest_aux$MAE_VAC %in%
    c('2', '9') & (df_gest_aux$DT_VAC_MAE != 'Em Branco')",
    grepl("DT_DOSEUNI e NU_IDADE_N", variavel) ~
```

```
"(df_gest_aux$DT_DOSEUNI != 'Em Branco') &
    (as.integer(df_gest_aux$NU_IDADE_N) <= '6' |</pre>
    as.integer(df_gest_aux$NU_IDADE_N) >= '8')",
    grepl("ANTIVIRAL e TP_ANTIVIR", variavel) ~ "df_gest_aux$ANTIVIRAL %in%
    c('2', '9') & df_gest_aux$TP_ANTIVIR %in% c('1', '2', '3')",
    grepl("HOSPITAL e DT_INTERNA", variavel) ~ "df_gest_aux$HOSPITAL %in%
    c('2', '9') & (df_gest_aux$DT_INTERNA != 'Em Branco')",
   grepl("UTI e DT_ENTUTI", variavel) ~ "(df_gest_aux$UTI == '2' |
   df_gest_aux$UTI == '9') & (df_gest_aux$DT_ENTUTI != 'Em Branco') | (df_gest_aux$HOSPITAL == '2' | d
   df_gest_aux$UTI == '1'",
    grepl("RAIOX_RES e DT_RAIOX", variavel) ~ "(df_gest_aux$RAIOX_RES == '6' |
   df_gest_aux$RAIOX_RES == '9') & (df_gest_aux$DT_RAIOX!= 'Em Branco')",
    grepl("AMOSTRA e DT_COLETA", variavel) ~ "(df_gest_aux$AMOSTRA == '6' |
   df_gest_aux$AMOSTRA == '9') & (df_gest_aux$DT_COLETA != 'Em Branco')",
    grepl("HISTO_VGM e Campos_VGMs", variavel) ~ "(df_gest_aux$HISTO_VGM == '2'|
   df_gest_aux$HISTO_VGM == '9') & (df_gest_aux$LO_PS_VGM != 'Em Branco') &
    (df_gest_aux$DT_VGM != 'Em Branco') &
    (df_gest_aux$DT_RT_VGM != 'Em Branco')",
    grepl("TOMO_RES e DT_TOMO", variavel) ~ "(df_gest_aux$TOMO_RES == '6' |
   df_gest_aux$TOMO_RES == '9') & (df_gest_aux$DT_TOMO != 'Em Branco')",
    grepl("TP_TES_AN e DT_RES_AN", variavel) ~ "((df_gest_aux$RES_AN == '4') &
    (df_gest_aux$TP_TES_AN %in% c('1', '2'))) | ((df_gest_aux$RES_AN == '4') &
    (df_gest_aux$DT_RES_AN != 'Em Branco'))",
    grepl("VACINA_COV e DOSES", variavel) ~ "(df_gest_aux$VACINA_COV %in%
    c('2', '9')) & ((df_gest_aux$DOSE_1_COV != 'Em Branco') |
    (df gest aux$DOSE 2 COV!= 'Em Branco'))",
    grep1("CLASSI_FIN_SRAG_INFLUENZA", variavel) ~
    "df_gest_aux$CLASSI_FIN == '1' & df_gest_aux$POS_PCRFLU %in% c('2', '9') &
   df_gest_aux$POS_AN_FLU %in% c('2', '9')",
    grepl("CLASSI_FIN_SRAG_OUTROS_VIRUS", variavel) ~
      "df_gest_aux$CLASSI_FIN == '1' & df_gest_aux$PCR_OUTRO %in% c('2', '9') &
    df_gest_aux$AN_OUTRO %in% c('2 ', '9')"
  ))
df_inconsistencia <- head(df_inconsistencia, -2)</pre>
# Criando colunas de inconsistencia no df_qest
df_gest_aux <- df_gest</pre>
#SUBSTITUIR VALORES NA POR EM BRANCO
df_gest_aux <- data.frame(lapply(df_gest_aux,</pre>
                                 function(x) ifelse(is.na(x),
                                                 "Em Branco", x)))
for(i in 1:nrow(df_inconsistencia)){
 df_gest_aux[[df_inconsistencia$variavel[i]]] <- 'Nao'</pre>
df_gest_aux %>% colnames() #VENDO SE DEU CERTO
# Verificando a condição de inconsistência para cada variável
for(i in 1:(nrow(df_inconsistencia))){
  var <- df_inconsistencia$variavel[i]</pre>
  cond <- df_inconsistencia$condicao[i]</pre>
  df_gest_aux[eval(parse(text = paste0(cond))) ,var] <- 'Inconsistencia'</pre>
```

```
n <- nrow(df_inconsistencia)</pre>
maxi <- ncol(df_gest_aux)</pre>
# CONCATENANDO E MUDANDO NOME DAS COLUNAS ----
sivep <- cbind(sivep_ic_ip,df_gest_aux[,(maxi - n + 1):maxi])</pre>
#RENOMEANDO AS COLUNAS COM BASE NO DICIONARIO
nomes_colunas <- colnames(sivep)</pre>
# Substituindo os nomes originais pelos novos
for(i in seq_along(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`)) {
  nomes_colunas <- gsub(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`[i],
                         SIVEP_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                         nomes_colunas)
}
# Atribuindo os novos nomes de colunas ao dataframe
colnames(sivep) <- nomes_colunas</pre>
# CRIAR REGRAS DO SIVEP ----
#inconsistencia
regras incon <- regras incon |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
regras_incon <- cbind(regras_incon |> row.names(),regras_incon)
regras incon |> row.names() <- NULL</pre>
regras_incon |> colnames() <- c('Variavel','Regra')</pre>
regras_incon$Variavel <- regras_incon$Variavel |>
  gsub(pattern = '_e_', replacement = ' e ')
regras_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
regras_incon <- regras_incon[-c(17,18),]</pre>
#implausibilidade
regras_implau <- regras_implau |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
regras_implau <- cbind(regras_implau |> row.names(),regras_implau)
regras_implau |> row.names() <- NULL</pre>
regras_implau |> colnames() <- c('Variavel','Regra')</pre>
regras_implau$Variavel <- regras_implau$Variavel |>
  gsub(pattern = '_IMPOSSIVEL', replacement = '')
regras_implau$Regra <- regras_implau$Regra |>
  gsub(pattern = 'de gestantes ', replacement = '')
regras_implau$Regra <- regras_implau$Regra |>
  gsub(pattern = 'Gestantes ', replacement = 'Gestantes e puérperas ')
regras_implau$Regra[4] <- 'Gestantes e puérperas ao mesmo tempo'
regras_implau$Indicador <- 'Implausiblidade'</pre>
#incompletude
regras_incom <- regras_incom |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
regras_incom <- cbind(regras_incom |> row.names(),regras_incom)
regras_incom |> row.names() <- NULL</pre>
regras_incom |> colnames() <- c('Variavel','Regra')</pre>
regras_incom$Indicador <- 'Incompletude'</pre>
```

```
#CORRECAO PARA CODIGO DO QUALIDADOS
regras_sivep <- rbind(regras_incon,regras_implau,regras_incom)</pre>
for(i in seq_along(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`)) {
  for(j in 1:ncol(regras sivep)){
 regras_sivep[,j] <- gsub(SIVEP_dic$`Codigo SIVEP`[i],</pre>
                           SIVEP_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                       regras_sivep[,j])
 }
}
regras_sivep$Variavel <- regras_sivep$Variavel %>%
  gsub(pattern = '_IMPROVAVEL',replacement = '')
#DESCRICAO DOS INDICADORES
desc_incom <-</pre>
  'análise das informações que estão faltando na base de dados, seja porque
não foram preenchidas ("dados em branco") ou porque a resposta era desconhecida
("dados ignorados").'
desc_implau <-
 "análise das informações que são improváveis e/ou dificilmente possam ser
consideradas aceitáveis dadas as características de sua natureza."
desc_incon <-</pre>
 "informações que parecem ilógicas e/ou incompatíveis a partir da análise da
combinação dos dados informados em dois ou mais campos do formulário."
var_sivep_incon <- regras_sivep[regras_sivep$Indicador=='Inconsistência',</pre>
                                 'Variavel']
#VARIAVEIS AUXILIARES PARA INCONSISTENCIA
Var_incon_relacao <- list(</pre>
  c('SEXO','IDADE_GEST'),
  c('FATOR_RISCO', 'CARDIOPATI', 'HEMATOLOGI', 'SIND_DOWN', 'HEPÁTICA', 'ASMA',
    'NEUROLÓGICA', 'PNEUMOPATIA', 'IMUNODEPRESSAO', 'RENAL_CRON', 'OBESIDADE',
    'OBES_IMC', 'OUT_FATOR_RISCO'),
  c('VACINA','DT_VACINA_GRIPE'),
  c('MAE_VACINA','DT_VACINA_MAE'),
  c('DT_DOSE_UNICA','IDADE'),
  c('ANTIVIRAL', 'TIPO ANTIVIRAL'),
  c('INTERNACAO', 'DT_INTERNACAO'),
  c('UTI' ,'DT_UTI' ,'INTERNACAO'),
  c('RESULT_RAIOX' ,'DT_RAIOX' ),
  c('AMOSTRA DIAG', 'DT COLETA AMO'),
  c('HIST_VIAGEM','LO_PS_VGM', 'DT_VGM', 'DT_RT_VGM'),
  c('RESULT_TOMOGR' ,'DT_TOMOGRAFIA' ),
  c('RES_AN','TIPO_ANTIGENICO','DT_RES_ANTIGENICO'),
  c('VACINA_COVID' ,'DOSE_1_COV' ,'DOSE_2_COV' ),
  c('CLASSI_FIN' ,'PCR_INFLU' ,'ANTIGENICO_INFLU' ),
  c('CLASSI_FIN' ,'PCR_OUTRO' ,'AN_OUTRO')
names(Var_incon_relacao) <-</pre>
  regras_sivep[regras_sivep$Indicador == 'Inconsistência', 'Variavel']
Var_incon_relacao <-
  Var_incon_relacao[var_sivep_incon] %>% unlist() %>% unname()
```

```
Var_incon_relacao <-</pre>
  Var_incon_relacao [Var_incon_relacao %in% colnames(sivep)]
#VARIAVEIS PARA FILTRO
var sivep implau <-
  regras_sivep$Variavel[regras_sivep$Indicador == 'Implausiblidade'] %>%
  unique()
var_sivep_incom <-</pre>
  regras sivep$Variavel[regras sivep$Indicador == 'Incompletude'] %>% unique()
#DADOS
usethis::use_data(sivep,overwrite = T)
#VARIVEIS PARA FILTRO
usethis::use_data(Var_incon_relacao,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_incom,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_implau,overwrite = T)
usethis::use_data(var_sivep_incon,overwrite = T)
#DESCRICAO
usethis::use_data(desc_incom, overwrite = T)
usethis::use_data(desc_implau, overwrite = T)
usethis::use_data(desc_incon, overwrite = T)
#DICIONARIO
usethis::use_data(SIVEP_dic,overwrite = T)
usethis::use_data(regras_sivep,overwrite = T)
```

Análise dos dados de caracterização

Classificação caso de SRAG

A variável que indica a classificação é a CLASSI_FIN, que possui as seguintes categorias: 1 - SRAG por influenza 2 - SRAG por outro vírus respiratório 3 - SRAG por outro agente etiológico 4 - SRAG não especificado 5 - SRAG por COVID-19

```
#tabela de frequência para a classificação
questionr::freq(
    sivep$CLASSI_FIN,
    cum = FALSE,
    total = TRUE,
    na.last = FALSE,
    valid = FALSE
    ) %>%
        kable(caption = "Tabela de frequências para classificação do caso ",
        digits = 2)
```

É perceptível que a maior concentração de dados está nas categorias de COVID-19 e SRAG não especificado. Todos os totais de dados considerados 'Em Branco', 'Implausíveis' e outras categorias similares serão apresentados posteriormente no documento.

Indicativo de Gestante ou Puérpera

Neste ponto, é realizada uma alteração nos dados para visualizar o trimestre gestacional e se a pessoa é puérpera ou não.

Table 1: Tabela de frequências para classificação do caso

	n	%
1	6420	10.6
2	1180	1.9
3	3808	6.3
4	21894	36.1
5	25116	41.4
Em Branco	2269	3.7
Ignorado	43	0.1
Total	60730	100.0

Table 2: Tabela de frequências para classificação do trimestre gestacional

	n	%
1tri	6450	10.6
2tri	14355	23.6
3tri	24614	40.5
IG_ig	2098	3.5
não	3584	5.9
puerp	9629	15.9
Total	60730	100.0

```
#tabela de frequência para a classificação
questionr::freq( sivep |> mutate(
                classi_gesta_puerp = case_when(
                IDADE_GEST == '1'~ "1tri",
                IDADE_GEST == '2'~ "2tri",
                IDADE_GEST == '3' ~ "3tri",
                IDADE_GEST == '4' ~ "IG_ig",
                ( IDADE_GEST == '5' & PUERPERA == '1' )~ "puerp",
                (IDADE_GEST == '9' & PUERPERA == '1')~ "puerp",
                TRUE ~ "não"
                )) |> select(classi_gesta_puerp),
                    cum = FALSE,
                    total = TRUE,
                    na.last = FALSE,
                    valid = FALSE
                    ) %>%
          kable(caption =
          "Tabela de frequências para classificação do trimestre gestacional ",
                  digits = 2)
```

 $\acute{\rm E}$ importante observar que as implausibilidades e incompletudes são classificadas como "NÃO" no contexto mencionado.

Período Gestacional

A variável IDADE_GEST representa o período gestacional e assume os seguintes valores: 1 - 1° Trimestre; 2 - 2° Trimestre; 3 - 3° Trimestre; 4 - Idade Gestacional Ignorada; 5 - Não; 6 - Não se aplica; Ignorado.

Table 3: Tabela de frequências para variável sobre gestação

n	%
1	0.0
6450	10.6
14355	23.6
24614	40.5
2098	3.5
9629	15.9
982	1.6
655	1.1
1946	3.2
60730	100.0
	1 6450 14355 24614 2098 9629 982 655 1946

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
sivep$IDADE_GEST,
cum = FALSE,
total = TRUE,
na.last = FALSE,
valid = FALSE
) %>%
kable(caption = "Tabela de frequências para variável
sobre gestação", digits = 2)
```

Neste caso, os dados em que a variável IDADE_GEST assume os valores 1, 2, 3 ou 4, e a variável PUERPERA assume o valor 1 - É puérpera, são classificados como "Impossíveis".

Sexo

O Painel se limita aos dados em que o indivíduo observado foi classificado como gestante ou puérpera. Portanto, qualquer dado que indique "M" - Homem é considerado impossível. No total, existem 11 observações com essa classificação.

Idade

A variável IDADE representa a idade do indivíduo como um valor numérico. Nesse contexto, os dados cujos valores sejam maiores que 55 ou menores que 10 são classificados como implausíveis, sendo considerados como impossíveis ou improváveis.

Table 4: Tabela de frequências para sexo

	n	%
F	60381	99.4
Impossivel	349	0.6
Total	60730	100.0

Raça

A variável RACA representa a raça do indivíduo e possui as seguintes categorias:1 - Branca; 2 - Preta; 3 - Amarela; 4 - Parda; 5 - Indígena; Ignorado

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
    sivep$RACA,
    cum = FALSE,
    total = TRUE,
    na.last = FALSE,
    valid = FALSE
) %>%
        kable(caption = "Tabela de frequências para variável
        Raça/Cor", digits = 2)
```

Os dados da população apresentam uma predominância majoritária nas categorias de raça "Branca" e "Parda".

UF de Notificação

A variável SG_UF_NOT representa a Unidade Federativa (UF) do estado de notificação do caso de SRAG. Ela assume diferentes valores correspondentes aos estados do Brasil.

Table 5: Tabela de frequências para variável idade

	n	%
10	9	0.0
11	12	0.0
12	28	0.0
13	70	0.1
14	229	0.4
15	478	0.8
16	728	1.2
17	968	1.6
18	1147	1.9
19	1470	2.4
20	1598	2.6
21	1799	3.0
22	1916	3.2
23	2057	3.4
24	2057	3.4
25	2133	3.5
26	2087	3.4
27	2120	3.5
28	2121	3.5
29	2017	3.3
30	2039	3.4
31	2050	3.4
32	1907	3.1
33	1827	3.0
34	1757	2.9
35	1754	2.9
36	1551	2.6
37	1404	2.0
38	1264	2.3
39	1130	1.9
40	845	1.9
41	571	0.9
42	443	0.9
43	295	0.7
44	234	0.3
45	141	0.4
46	80	0.2
47	70	0.1
		0.1
48	58	0.1
49	49	0.1
50	39	0.1
51	37	0.1
52	42	0.1
53	51	0.1
54	62	0.1
55	51	0.1
Impossivel	14568	24.0
Improvavel	1367	2.3
Total	60730	100.0

Table 6: Tabela de frequências para variável Raça/Cor

	n	%
1	24074	39.6
2	3663	6.0
3	464	0.8
4	24704	40.7
5	317	0.5
Em Branco	959	1.6
Ignorado	6549	10.8
Total	60730	100.0

```
kable(caption = "Tabela de frequências para variável
UF de notificação", digits = 2)
```

Escolaridade

A variável ESCOLARIDADE representa o nível de escolaridade do paciente e possui as seguintes categorias: 0 - Sem escolaridade/Analfabeto; 1 - Fundamental 1° ciclo, 1° a 5° série; 2 - Fundamental 2° ciclo, 6° a 9° série; 3 - Médio, 1° ao 3° ano; 4 - Superior; 5 - Não se aplica; Ignorado. Para os níveis de escolaridade fundamental e médio, deve-se considerar a última série ou ano concluído.

```
#tabela de frequência para gestação
questionr::freq(
sivep$ESCOLARIDADE,
cum = FALSE,
total = TRUE,
na.last = FALSE,
valid = FALSE
) %>%
kable(caption = "Tabela de frequências para variável
Escolaridade", digits = 2)
```

Entre as observações, o índice de ensino médio concluído é o de maior frequência. Isso significa que a categoria correspondente ao nível de escolaridade "Médio, 1° ao 3° ano" é a mais comum.

Análise dos Indicadores

Segue abaixo a frequência para cada variável e cada indicador apresentado no painel. As regras de decisão podem ser observadas na aba de tratamento ou no próprio dicionário do painel.

Incompletude

As regras aqui utilizadas são apresentadas no dicionário do painel, mostramos abaixo a frequência relativa a cada variável do painel apresentando alguma das incompletudes. Lembrando que o sivep possui um total de 35792 observações. Essas frequências representam a porcentagem de ocorrência de cada valor em relação ao total de observações para cada variável.

Table 7: Tabela de frequências para variável UF de notificação

	n	%
AC	250	0.4
AL	711	1.2
AM	1520	2.5
AP	289	0.5
BA	1700	2.8
CE	3094	5.1
DF	1727	2.8
ES	459	0.8
GO	1681	2.8
MA	747	1.2
MG	5217	8.6
MS	1385	2.3
MT	1241	2.0
PA	2056	3.4
PB	1884	3.1
PE	1637	2.7
PI	865	1.4
PR	6544	10.8
RJ	4419	7.3
RN	617	1.0
RO	580	1.0
RR	106	0.2
RS	2724	4.5
\overline{SC}	2680	4.4
SE	403	0.7
SP	15777	26.0
ТО	417	0.7
Total	60730	100.0

Table 8: Tabela de frequências para variável Escolaridade

	n	%
0.0	320	0.5
1	3617	6.0
10.0	161	0.3
2	6728	11.1
3	12185	20.1
4	3571	5.9
5	830	1.4
6	1316	2.2
7	192	0.3
8	315	0.5
Em Branco	15373	25.3
Ignorado	16122	26.5
Total	60730	100.0

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                                   Ignorado = numeric(),
                                   `Em Branco` = numeric(),
                                   `Porcentagem Incompletude` = character(),
                                   row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(sivep)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem_ignorado <- sum(sivep[[col]] == "Ignorado", na.rm = TRUE)</pre>
  contagem_em_branco <- sum(sivep[[col]] == "Em Branco", na.rm = TRUE)</pre>
  porc <- (contagem_ignorado + contagem_em_branco)/length(sivep[[col]])</pre>
  # Adição dos resultados à tabela
  tabela_resultados <- rbind(tabela_resultados,</pre>
                         data.frame(Variavel = col,
                                     Ignorado = contagem_ignorado,
                                      `Em Branco` = contagem_em_branco,
                                     `Porcentagem Incompletude` = paste0(
                                     round(porc*100,2),'%')))
}
tabela_resultados |> kable()
```

Variavel	Ignorado	Em.Branco	Porcentagem.Incompletude
SEXO	0	0	0%
IDADE	0	0	0%
TIPO_IDADE	0	14472	23.83%
RACA	6549	959	12.36%
ESCOLARIDADE	16122	15373	51.86%
ZONA	375	18249	30.67%
SURTO SG	0	47492	78.2%
SRAG POS	2970	20428	38.53%
AVES SUINOS	6218	20513	44.02%
FEBRE	462	6861	12.06%
TOSSE	369	4919	8.71%
GARGANTA	1039	10355	18.76%
DISPENEIA	443	7208	12.6%
DESC RESPIRATORIO	599	16592	28.31%
SATURAÇÃO	988	17301	30.12%
DIARREIA	852		31.98%
VOMITO		18570	
	686	25841	43.68%
OUTRO_SINT	1288	11833	21.61%
FATOR_RISCO	0	15837	26.08%
CARDIOPATI	883	28659	48.64%
HEMATOLOGI	342	43089	71.51%
SIND_DOWN	555	36752	61.43%
HEPÁTICA	620	36799	61.62%
ASMA	309	42659	70.75%
DIABETES	299	42314	70.17%
NEUROLÓGICA	596	36722	61.45%
PNEUMOPATIA	903	29405	49.91%
IMUNODEPRESSAO	923	29448	50.01%
RENAL_CRON	903	29594	50.22%
OBESIDADE	658	36350	60.94%
OUT FATOR RISCO	752	26378	44.67%
MAE VACINA	10	60695	99.96%
MAE_AMAMENTA	7	60703	99.97%
ANTIVIRAL	4657	13507	29.91%
TIPO_ANTIVIRAL	0		92.04%
INTERNACAO	324		2.04%
DT INTERNACAO	0	914 5134	8.45%
UTI UTI	589	13404	23.04%
		13404	
SUPORT_VENT	1280		23.99%
AMOSTRA_DIAG	136	9328	15.58%
DT_COLETA_AMO	0	11750	19.35%
RT-PCR_INFLU	1334	50098	84.69%
RT-PCR_OUTRO	34	45680	75.27%
EVOLUCAO	1792	4936	11.08%
HIST_VIAGEM	0	14472	23.83%
DOR_ABD	670	32638	54.85%
FADIGA	651	31951	53.68%
PERDA_OLFT	819	32251	54.45%
PERDA_PALADAR	835	32323	54.6%
ANTIGENICO_INFLU	488	56161	93.28%
ANTIGENICO_OUTRO	51	54969	90.6%
IDADE GEST	655	0	1.08%
DT VACINA GRIPE	0	55411	91.24%
DT VACINA MAE 21		60728	100%
DT DOSE UNICA	0	60730	100%
DT UTI	0	49114	80.87%
RESULT RAIOX	3704	21223	41.05%
	0101		

Implausibilidade

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                                 Implausivel = numeric(),
                                 `Impossivel` = numeric(),
                                 `Porcentagem Implausibilidade` = character(),
                                 row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(sivep)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem_Implausivel <- sum(sivep[[col]] == "Improvavel", na.rm = TRUE)</pre>
  contagem_Impossivel <- sum(sivep[[col]] == "Impossivel", na.rm = TRUE)</pre>
  porc <- (contagem_Implausivel + contagem_Impossivel)/length(sivep[[col]])</pre>
  # Adição dos resultados à tabela
  tabela_resultados <- rbind(tabela_resultados,</pre>
                             data.frame(Variavel = col,
                                          Implausivel = contagem_Implausivel,
                                          Impossivel = contagem_Impossivel,
                                        `Porcentagem Implausibilidade` = paste0(
                                          round(porc*100,2),'%')))}
tabela_resultados |> kable()
```

XX	T 1	T	T 1 222
Variavel	Implausivel	Impossivel	Porcentagem.Implausibilidade
SEXO	0	349	0.57%
IDADE TIPO IDADE	1367	14568	26.24%
RACA	0	0	0%
ESCOLARIDADE	0	0	0%
ZONA	0	0	0%
SURTO SG	0	1459	2.4%
SRAG POS	0	1439	0%
AVES SUINOS	0	31	0.05%
FEBRE	0	0	0.03%
TOSSE	0	0	0%
GARGANTA	0	0	0%
DISPENEIA	0	0	0%
DESC RESPIRATORIO	0	0	0%
SATURAÇÃO	0	0	0%
DIARREIA	0	0	0%
VOMITO	0	0	0%
OUTRO_SINT	0	0	0%
FATOR RISCO	0	14892	24.52%
CARDIOPATI	0	0	0%
HEMATOLOGI	0	0	0%
SIND DOWN	0	0	0%
HEPÁTICA	0	0	0%
ASMA	0	0	0%
DIABETES	0	0	0%
NEUROLÓGICA	0	0	0%
PNEUMOPATIA	0	0	0%
IMUNODEPRESSAO	0	960	1.58%
RENAL CRON	0	0	0%
OBESIDADE	0	0	0%
OUT FATOR RISCO	0	0	0%
MAE VACINA	0	0	0%
MAE AMAMENTA	0	0	0%
ANTIVIRAL	0	33	0.05%
TIPO ANTIVIRAL	0	0	0%
INTERNACAO	0	0	0%
DT INTERNACAO	0	12453	20.51%
UTI	0	0	0%
SUPORT VENT	0	0	0%
AMOSTRA DIAG	0	187	0.31%
DT COLETA AMO	0	6002	9.88%
RT-PCR INFLU	0	0	0%
RT-PCR OUTRO	0	0	0%
EVOLUCAO	0	0	0%
HIST_VIAGEM	0	35700	58.78%
DOR ABD	0	0	0%
FADIGA	0	0	0%
PERDA OLFT	0	0	0%
PERDA PALADAR	0	0	0%
ANTIGENICO INFLU	0	0	0%
ANTIGENICO OUTRO	0	0	0%
IDADE GEST	0	1946	3.2%
DT VACINA GRIPE	0	0	0%
DT VACINA MAE 23		0	0%
DT DOSE UNICA	0	0	0%
DT UTI	0	0	0%
RESULT RAIOX	0	0	0%
1040041_1041041	0	U	070

Inconsistência

As regras utilizadas para identificar as inconsistências no banco de dados podem ser visualizadas na aba de dicionário do painel. Nessa seção, é possível encontrar as informações detalhadas sobre as regras adotadas para determinar as inconsistências nos dados. Recomenda-se consultar essa aba para obter mais detalhes.

```
tabela_resultados <- data.frame(Variavel = character(),</pre>
                               Inconsistência = numeric(),
                               Porcentagem Inconsistência = character(),
                               row.names = NULL, stringsAsFactors = FALSE)
# Iteração sobre as colunas do dataframe original
for (col in colnames(sivep)) {
  # Contagem dos casos "Ignorado" e "Em Branco"
  contagem <- sum(sivep[[col]] == "Inconsistencia", na.rm = TRUE)</pre>
  porc <- (contagem)/length(sivep[[col]])</pre>
  # Adição dos resultados à tabela
  if (contagem > 0) {
        tabela_resultados <- rbind(tabela_resultados,</pre>
                                   data.frame(Variavel = col,
                                   Inconsistência = contagem,
                                   Porcentagem Implausibilidade = paste0(
                                   round(porc*100,2),'%')))}
tabela_resultados |> kable()
```

Variavel	Inconsistência	Porcentagem.Implausibilidade
SEXO e IDADE_GEST	13	0.02%
FATOR_RISCO e COMORBIDADES	5056	8.33%
INTERNACAO e DT_INTERNACAO	1	0%
UTI e DT_UTI	1	0%
RESULT_RAIOX e DT_RAIOX	1	0%
RESULT_TOMOGR e DT_TOMOGRAFIA	1	0%
TIPO_ANTIGENICO e DT_RES_ANTIGENICO	3564	5.87%
VACINA_COVID e DOSES	4	0.01%

SINASC

O Sistema de Informações sobre Nascidos Vivos (SINASC) foi oficialmente implantado a partir de 1990, com o propósito de coletar dados sobre os nascimentos ocorridos em todo o território nacional, fornecendo informações relevantes sobre a natalidade para todos os níveis do Sistema de Saúde.

O SINASC é gerenciado pelo Ministério da Saúde em parceria com as Secretarias Estaduais e Municipais de Saúde. Seu objetivo principal é subsidiar a formulação, implementação e avaliação de políticas públicas relacionadas à saúde materno-infantil.

Extração

Para a base de dados do SINASC, assim como para a base de dados do SIVEP-GRIPE e do SIM (Sistema de Informações sobre Mortalidade), a extração dos dados foi realizada por meio da API disponibilizada pela PCDas (Plataforma de Ciência de Dados Aplicada à Saúde) abrangendo os anos de 1996 a 2020.

Durante a extração dos dados por meio da API, os mesmos são devidamente filtrados, tratados e subdivididos em três bases distintas. Essa subdivisão ocorre devido ao tamanho excessivo do arquivo completo, buscando

otimizar o processamento e análise dos dados. Cada uma das três bases corresponde a um dos indicadores trabalhados no painel.

As bases finais resultantes contêm informações sobre o número de casos dos indicadores e o total de observações, agrupados por município-UF, ano e variável em questão. Essa organização permite uma visualização e análise mais eficiente dos dados, facilitando a compreensão dos padrões e tendências relacionados aos indicadores monitorados no painel.

```
import glob
import pandas as pd
from collections import Counter
import datetime as dt
import warnings
warnings.filterwarnings("ignore")
regras_ignorados = {}
regras_ignorados['LOCNASC'] = [9]
regras_ignorados['ESTCIVMAE'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAE'] = [9]
regras_ignorados['GESTACAO'] = [9]
regras ignorados['GRAVIDEZ'] = [9]
regras_ignorados['PARTO'] = [9]
regras ignorados['CONSULTAS'] = [9]
regras_ignorados['CONSULTAS'] = [9]
regras_ignorados['SEXO'] = [0, 9, 'I']
regras ignorados['RACACOR'] = [9]
regras ignorados['IDANOMAL'] = [8,9]
regras ignorados['ESCMAE2010'] = [9]
regras_ignorados['TPMETESTIM'] = [8,9]
regras_ignorados['TPMETESTIM'] = [99]
regras_ignorados['TPAPRESENT'] = [9]
regras_ignorados['STTRABPART'] = [9]
regras_ignorados['STCESPARTO'] = [9]
regras_ignorados['TPNASCASSI'] = [9]
regras_ignorados['TPFUNCRESP'] = [0]
regras_ignorados['ESCMAEAGR1'] = [9]
regras_ignorados['TPROBSON'] = [11,12]
regras ignorados['IDADEMAE'] = [99]
regras_ignorados['PESO'] = [9999]
for f in glob.glob('SINASC_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
   print(len(df))
   ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
   codmun = df['CODMUNNASC']
   estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
   df_ignorados = df.copy()
   df_totais = df.isna()
```

```
df_nulos = df_totais.copy()
   df_totais['ANO'] = ano
   df_totais['CODMUNNASC'] = codmun
    df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC']) \
                      .count() \
                      .reset index() \
                      .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'TOTAIS']
    df nulos['CODMUNNASC'] = codmun
   df_nulos['ANO'] = ano
   df_nulos = df_nulos.groupby(['ANO','CODMUNNASC']).sum() \
                      .reset_index() \
                      .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
    df_nulos.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'NULOS']
   for c in df_ignorados.columns:
        if c in regras_ignorados:
            df_ignorados[c] = df_ignorados[c].isin(regras_ignorados[c])
        else:
            if c not in ['ANO','CODMUNNASC']:
                df_ignorados.drop(columns=[c], inplace=True)
   df_ignorados['CODMUNNASC'] = codmun
   df_ignorados['ANO'] = ano
   df_ignorados = df_ignorados.groupby(['ANO', 'CODMUNNASC']) \
                        .sum() \
                        .reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
   df_ignorados.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'IGNORADOS']
   df_ignorados = df_ignorados.fillna(0)
   x = df_totais.merge(df_nulos,how='left',on=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL'])
   x = x.merge(df_ignorados, how='left', on=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL'])
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'NULOS', 'IGNORADOS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Incompletude_{}_{}.csv' \
              .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
incompletude = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Incompletude_*.csv'):
   df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
```

```
incompletude = pd.concat([incompletude, df], axis=0)
incompletude.fillna(0, inplace=True)
incompletude = incompletude[~incompletude.VARIAVEL.isin(['contador','NOVO'])]
incompletude.to_csv('SINASC_Incompletude_v2.csv',index=None,compression='gzip')
# gera regras
import json
regras = {}
for r in regras_ignorados:
    regras["IGNORADOS " + r] = "Se o campo " + r + \
    " estiver preenchido com " + str(regras_ignorados[r])
with open('SINASC_Incompletude_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
#IMPLAUSIBLIDADE
colunas_implausibilidade = ['ANO', 'ESTADO', 'CODMUNNASC', 'LOCNASC',
                             'IDADEMAE', 'ESTCIVMAE', 'ESCMAE', 'QTDFILVIVO',
                             'QTDFILMORT', 'GESTACAO', 'GRAVIDEZ', 'PARTO',
                             'CONSULTAS', 'DTNASC', 'HORANASC', 'SEXO',
                             'APGAR1', 'APGAR5', 'RACACOR', 'PESO', 'IDANOMAL',
                             'DTCADASTRO', 'CODANOMAL', 'ESCMAE2010', 'DTNASCMAE',
                             'QTDGESTANT', 'QTDPARTNOR', 'QTDPARTCES', 'IDADEPAI',
                             'DTULTMENST', 'SEMAGESTAC', 'TPMETESTIM', 'TPAPRESENT',
                             'STTRABPART', 'STCESPARTO', 'TPNASCASSI', 'TPFUNCRESP',
                             'TPDOCRESP', 'TPROBSON', 'SERIESCMAE', 'CONSPRENAT',
                             'MESPRENAT', 'ESCMAEAGR1', 'PARIDADE']
# aplica as regras para variaveis com opcoes
regras_gerais = { 'LOCNASC': [1,2,3,4,5,9],
                   'ESTCIVMAE': [1,2,3,4,5,9],
                   'ESCMAE': [1,2,3,4,5,9],
                   'GESTACAO': [1,2,3,4,5,6,9],
                   'GRAVIDEZ': [1,2,3,9],
                   'PARTO': [1,2,9],
                   'CONSULTAS': [1,2,3,4,9],
                   'SEXO': [1,2,9,0,'M','F','I'],
                   'RACACOR': [1,2,3,4,5],
                   'IDANOMAL': [1,2,9],
                   'ESCMAE2010': [1,2,3,4,5,9],
                   'TPMETESTIM': [1,2,9],
                   'TPAPRESENT': [1,2,3,9],
                   'STTRABPART': [1,2,3,9],
                   'STCESPARTO': [1,2,3,9],
                   'TPNASCASSI': [1,2,3,4,9],
                   'TPFUNCRESP': [1,2,3,4,5,9],
                   'TPDOCRESP': [1,2,3,4,5],
                   'TPROBSON': list(range(1,13)), # 1 a 12
                   'SERIESCMAE': list(range(1,9)), # 1 a 8
```

```
'MESPRENAT': list(range(1,11)) + [99], # 1 a 10 e 99
                 'ESCMAEAGR1': list(range(1,13)), # 1 a 12,
for f in glob.glob('SINASC_dataset/*.csv'):
   df = pd.read csv(f)
   ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
   estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
   codmun = df['CODMUNNASC']
   aux_cols = []
   for c in colunas_implausibilidade:
       if c in df.columns:
           aux_cols.append(c)
   aux = df[aux_cols]
   aux['ANO'] = ano
   aux['CODMUNNASC'] = codmun
   print(ano, estado)
   for col in regras_gerais.keys():
       if col in aux cols:
           aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                          (~aux[col].isin(regras_gerais[col]))
   # REGRAS ESPECÍFICAS
   col = 'IDADEMAE'
   if col in aux_cols:
       aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
       aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                     ((aux[col] < 10) | (aux[col] > 55))
   for col in ['QTDFILVIVO','QTDFILMORT']:
       if col not in aux cols:
           continue
       aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
       aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                     ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 70))
   col = 'PESO'
   if col in aux_cols:
       aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
       aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                           (aux[col] > 11000))
   for col in ['QTDGESTANT','QTDPARTNOR','QTDPARTCES']:
       if col not in aux_cols:
```

```
aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                                      (aux[col] > 27))
col = 'IDADEPAI'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + " IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 10) | \</pre>
                                         (aux[col] > 99))
col = 'SEMAGESTAC'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] < 20)</pre>
col = 'CONSPRENAT'
if col in aux cols:
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] < 0)</pre>
for col in ['DTNASC','DTCADASTRO']:
    if col in aux cols:
        aux[col] = pd.to_numeric(df[col].astype(str).str[-4:],
                                           errors='coerce')
        aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                       (aux[col] > dt.date.today().year)
col = 'DTNASCMAE'
if col in aux_cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(df[col].astype(str).str[-4:],
                                                 errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] > 2012) | \
                                       (aux[col] < 1967))
col = 'HORANASC'
if col in aux_cols:
    if df[col].dtype == "object":
        df[col] = df[col].str.replace(";","")
        df[col] = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce')
    hora = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce') // 100
    minuto = pd.to_numeric(df[col], errors='coerce') % 100
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (df[col] > 59) & \
                             (hora > 23) & (minuto > 59) # 00:59 vira 59 só
for col in ['APGAR1', 'APGAR5']:
    if col in aux_cols:
        aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
        aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                       ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 10))
col = 'PARIDADE'
if col in aux cols:
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
```

```
((aux[col] < 0) | (aux[col] > 27))
   aux_cols = []
   for c in aux.columns:
        if 'IMPLAUSIVEL' in c:
            aux_cols.append(c)
    aux_cols = ['ANO','ESTADO','CODMUNNASC'] + aux_cols
   df_implausiveis = aux[aux_cols]
   df_implausiveis.fillna(0, inplace=True)
   df_implausiveis = df_implausiveis.groupby(['ANO','CODMUNNASC']) \
                                       .sum() \
                                       .reset_index() \
                                       .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
    df_implausiveis.columns = ['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL','IMPLAUSIVEIS']
   df['ANO'] = ano
    df['CODMUNNASC'] = codmun
   df totais = df[['ANO', 'CODMUNNASC']]
   df_totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC'])['TOTAIS'] \
                          .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   df_implausiveis.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_implausiveis], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'IMPLAUSIVEIS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Implausiiblidade_{}_{}.csv' \
                        .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
implausibilidade = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Implausiiblidade_*.csv'):
   df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    implausibilidade = pd.concat([implausibilidade, df], axis=0)
implausibilidade.fillna(0, inplace=True)
implausibilidade.to_csv('SINASC_Implausibilidade_v2.csv', index=None,
                                              compression='gzip')
```

```
# gera regras
import json
regras = {}
regras["IDADEMAE"] = "Se campo IDADEMAE for menor que 10 ou maior que 55"
regras["QTDFILVIVO"] = "Se campo QTDFILVIVO for menor que 0 ou maior que 70"
regras["QTDFILMORT"] = "Se campo QTDFILMORT for menor que 0 ou maior que 70"
regras["PESO"] = "Se campo PESO for menor que 0 ou maior que 11000"
regras["QTDGESTANT"] = "Se campo QTDGESTANT for menor que 0 ou maior que 27"
regras["QTDPARTNOR"] = "Se campo QTDPARTNOR for menor que 0 ou maior que 27"
regras["QTDPARTCES"] = "Se campo QTDPARTCES for menor que 0 ou maior que 27"
regras["IDADEPAI"] = "Se campo IDADEPAI for menor que 10 ou maior que 99"
regras["SEMAGESTAC"] = "Se campo SEMAGESTAC for menor que 20"
regras["CONSPRENAT"] = "Se campo SEMAGESTAC for menor que 0"
regras["DTNASC"] = "Se campo DTNASC for maior que a data da última atualização \
                                                             dos dados"
regras["DTCADASTRO"] = "Se campo DTCADASTRO for menor que a data \
                                         da última atualização dos dados"
regras["DTNASCMAE"] = "Se campo DTNASCMAE for menor que 1967 ou maior que 2012"
regras["HORANASC"] = "Se campo HORANASC não for uma hora válida"
regras["APGAR1"] = "Se campo APGAR1 for menor que 0 ou maior que 10"
regras["APGAR5"] = "Se campo APGAR5 for menor que 0 ou maior que 10"
regras["PARIDADE"] = "Se campo APGAR5 for menor que 0 ou maior que 27"
for k in regras_gerais.keys():
    if k not in regras.keys():
       regras[k] = "Se o campo " + k + "não for preenchido com " + \
       str(regras_gerais[k])
with open('SINASC_Implausibilidade_Regras.json', 'w') as fp:
   json.dump(regras, fp, indent=4)
regras = {}
regras['LOCNASC_e_PARTO'] = "Se campo LOCNASC for 2,3,4,5 e o \
                             campo PARTO estiver preenchido com 2"
regras['PARTO_e_STCESPARTO'] = "Se o campo STCESPARTO estiver preenchido \
                               como 1 e o campo PARTO estiver como 2 ou 9"
regras['TPROBSON_e_composicao'] = "Se o campo TPROBSON estiver preenchido \
                                         entre 1 e 10 e qualquer um dos \
                                         campos QTDGESTANT,QTDPARTNOR, \
                                         QTDPARTCES, SEMAGESTAC, TPAPRESENT, \
                                         STTRABPART estiverem em branco"
# inconsistencia
for f in glob.glob('SINASC_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
```

```
ano = f.split('/')[1].split('_')[3].split('.')[0]
estado = f.split('/')[1].split('_')[2]
codmun = df['CODMUNNASC']
df['PESO'] = df['PESO'].apply(pd.to_numeric, errors='coerce')
df['parto_prematuro'] = df['GESTACAO'] <= 4</pre>
aux_cols = []
base = df
# LOCNASC e PARTO
base['LOCNASC_e_PARTO_INCONSISTENTES'] = (base['LOCNASC'] \
                                           .isin([2,3,4,5])) \
                                           & (base['PARTO'] == 2)
# PARTO e STCESPARTO
if 'STCESPARTO' in base.columns:
    base['PARTO_e_STCESPARTO_INCONSISTENTES']=(base['STCESPARTO'] == 1) & \
                                               (base['PARTO'].isin([2,9]))
# TPROBSON e composicao
if 'TPROBSON' in base.columns:
    base['TPROBSON e composicao INCONSISTENTES'] = (base['TPROBSON'] \ .
                                         isin([1,2,3,4,5,6,7,8,9,10])) & \
                                         ((~base[['QTDGESTANT','QTDPARTNOR',\
                                         'QTDPARTCES', 'SEMAGESTAC', \
                                         'TPAPRESENT', 'STTRABPART']]\
                                         .isna()).sum(axis = 1) > 0)
# PARTO_PREMATURO e PESO
base['PARTO_PREMATURO_e_PESO_INCONSISTENTES']=(base['parto_prematuro'] == 1) \
                                               & (base['PESO'] > 2500)
aux_cols = []
for c in base.columns:
    if 'INCONSISTENTES' in c:
        aux_cols.append(c)
aux = base[aux_cols]
aux['ANO'] = ano
aux['CODMUNNASC'] = codmun
df_inconsistentes = aux
df_inconsistentes.fillna(0, inplace=True)
df_inconsistentes = df_inconsistentes.groupby(['ANO', 'CODMUNNASC']) \
                                         .sum() \
                                         .reset_index() \
                                         .melt(id_vars=['ANO','CODMUNNASC'])
```

```
df_inconsistentes.columns=['ANO','CODMUNNASC','VARIAVEL','INCONSISTENTES']
   df['ANO'] = ano
    df['CODMUNNASC'] = codmun
    df_totais = df[['ANO','CODMUNNASC']]
   df_totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNNASC'])['TOTAIS'] \
                            .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNNASC', 'TOTAIS']
    df_totais.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   df_inconsistentes.set_index(['ANO','CODMUNNASC'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_inconsistentes], how='left')
    x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNNASC', 'VARIAVEL', 'INCONSISTENTES', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SINASC_dataset/resultados/Inconsistencia_{}_{}.csv' \
                      .format(estado, ano),
             index=None, compression='gzip')
inconsistencias = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SINASC_dataset/resultados/Inconsistencia_*.csv'):
    df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    inconsistencias = pd.concat([inconsistencias, df], axis=0)
inconsistencias.fillna(0, inplace=True)
inconsistencias.to_csv('SINASC_Inconsistencia_v2.csv',
                        index=None, compression='gzip')
# gera regras
import json
with open('SINASC_Inconsistencias_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
```

Tratamento

Após a extração dos dados via API, é realizado o tratamento dos dados no software R para adequá-los ao modelo de dados utilizado no painel. Esse tratamento envolve várias etapas, incluindo a substituição dos códigos dos municípios pelos seus respectivos nomes e a associação das variáveis aos códigos correspondentes utilizado no Qualidados.

Os conjuntos de dados são trabalhados separadamente para cada indicador, garantindo que as informações sejam devidamente organizadas e associadas as abas correspondentes do painel. Dessa forma, cada indicador terá seu próprio conjunto de dados tratados, contendo as informações necessárias para a análise e exibição.

```
#pacotes
library(rjson)
library(readr)
library(dplyr)
library(readxl)
SINASC_dic <- read_excel("data1/dicionarios.xlsx", sheet = "SINASC")
usethis::use_data(SINASC_dic,overwrite = T)
regras_sinasc_incom <-
 c(fromJSON(file = 'data1/SINASC_Incompletude_Regras.json'))
Sinasc_incom <-
 read_csv("data1/SINASC_Incompletude_v2.csv",show_col_types = FALSE )
#FILTRAR APENAS PARA VARIAVEIS PRESENTES NO DICIONARIO
vars <- SINASC_dic$`Codigo SINASC` %>% unique()
Sinasc_incom$VARIAVEL %>% unique() %>% setdiff(vars)
Sinasc_incom <- Sinasc_incom[Sinasc_incom$VARIAVEL %in% vars,]</pre>
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
aux muni2 <- abjData::muni %>%
 dplyr::select(uf_id,
               muni_id,
               muni_nm_clean,
               uf sigla) %>%
 mutate_at("muni_id", as.character) %>%
 mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 7))
aux_muni2 <- rbind(aux_muni2,aux_muni2|>
                    mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 6)))
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_incom$CODMUNNASC ,
                                              scientific = FALSE))
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_incom$CODMUNNASC)</pre>
Sinasc incom <- Sinasc incom %>%
 rename(cod mun = CODMUNNASC ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun') %>%
 select(-muni_id,-uf_id) %>%
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
 Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$uf_sigla)==T,]|>
 left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
 dplyr::select(uf_sigla.y)
Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom\u00a4muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_incom$CODMUNNASC <- Sinasc_incom$muni_nm_clean
```

```
Sinasc_incom$ESTADO <- Sinasc_incom$uf_sigla</pre>
Sinasc_incom[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL
Sinasc_incom[is.na(Sinasc_incom$ESTADO), "ESTADO"] <- 'Não Informado'
regras_sinasc_incom <-regras_sinasc_incom |> as.data.frame() |> t() |>
  as.data.frame()
regras_sinasc_incom <- cbind(regras_sinasc_incom|> row.names(),
                            regras sinasc incom)
regras sinasc incom |> row.names() <- NULL
regras_sinasc_incom |> colnames() <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sinasc_incom$Variável <- regras_sinasc_incom$Variável |>
  gsub(pattern = 'IGNORADOS_', replacement = '')
regras_sinasc_incom$Regra <- regras_sinasc_incom$Regra |>
  gsub(pattern = 'estiver', replacement = ' estiver')
var_aux <- Sinasc_incom$VARIAVEL |> unique()
Sinasc_incom <- merge(Sinasc_incom,</pre>
                     SINASC_dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SINASC") ],
                     by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SINASC", all=TRUE)
Sinasc_incom <- Sinasc_incom[Sinasc_incom$VARIAVEL %in% var_aux,]</pre>
Sinasc incom$VARIAVEL <- Sinasc incom$`Codigo Qualidados`
Sinasc_incom$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars incom sinasc <- unique(Sinasc incom$VARIAVEL)</pre>
regras_sinasc_implau <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SINASC Implausibilidade Regras.json'))
Sinasc_implau <- read_csv('data1/SINASC_Implausibilidade_v2.csv',</pre>
                          show_col_types = FALSE)
Sinasc_implau$VARIAVEL <- Sinasc_implau$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = "_IMPLAUSIVEL", replacement = '')
Sinasc_implau$VARIAVEL %>% unique()
#FILTRAR APENAS PARA VARIAVEIS PRESENTES NO DICIONARIO
Sinasc implau$VARIAVEL %>% unique() %>% setdiff(vars)
Sinasc implau <- Sinasc implau[Sinasc implau$VARIAVEL %in% vars,]
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_implau$CODMUNNASC ,
                                               scientific = FALSE))
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_implau$CODMUNNASC)</pre>
Sinasc_implau <- Sinasc_implau %>%
  rename(cod_mun = CODMUNNASC ) %>%
  left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun') %>% select(-muni_id,-uf_id)
Sinasc_implau <- Sinasc_implau |>
  mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
```

```
Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
  Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_implau$CODMUNNASC <- Sinasc_implau$muni_nm_clean
Sinasc_implau$ESTADO <- Sinasc_implau$uf_sigla
Sinasc_implau[is.na(Sinasc_implau$ESTADO),'ESTADO'] <- 'Não informado'
Sinasc implau[,c('cod mun','uf id','uf sigla','muni nm clean')] <- NULL
regras_sinasc_implau <-regras_sinasc_implau |> as.data.frame() |>
 t() |> as.data.frame()
regras_sinasc_implau <- cbind(regras_sinasc_implau|> row.names(),
                             regras_sinasc_implau)
regras_sinasc_implau |> row.names() <- NULL</pre>
regras_sinasc_implau |> colnames() <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sinasc_implau$Regra <- regras_sinasc_implau$Regra |>
  gsub(pattern = 'não',replacement = ' não')
var_aux <- Sinasc_implau$VARIAVEL |> unique()
Sinasc implau <- merge(Sinasc implau,
                      SINASC dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SINASC") ]
                       , by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SINASC", all=TRUE)
Sinasc_implau <- Sinasc_implau[Sinasc_implau$VARIAVEL %in% var_aux,]
Sinasc_implau$VARIAVEL <- Sinasc_implau$`Codigo Qualidados`
Sinasc_implau$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars_implau_sinasc <- unique(Sinasc_implau$VARIAVEL)</pre>
Sinasc_incon<- read_csv("data1/SINASC_Inconsistencia_v2.csv")</pre>
regras_sinasc_incon <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SINASC_Inconsistencias_Regras.json'))
var_incon_sinasc <-Sinasc_incon$VARIAVEL |>
  stringr::str_sub(1,nchar(Sinasc_incon$VARIAVEL)-15) |>
  unique() |>
  gsub(pattern = '_', replacement = ' ')
nomes_incon <- Sinasc_incon$VARIAVEL |> unique()
var incon sinasc |> names() <- nomes incon</pre>
# ACRESCENTAR MUNICIPIO
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- as.character(format(Sinasc_incon$CODMUNNASC ,
                                              scientific = FALSE))
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- gsub(' ','',Sinasc_incon$CODMUNNASC)</pre>
Sinasc_incon <- Sinasc_incon %>%
 rename(cod_mun = CODMUNNASC ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
Sinasc_incon[,c('muni_id','uf_id')] <- NULL</pre>
```

```
Sinasc_incon <- Sinasc_incon |>
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
 Sinasc incon[is.na(Sinasc incon$uf sigla)==T,]|>
 left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
 dplyr::select(uf sigla.y)
Sinasc incon[is.na(Sinasc incon muni nm clean) == T, 'muni nm clean'] <-
  'Não informado'
Sinasc_incon$CODMUNNASC <- Sinasc_incon$muni_nm_clean
Sinasc_incon$ESTADO <- Sinasc_incon$uf_sigla</pre>
Sinasc_incon[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL
Sinasc_incon[is.na(Sinasc_incon$ESTADO) == T, 'ESTADO'] <- 'Não informado'
regras_sinasc_incon <-regras_sinasc_incon |> as.data.frame() |> t() |>
 as.data.frame()
regras_sinasc_incon <- cbind(regras_sinasc_incon|> row.names(),
                           regras sinasc incon)
regras_sinasc_incon |> row.names() <- NULL</pre>
regras sinasc incon |> colnames() <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sinasc_incon$Variável <- regras_sinasc_incon$Variável |>
 gsub(pattern = '_',replacement = ' ')
usethis::use_data(Sinasc_implau, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_implau_sinasc, overwrite = TRUE)
usethis::use data(Sinasc incom, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_incom_sinasc, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(Sinasc_incon, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(var_incon_sinasc, overwrite = TRUE)
regras sinasc implau$Indicador <- 'Implausibilidade'
regras_sinasc_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
regras sinasc incom$Indicador <- 'Incompletude'
for(i in seq along(SINASC dic$`Codigo SINASC`)) {
 for(j in 1:ncol(regras_sinasc_implau)){
   regras_sinasc_implau[,j] <- gsub(SINASC_dic$`Codigo SINASC`[i],</pre>
                                   SINASC_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                                regras_sinasc_implau[,j])
 }
regras_sinasc_implau <-
 regras_sinasc_implau[regras_sinasc_implau$Variável %in% vars_implau_sinasc,]
for(i in seq_along(SINASC_dic$`Codigo SINASC`)) {
```

Análise

Devido à disponibilidade de variáveis no banco de dados, é possível apresentar apenas o número máximo de observações por níveis de Incompletude, Implausibilidade e Inconsistência, assim como para cada uma das variáveis.

Agora serão exibidas as tabelas de frequência relativa para cada um dos indicadores. É importante notar que, em alguns casos, os dados totais para determinadas variáveis podem diferir. Isso ocorre devido à ausência de certas variáveis em determinados anos, os quais são mencionados no dicionário do painel.

Incompletude

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
ANOMALIA COG	2555747	1124039	6.16%	59759279
APGAR1	5299549	0	7.12%	74398079
APGAR5	5565491	0	7.48%	74398079
CESAREA ANTES PART	6792950	863946	24.01%	31887329
CODMUNNATU	4784269	0	15%	31887329
COD ANOMALIA COG	73953207	0	99.4%	74398079
CONSULTAS PRE NAT	4640629	0	16.01%	28983302
CONSUL PRE NATAL	1412318	1734459	4.23%	74398079
DIF OBITO RECEB	10423	0	0.03%	31887329
DOC RESP	136125	0	0.67%	20302485
DO EPIDEMIOLOGICA	7251	0	0.02%	31887329
DO NOVA	1699	0	0.01%	31887329
DT ATUALIZACAO REG	290732	0	0.67%	43539994
DT CADASTRO DN	196761	0	0.45%	43539994
DT DECLARAÇÃO	363171	0	1.79%	20302485
DT MENSTRUACAO	16168881	0	50.71%	31887329
DT NASCIMENTO	0	0	0%	74398079
DT NASCIMENTO MAE	4372626	0	13.71%	31887329
DT RECEBIMENTO LOT	17445851	0	85.93%	20302485
ESCOLARIDADE	1867810	1926857	5.1%	74398079
ESCOLARIDADE 2010	498975	156140	2.51%	26112301
ESCOL 2010 AGR	349784	137257	2.1%	23206512
ESTABELECIMENTO	2473725	0	4.19%	59054295
ESTADO CIVIL	11223938	994875	16.42%	74398079
FUNCAO RESP	957396	41	4.72%	20302485
GEST PRE NATAL	5108323	0	16.02%	31887329
GRUPO ROBSON	3819770	1469844	18.25%	28983302
HORA NASCIMENTO	345454	0	0.79%	43848359
IDADE DA MAE	179490	134544	0.42%	74398079
IDADE PAI	19602051	0	61.47%	31887329
LOCAL NASCIMENTO	16968	646837	0.89%	74398079
METODO UTILIZADO	8641688	0	27.1%	31887329
NASCI ASSISTIDO	193692	21070	0.93%	23206512
NATURALMAE	4856718	0	15.23%	31887329
NUM_LOTE	26305		0.08%	31887329
NUM PARTOS	0	0	0%	20302485
OCUPACAO CBO	21181426	0	29.98%	70661238
PAIS RESID	8925856	0	27.99%	31887329
PARTO INDUZIDO	4806022	807549	17.6%	31887329
PESO NASC	291584	87836	0.51%	74398079
QTD FILHOS M	13506174	0	18.15%	74398079
QTD FILHOS V	7453494	0	10.02%	74398079
QTD GESTACOES	5474298	0	17.17%	31887329
QTD PARTO CESAREA	6216732	0	19.5%	31887329
QTD PARTO NORMAL	5935762	0	18.61%	31887329
RACA	11421132	19313	15.38%	74398079
RACA MAE	5276422	0	16.55%	31887329
RESIDENCIA MUNI	0	0	0%	74398079
SEMANAS GEST	4894876	0	15.35%	31887329
SEMA GESTACAO	1614216	465039	2.79%	74398079
SERIE ESC MAE	15143270	405039	47.49%	31887329
SEXIE_ESC_MAE SEXO	13143270	64358	0.09%	74398079
TIPO GRAVIDEZ	762208	76605	1.13%	74398079
TIPO_GRAVIDEZ TIPO PARTO	123500	12 54 76	0.33%	74398079
TIPO_PARTO	4473947	360277	15.16%	31887329
UF NATURA MAE	389140	_	1.68%	23206512
VERSAO SISTEMA	29400	0	0.09%	31887329
	29400	l U	0.0370	91001949

Implausibilidade

VARIAVEL	Implausiveis	Porcentagem Implausibilidade	Total
ANOMALIA_COG	658	0%	59759279
APGAR1	81079	0.11%	74398079
APGAR5	75538	0.1%	74398079
CESAREA_ANTES_PART	0	0%	31887329
CODMUNNATU	NA	NA%	NA
COD_ANOMALIA_COG	NA	NA%	NA
CONSULTAS_PRE_NAT	0	0%	28983302
CONSUL_PRE_NATAL	3683656	4.95%	74398079
DIF_OBITO_RECEB	NA	NA%	NA
DOC_RESP	2175701	10.72%	20302485
DO_EPIDEMIOLOGICA	NA	NA%	NA
DO_NOVA	NA	NA%	NA
DT_ATUALIZACAO_REG	NA	NA%	NA
DT_CADASTRO_DN	106	0%	43539994
DT_DECLARACAO	NA	NA%	NA
DT_MENSTRUACAO	NA	NA%	NA
DT_NASCIMENTO	0	0%	74398079
DT_NASCIMENTO_MAE	0	0%	31887329
DT_RECEBIMENTOLOT	NA	NA%	NA
ESCOLARIDADE	7484753	10.06%	74398079
ESCOLARIDADE_2010	139323	0.53%	26112301
ESCOL_2010_AGR	115578	0.5%	23206512
ESTABELECIMENTO	NA	NA%	NA
ESTADO CIVIL	0	0%	74398079
FUNCAO RESP	41	0%	20302485
GEST PRE NATAL	0	0%	31887329
GRUPO ROBSON	0	0%	28983302
HORA NASCIMENTO	28	0%	43848359
IDADE DA MAE	136193	0.18%	74398079
IDADE PAI	81	0%	31887329
LOCAL NASCIMENTO	0	0%	74398079
METODO UTILIZADO	12554005	39.37%	31887329
NASCI ASSISTIDO	0	0%	23206512
NATURALMAE	NA	NA%	NA
NUM LOTE	NA	NA%	NA
NUM PARTOS	0	0%	20302485
OCUPACAO CBO	NA	NA%	NA
PAIS RESID	NA	NA%	NA
PARTO INDUZIDO	0	0%	31887329
PESO NASC	0	0%	74398079
QTD FILHOS M	866295	1.16%	74398079
QTD FILHOS V	467240	0.63%	74398079
QTD GESTACOES	2427	0.01%	31887329
QTD PARTO CESAREA	3549	0.01%	31887329
QTD PARTO NORMAL	3612	0.01%	31887329
RACA	19314	0.03%	74398079
RACA MAE	NA	NA%	NA
RESIDENCIA MUNI	NA	NA%	NA
SEMANAS GEST	3377	0.01%	31887329
SEMA GESTACAO	456183	0.61%	74398079
SERIE ESC MAE	552	0.0170	31887329
SEXO SEXO	0	0%	74398079
TIPO GRAVIDEZ	119	0%	74398079
TIPO_GRAVIDEZ TIPO PARTO	0	0%1	74398079
TIPO_FARTO	0	0%	31887329
UF NATURA MAE	NA	NA%	NA
VERSAO SISTEMA	NA NA	NA%	NA NA
v EIWAO_SISTEMA	INA	INA/0	INA.

Inconsistência

VARIAVEL	Inconsistências	Porcentagem Inconsistências	Total
LOCNASC e PARTO	273697	0.37%	74398079
PARTO_PREMATURO e PESO	2697888	3.63%	74398079
PARTO e STCESPARTO	7482090	23.46%	31887329
TPROBSON e composicao	23683812	81.72%	28983302

SIM

O Sistema de Informação Sobre Mortalidade (SIM), desenvolvido pelo Ministério da Saúde em 1975, é resultado da integração de mais de quarenta modelos de instrumentos utilizados ao longo dos anos para coletar dados sobre mortalidade no país. O SIM possui uma variedade de variáveis que, a partir das causas de morte atestadas pelos médicos, permitem a construção de indicadores e a realização de análises epidemiológicas que contribuem para a eficiência da gestão em saúde.

O processo de informatização do SIM teve início em 1979. Doze anos depois, com a implementação do Sistema Único de Saúde (SUS) e a descentralização das responsabilidades, a coleta de dados foi transferida para os estados e municípios, por meio de suas respectivas Secretarias de Saúde. O objetivo do SIM é reunir dados quantitativos e qualitativos sobre óbitos ocorridos no Brasil, sendo considerado uma ferramenta essencial para a gestão da saúde, fornecendo subsídios para a tomada de decisões em diversas áreas da assistência à saúde. No âmbito federal, o SIM está sob a responsabilidade da Secretaria de Vigilância em Saúde.

Extração

A extração dos dados foi realizada por meio da API da PCDas para o período de 1996 a 2020, utilizando a linguagem Python como suporte. Durante o processo de extração, os dados são tratados para garantir a qualidade e consistência das informações. Assim como foi feito para a base de dados do SINASC, os dados são subdivididos para cada um dos indicadores trabalhados, visando reduzir o tamanho das bases.

As bases finais resultantes apresentam apenas o número de casos dos indicadores e o total de observações, agrupados por Município-UF, Ano e variável.

```
## INCOMPLETUDE
regras_ignorados = {}
regras_ignorados['TIPOBITO'] = ['NA']
regras_ignorados['SEXO'] = ['I','O']
regras_ignorados['RACACOR'] = ['NA']
```

```
regras_ignorados['ESTCIV'] = [9]
regras_ignorados['ESC'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAE'] = [9]
regras_ignorados['QTDFILVIVO'] = [99]
regras_ignorados['QTDFILMORT'] = [99]
regras_ignorados['GRAVIDEZ'] = [9]
regras_ignorados['GESTACAO'] = [9]
regras ignorados['PARTO'] = [8,9]
regras_ignorados['OBITOPARTO'] = [9]
regras_ignorados['OBITOGRAV'] = [8,9]
regras_ignorados['OBITOPUERP'] = [99]
regras_ignorados['ASSISTMED'] = [9]
regras ignorados['EXAME'] = [9]
regras_ignorados['CIRURGIA'] = [9]
regras_ignorados['NECROPSIA'] = [9]
regras_ignorados['CIRCOBITO'] = [0]
regras_ignorados['ACIDTRAB'] = [9]
regras_ignorados['FONTE'] = [9]
regras_ignorados['TPMORTEOCO'] = [9]
regras_ignorados['FONTEINV'] = [9]
regras_ignorados['ESCMAEAGR1'] = [9]
regras_ignorados['ESCFALAGR1'] = [9]
# incompletude
cont = 0
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
    ano = df['DTOBITO'] % 10000
    codmun = df['CODMUNOCOR']
   df_ignorados = df.copy()
   df_totais = df.isna()
   df_totais = df.isna()
   df_nulos = df_totais.copy()
   df_totais[df_totais == True] = 1
   df_totais[df_totais == False] = 1
   df_totais['ANO'] = ano
   df_totais['CODMUNOCOR'] = codmun
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                          .count() \
                          .reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
    df_totais.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL','TOTAIS']
   df_nulos['CODMUNNASC'] = codmun
   df_nulos['ANO'] = ano
   df_nulos = df_nulos.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                        .sum() \
```

```
.reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
    df_nulos.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'NULOS']
    for c in df_ignorados.columns:
        if c in regras_ignorados:
            df_ignorados[c] = df_ignorados[c].isin(regras_ignorados[c])
        else:
            if c not in ['ANO','CODMUNOCOR']:
                df_ignorados.drop(columns=[c], inplace=True)
   df ignorados['CODMUNOCOR'] = codmun
   df_ignorados['ANO'] = ano
   df_ignorados = df_ignorados.groupby(['ANO', 'CODMUNOCOR']) \
                                .sum() \
                                .reset_index() \
                                .melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
   df_ignorados.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL','IGNORADOS']
   df_ignorados = df_ignorados.fillna(0)
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
    df_nulos.set_index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
   df_ignorados.set_index(['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_nulos, df_ignorados], how='left')
   x = x.reset index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'NULOS', 'IGNORADOS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SIM_dataset/resultados/Incompletude_p{}.csv'.format(cont),
             index=None, compression='gzip')
    cont += 1
incompletude = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM dataset/resultados/Incompletude p*.csv'):
    df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    incompletude = pd.concat([incompletude, df], axis=0)
incompletude.fillna(0, inplace=True)
incompletude = incompletude[~incompletude.VARIAVEL.isin(['contador','NOVO'])]
incompletude.to_csv('SIM_Incompletude_v2.csv', index=None, compression='gzip')
# gera regras
regras = {}
for r in regras_ignorados:
   regras["IGNORADOS_" + r] = "Se o campo " + r + \
    "estiver preenchido com " + str(regras_ignorados[r])
```

```
with open('SIM_Incompletude_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
# aplica as regras para variaveis com opcoes
regras_gerais = {'TIPOBITO':[1,2],
                'SEXO': [1,2,9,0,'M','F','I'],
                'RACACOR': [1,2,3,4,5],
                'ESTCIV': [1,2,3,4,5,9],
                'ESC': [1,2,3,4,5,9],
                'LOCOCOR': [1,2,3,4,5,9],
                'ESCMAE': [1,2,3,4,5,9],
                'GRAVIDEZ': [1,2,3,9],
                'GESTACAO': [1,2,3,4,5,6,9],
                'PARTO': [1,2,9],
                'OBITOPARTO': [1,2,3,9],
                'OBITOGRAV': [1,2,9],
                'OBITOPUERP': [1,2,3,9],
                'ASSISTMED': [1,2,3,9],
                'EXAME': [1,2,3,9],
                'CIRURGIA': [1,2,3,9],
                'NECROPSIA': [1,2,3,9],
                'CIRCOBITO': [1,2,3,4,9],
                'ACIDTRAB': [1,2,9],
                'FONTE': [1,2,3,4,9],
                'SERIESCMAE': list(range(1,9)),
                'TPMORTEOCO': [1,2,3,4,5,8,9],
                'TPPOS': [1,2],
                'ATESTANTE': list(range(1,6)),
                'FONTEINV': [1,2,3,4,6,7,8,9],
                'ESCMAEAGR1': list(range(1,13)),
                'ESCFALAGR1': list(range(1,13)),
colunas_implausibilidade = regras_gerais.keys()
cont = 0
# implausibilidade
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
   ano = df['DTOBITO'] % 10000
   codmun = df['CODMUNOCOR']
   aux_cols = []
   for c in colunas_implausibilidade:
       if c in df.columns:
           aux_cols.append(c)
   aux = df[aux_cols]
   aux['ANO'] = ano
   aux['CODMUNOCOR'] = codmun
```

```
for col in regras_gerais.keys():
    if col in aux_cols:
        aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & \
                                   (~aux[col].isin(regras gerais[col]))
# REGRAS ESPECÍFICAS
for col in ['IDADE','IDADEMAE']:
    if col not in aux cols:
        continue
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) \</pre>
                                   | (aux[col] > 120))
for col in ['QTDFILVIVO','QTDFILMORT']:
    if col not in aux_cols:
        continue
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & (aux[col] != 99) & \
                               ((aux[col] < 0) \mid (aux[col] > 70))
col = 'PESO'
if col in aux cols:
    aux[col] = pd.to_numeric(aux[col], errors='coerce')
    aux[col + "_IMPLAUSIVEL"] = (~aux[col].isna()) & ((aux[col] < 0) | \</pre>
                                 (aux[col] > 11000))
aux_cols = []
for c in aux.columns:
    if 'IMPLAUSIVEL' in c:
        aux_cols.append(c)
aux_cols = ['ANO','CODMUNOCOR'] + aux_cols
df_implausiveis = aux[aux_cols]
df implausiveis.fillna(0, inplace=True)
df_implausiveis = df_implausiveis.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
                                   .sum().reset_index() \
                                   .melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
df_implausiveis.columns = ['ANO','CODMUNOCOR','VARIAVEL','IMPLAUSIVEIS']
df['ANO'] = ano
df['CODMUNOCOR'] = codmun
df_totais = df[['ANO','CODMUNOCOR']]
df_totais['TOTAIS'] = 1
df_totais = df_totais.groupby(['ANO', 'CODMUNOCOR'])['TOTAIS'] \
                      .sum().reset_index()
```

```
df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   df_implausiveis.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_implausiveis], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'IMPLAUSIVEIS', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SIM_dataset/resultados/Implausibilidade_p{}.csv'.format(cont),
            index=None, compression='gzip')
   cont += 1
implausibilidade = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM_dataset/resultados/Implausibilidade_p*.csv'):
   df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    implausibilidade = pd.concat([implausibilidade, df], axis=0)
implausibilidade.fillna(0, inplace=True)
implausibilidade = implausibilidade[~implausibilidade.VARIAVEL \
                                                  .isin(['contador','NOVO'])]
implausibilidade.to_csv('SIM_Implausibilidade_v2.csv',
                                    index=None, compression='gzip')
# gera regras
regras = {}
regras["IDADE"] = "Se campo IDADE for menor que 0 ou maior que 120"
regras["IDADEMAE"] = "Se campo IDADEMAE for menor que 0 ou maior que 120"
regras["QTDFILVIVO"] = "Se campo QTDFILVIVO for menor que 0 ou maior que 70"
regras["QTDFILMORT"] = "Se campo QTDFILMORT for menor que 0 ou maior que 70"
regras["PESO"] = "Se campo PESO for menor que 0 ou maior que 11000"
for k in regras_gerais.keys():
    if k not in regras.keys():
       regras[k] = "Se o campo " + k + "não for preenchido com " + \
                   str(regras_gerais[k])
with open('SIM_Implausibilidade_Regras.json', 'w') as fp:
   json.dump(regras, fp, indent=4)
regras = {}
cont = 0
def convert_date(col):
```

```
col = col.fillna(0)
   data_string = col.apply(int).apply(str)
   y = data_string.str[-4:]
   m = data_string.str[-6:-4]
   d = data_string.str[:-6]
   return y.str.cat(m.str.cat(d.str.zfill(2)))
# inconsistencias
for f in glob.glob('SIM_dataset/*.csv'):
   df = pd.read_csv(f)
   ano = df['DTOBITO'] % 10000
    codmun = df['CODMUNOCOR']
    aux_cols = [
        'DTOBITO',
        'DTNASC',
        'SEXO',
        'OBITOPARTO',
        'OBITOGRAV',
        'OBITOPUERP',
        'LOCOCOR',
        'FONTE'
   1
   aux = df[aux_cols]
    # DTOBITO menor que DTNASC
   regras['DTOBITO_e_DTNASC'] = "Se a data de óbito for menor \
                                          que a data de nascimento"
   aux['DTOBITO'] = convert_date(aux['DTOBITO'])
    aux['DTNASC'] = convert_date(aux['DTNASC'])
    aux['DTOBITO_e_DTNASC_INCONSISTENTES'] = (aux['DTOBITO'] < aux['DTNASC'])</pre>
    # se SEXO estiver como M ou I e os campos OBITOPARTO,
    # OBITOGRAV, OBITOPUERP estiverem preenchidos
    regras['SEXO_e_OBITO'] = "Se SEXO for differente de 'M','I' e os campos \
                          relativos a óbitos em mulheres estiverem preenchidos"
   obito_preenchido = (~aux['OBITOPARTO'].isna()) | (~aux['OBITOGRAV'] \
                          .isna()) | (~aux['OBITOPUERP'].isna())
    aux['SEXO_e_OBITO_INCONSISTENTES'] = (aux['SEXO'].isin(['M','I'])) & \
                                             (obito preenchido)
    # Se OBITOPARTO preenchido como 3 e OBITOPUERP
    ## estiver como 3 ou OBITOGRAV estiver como 1;
    # Se OBITOPARTO preenchido como 1 ou 2 e OBITOGRAV estiver como 2 ou
    ## OBITOPUERP estiver como 1 ou 2;
    # Se OBITOPARTO preenchido como 9, OBITOGRAV estiver como 1 ou 2 ou
    ## OBITOPUERP estiver como 1,2 ou 3
   regras['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ'] = "Se OBITOPARTO e OBITOPUERP estiver \
                                  como 3 ou OBITOGRAV estiver como 1;"
```

```
regras['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ'] += "Se OBITOPARTO estiver como 1 ou 2 e \
              OBITOGRAV estiver como 2, ou OBITOPUERP estiver como 1 ou 2;"
regras['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ'] += "Se OBITOPARTO estiver como 9 \
    e OBITOGRAV estiver como 1 ou 2, ou OBITOPUERP estiver como 1, 2 ou 3"
parte 1 = (aux['OBITOPARTO'] == 3) & ((aux['OBITOPARTO'] == 3) | \
                                  (aux['OBITOGRAV'] == 1))
parte 2 = (aux['OBITOPARTO'].isin([1,2])) & ((aux['OBITOGRAV'] == 2) | \
                                  (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2])))
parte 3 = (aux['OBITOPARTO'] == 9) & ((aux['OBITOGRAV'].isin([1,2])) | \
                                  (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2,3])))
aux['OBITO_PUERPERIO_GRAVIDEZ_INCONSISTENTES'] = (parte_1) | (parte_2) | \
# Preechido como 1 e o item Morte durante o puerperio também for
# preenchido como 1,2 ou 9
regras['OBITOGRAV_e_OBITOPUERP'] = "Se OBITOGRAV estiver como 1 e \
                                          OBITOPUERP estiver como 1, 2 ou 9"
aux['OBITOGRAV_e_OBITOPUERP_INCONSISTENTES'] = (aux['OBITOGRAV'] == 1) & \
                                          (aux['OBITOPUERP'].isin([1,2,3]))
# Preenchido como 1 ou 2 e o item morte durante a gravidez
# estiver preenchido como 1 ou 9
regras['OBITOPUERP e OBITOGRAV'] = "Se OBITOGRAV estiver como 1 ou 2 e\
                                              OBITOGRAV estiver como 1 ou 9"
aux['OBITOPUERP_e_OBITOGRAV_INCONSISTENTES'] = (aux['OBITOGRAV'] \
                            .isin([1,2])) & (aux['OBITOGRAV'].isin([1,9]))
# Se FONTE diferente de 2 e LOCOCOR for iqual a 1
regras['FONTE_E_LOCOCOR'] = "Se FONTE estiver differente de 2 e\
                                          LOCOCOR estiver como 1"
aux['FONTE_E_LOCOCOR_INCONSISTENTES'] = (aux['FONTE'] != 2) & \
                                            (aux['LOCOCOR'] == 1)
aux_cols = []
for c in aux.columns:
    if 'INCONSISTENTES' in c:
        aux_cols.append(c)
aux = aux[aux_cols]
aux['ANO'] = ano
aux['CODMUNOCOR'] = codmun
df_inconsistentes = aux
df_inconsistentes.fillna(0, inplace=True)
df_inconsistentes = df_inconsistentes.groupby(['ANO','CODMUNOCOR']) \
```

```
.sum().reset_index().melt(id_vars=['ANO','CODMUNOCOR'])
    df_inconsistentes.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', \
                                                 'INCONSISTENTES']
    df['ANO'] = ano
    df['CODMUNOCOR'] = codmun
   df_totais = df[['ANO', 'CODMUNOCOR']]
   df_totais['TOTAIS'] = 1
   df_totais = df_totais.groupby(['ANO','CODMUNOCOR'])['TOTAIS'] \
                          .sum().reset_index()
   df_totais.columns = ['ANO', 'CODMUNOCOR', 'TOTAIS']
   df_totais.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   df_inconsistentes.set_index(['ANO','CODMUNOCOR'], inplace=True)
   x = df_totais.join([df_inconsistentes], how='left')
   x = x.reset_index()
   x = x[['ANO', 'CODMUNOCOR', 'VARIAVEL', 'INCONSISTENTES', 'TOTAIS']]
   x = x.fillna(0)
   x.to_csv('SIM_dataset/resultados/Inconsistencia_p{}.csv'.format(cont),
             index=None, compression='gzip')
    cont += 1
inconsistencias = pd.DataFrame()
for f in glob.glob('SIM_dataset/resultados/Inconsistencia_p*.csv'):
   df = pd.read_csv(f, compression='gzip')
    inconsistencias = pd.concat([inconsistencias, df], axis=0)
inconsistencias.fillna(0, inplace=True)
inconsistencias = inconsistencias[~inconsistencias.VARIAVEL \
                                         .isin(['contador','NOVO'])]
inconsistencias.to_csv('SIM_Inconsistencia_v2.csv', index=None,
                                                 compression='gzip')
# gera regras
with open('SIM_Inconsistencia_Regras.json', 'w') as fp:
    json.dump(regras, fp, indent=4)
```

Tratamento

No caso do SIM, assim como foi feito para o SINASC, também é realizado um trabalho de adequação dos dados. Os códigos de identificação dos municípios são substituídos pelos respectivos nomes, a fim de tornar os dados mais compreensíveis e facilitar a análise. Além disso, os dados são reformulados e estruturados de

maneira adequada para serem recebidos e processados pelo painel.

```
## code to prepare `SIM` dataset goes here
library(rjson)
library(readr)
library(dplyr)
library(readxl)
SIM_dic <- read_excel("data1/dicionarios.xlsx", sheet = "SIM")</pre>
regras_sim_incom <- c(fromJSON(file = 'data1/SIM_Incompletude_Regras.json'))</pre>
SIM_Incom <- read_csv("data1/SIM_Incompletude_v2.csv",show_col_types = FALSE )
#ACRESCENTAR A COLUNA DE MUNICIPIOS E MUNICIPIOS
aux_muni2 <- abjData::muni %>%
 dplyr::select(uf id,
              muni_id,
              muni nm clean,
              uf_sigla) %>%
 mutate_at("muni_id", as.character) %>%
 mutate(cod_mun = stringr::str_sub(muni_id, 1, 7))
aux muni2 <- rbind(aux muni2,aux muni2|>
                  mutate(cod mun = stringr::str sub(muni id, 1, 6)))
SIM_Incom$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Incom$CODMUNOCOR
                                        scientific = FALSE))
SIM_Incom$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM_Incom$CODMUNOCOR)
SIM_Incom <- SIM_Incom %>%
 rename(cod_mun = CODMUNOCOR ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
SIM Incom[,c('muni id','uf id')] <- NULL
SIM Incom <- SIM Incom |>
 mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-</pre>
 SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$uf_sigla)==T,]|>
 left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
 dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM_Incom[is.na(SIM_Incom$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <- 'Não informado'
SIM_Incom$CODMUNNASC <- SIM_Incom$muni_nm_clean
SIM_Incom$ESTADO <- SIM_Incom$uf_sigla</pre>
SIM_Incom[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL</pre>
var_sim_tirar <- c('CODBAIOCOR',</pre>
                 'CODCART',
                 'CODMUNCART',
```

```
'CONTADOR',
                   'DTREGCART'
                   'EXPDIFDATA'.
                   'NUMREGCART',
                   'UFINFORM',
                   'ALTCAUSA',
                   'DTCADINF',
                   'DTCADINV',
                   'DTCONCASO',
                   'DTCONINV',
                   'ESTABDESCR',
                   'FONTES',
                   'FONTESINF',
                   'MORTEPARTO',
                   'NUDIASINF',
                   'NUDIASOBCO',
                   'NUDIASOBIN',
                   'ORIGEM',
                   'TPNIVELINV',
                   'TPOBITOCOR',
                   'TPRESGINFO')
SIM_Incom <- SIM_Incom[!(SIM_Incom$VARIAVEL %in% var_sim_tirar),]</pre>
var_aux <- SIM_Incom$VARIAVEL |> unique()
SIM_Incom <- merge(SIM_Incom, SIM_dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SIM")],
                  by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SIM", all=TRUE)
SIM_Incom <- SIM_Incom[SIM_Incom$VARIAVEL %in% var_aux,]</pre>
SIM Incom$VARIAVEL <- SIM Incom$`Codigo Qualidados`
SIM_Incom$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars_incom_sim<- unique(SIM_Incom$VARIAVEL)</pre>
######## REGRAS
df_aux <- regras_sim_incom |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df_aux |> row.names() <- NULL</pre>
df_aux$`row.names(df_aux)` <- df_aux$`row.names(df_aux)` |>
 gsub(pattern = 'IGNORADOS_', replacement = '')
colnames(df_aux) <- c('Variável','Regra')</pre>
regras_sim_incom <- df_aux</pre>
usethis::use_data(SIM_Incom, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_incom_sim, overwrite = TRUE)
regras sim implau <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SIM_Implausibilidade_Regras.json'))
SIM Implau <-
 read_csv("data1/SIM_Implausibilidade_v2.csv",show_col_types = FALSE )
SIM_Implau$VARIAVEL <- SIM_Implau$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = '_IMPLAUSIVEL',replacement = '')
SIM_Implau$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Implau$CODMUNOCOR ,
```

```
scientific = FALSE))
SIM_Implau$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM_Implau$CODMUNOCOR)
SIM Implau <- SIM Implau %>%
  rename(cod_mun = CODMUNOCOR ) %>%
  left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
SIM Implau[,c('muni id','uf id')] <- NULL</pre>
SIM Implau <- SIM Implau |>
  mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$uf_sigla)==T,'uf_sigla']<-
  SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM_Implau[is.na(SIM_Implau$muni_nm_clean)==T,'muni_nm_clean'] <-
  'Não informado'
SIM_Implau$CODMUNNASC <- SIM_Implau$muni_nm_clean
SIM Implau$ESTADO <- SIM Implau$uf sigla
SIM_Implau[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL</pre>
SIM Implau <- SIM Implau[!(SIM Implau$VARIAVEL %in% var sim tirar),]
var aux <- SIM Implau$VARIAVEL |> unique()
SIM Implau <- merge(SIM Implau,
                    SIM_dic[,c("Codigo Qualidados", "Codigo SIM") ],
                    by.x="VARIAVEL", by.y="Codigo SIM", all=TRUE)
SIM_Implau <- SIM_Implau[SIM_Implau$VARIAVEL %in% var_aux,]
SIM_Implau$VARIAVEL <- SIM_Implau$`Codigo Qualidados`
SIM_Implau$`Codigo Qualidados` <- NULL</pre>
vars_implau_sim<- unique(SIM_Implau$VARIAVEL)</pre>
######## REGRAS
df_aux <- regras_sim_implau |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df_aux |> row.names() <- NULL</pre>
colnames(df_aux) <- c('Variável', 'Regra')</pre>
regras_sim_implau <- df_aux
usethis::use_data(SIM_Implau, overwrite = TRUE)
usethis::use data(vars implau sim, overwrite = TRUE)
####################### Inconsistencia
regras_sim_incon <-
  c(fromJSON(file = 'data1/SIM_Inconsistencia_Regras.json'))
SIM_Incon <- read_csv("data1/SIM_Inconsistencia_v2.csv",show_col_types = FALSE )
SIM_Incon$VARIAVEL <- SIM_Incon$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = '_INCONSISTENTES', replacement = '')
SIM_Incon$VARIAVEL <- SIM_Incon$VARIAVEL |>
  gsub(pattern = '_',replacement = ' ')
```

```
SIM_Incon$CODMUNOCOR <- as.character(format(SIM_Incon$CODMUNOCOR ,
                                             scientific = FALSE))
SIM_Incon$CODMUNOCOR <- gsub(' ','',SIM_Incon$CODMUNOCOR)
SIM_Incon <- SIM_Incon %>%
  rename(cod_mun = CODMUNOCOR ) %>%
 left_join(aux_muni2 ,by='cod_mun')
SIM Incon[,c('muni id','uf id')] <- NULL</pre>
SIM_Incon <- SIM_Incon |>
  mutate(uf_id = stringr::str_sub(cod_mun,1,2))
SIM_Incon[is.na(SIM_Incon$uf_sigla) == T, 'uf_sigla'] <-
  SIM_Incon[is.na(SIM_Incon$uf_sigla)==T,]|>
  left_join(unique(aux_muni2[,c('uf_id','uf_sigla')]),by = 'uf_id') |>
  dplyr::select(uf_sigla.y)
SIM_Incon[is.na(SIM_Incon$muni_nm_clean)==T, 'muni_nm_clean'] <- 'Não informado'
SIM_Incon$CODMUNNASC <- SIM_Incon$muni_nm_clean</pre>
SIM Incon$ESTADO <- SIM Incon$uf sigla
SIM_Incon[,c('cod_mun','uf_id','uf_sigla','muni_nm_clean')] <- NULL</pre>
SIM_Incon <- SIM_Incon[!(SIM_Incon$VARIAVEL %in% SIM_Incon),]
vars_incon_sim<- unique(SIM_Incon$VARIAVEL)</pre>
######### REGRAS
df_aux <- regras_sim_incon |> as.data.frame() |> t() |> as.data.frame()
df_aux<- cbind(row.names(df_aux),df_aux)</pre>
df_aux |> row.names() <- NULL</pre>
df_aux$`row.names(df_aux)` <- df_aux$`row.names(df_aux)` |>
  gsub(pattern = '_', replacement = ' ')
colnames(df_aux) <- c('Variável','Regra')</pre>
regras_sim_incon <- df_aux</pre>
usethis::use_data(SIM_Incon, overwrite = TRUE)
usethis::use_data(vars_incon_sim, overwrite = TRUE)
regras sim implau$Indicador <- 'Implausibilidade'
regras_sim_incom$Indicador <- 'Incompletude'</pre>
regras_sim_incon$Indicador <- 'Inconsistência'
for(i in seq_along(SIM_dic$`Codigo SIM`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sim_implau)){
   regras_sim_implau[,j] <- gsub(SIM_dic$`Codigo SIM`[i],</pre>
                                  SIM_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                             regras_sim_implau[,j])
 }
regras_sim_implau <-
```

```
regras_sim_implau[regras_sim_implau$Variável %in% vars_implau_sim,]
for(i in seq_along(SIM_dic$`Codigo SIM`)) {
  for(j in 1:ncol(regras_sim_incom)){
    regras_sim_incom[, j] <- gsub(SIM_dic$`Codigo SIM`[i],</pre>
                                   SIM_dic$`Codigo Qualidados`[i],
                                  regras_sim_incom[,j])
  }
}
regras_sim_incom <-
  regras_sim_incom[regras_sim_incom$Variavel %in% vars_incom_sim,]
regras_sim <- rbind(regras_sim_implau,regras_sim_incom,regras_sim_incon)</pre>
usethis::use_data(regras_sim, overwrite = TRUE)
SIM dic<-
  SIM_dic[SIM_dic$`Codigo Qualidados` %in% c(vars_implau_sim,
                                              vars_incom_sim, vars_incon_sim),
          ٦
usethis::use_data(SIM_dic,overwrite = T)
```

Análise

Devido à disponibilidade das variáveis no banco de dados, é possível apresentar apenas o número máximo de observações para cada nível de Incompletude, Implausibilidade e Inconsistência. Além disso, será fornecida a frequência dos indicadores para cada variável presente no conjunto de dados.

Incompletude

VARIAVEL	Nulos	Ignorados	Porcentagem Incompletude	Total
ACIDENTE TRAB	0	802	1.16%	69048
ASSIST MEDICA	0	2453	3.55%	69048
BAIRRO	0	0	0%	69048
CAUSA BASICA	0	0	0%	69048
CAUSA CID 10	0	0	0%	69048
CAUSA EXT MAT	0	0	0%	69048
CAUSA SCB	0	0	0%	69048
CID ATESTADO	0	0	0%	69048
CID LINHA A	0	0	0%	69048
CID LINHA B	0	0	0%	69048
CID LINHA C	0	0	0%	69048
CID LINHA D	0	0	0%	69048
CID LINHA II	0	0	0%	69048
CIRURGIA	0	1931	2.8%	69048
CODIFICADO	0	0	0%	69048
CRM	0	0	0%	69048
DIF OBITO RECEB	0	0	0%	69048
DT ATESTADO	0	0	0%	69048
DT CADASTRO	0	0	0%	69048
DT INVESTIG	0	0	0%	69048
DT NASC	0	0	0%	69048
DT OBITO	0	0	0%	69048
DT RECEBI CENTRAL	0	0	0%	69048
DT RECEBI ORIGINAL	0	0	0%	69048
ESCOLARIDADE	0	1441	2.09%	69048
ESCOLARIDADE 2010	0	0	0%	69048
ESCOL 2010 AGR	0	1700	2.46%	69048
ESCOL MAE	0	49	0.07%	69048
ESCOL MAE 2010	0	0	0%	69048
ESCOL MAE 2010 AGR	0	31	0.04%	69048
ESTABELECIMENTO	0	0	0%	69048
EST CIVIL	0	2290	3.32%	69048
EXAM COMPLEM	0	2300	3.33%	69048
FONTE_INF	0	778	1.13%	69048
FONTE_INV	0	37	0.05%	69048
HORA_OBITO	0	0	0%	69048
IDADE	0	0	0%	69048
IDADE_MAE	0	0	0%	69048
LOCAL_OBITO	0	0	0%	69048
MEDICO_ATEST	0	0	0%	69048
MORTE_GRAV	0	415	0.6%	69048
MORTE_PARTO	0	35	0.05%	69048
MORTE_PUERP	0	0	0%	69048
MUNICIPIO_NATU	0	0	0%	69048
MUNICIPIO_RES	0	0	0%	69048
MUNICIPIO_SVO_IML	0	0	0%	69048
NATURALIDADE	0	0	0%	69048
NECROPSIA	0	1783	2.58%	69048
NUMERO_LOTE	0	0	0%	69048
NUM_DECL_NASC	0	0	0%	69048
NUM_FILH_MORT	0	394	0.57%	69048
NUM_FILH_VIVOS	0	90	0.13%	69048
OBITO_INV	0	0	0%	69048
OCUP_CBO2002	0	0	98%	69048
OCUP_MAE	0	0	0%	69048
PESO_NASC	0	0	0%	69048
RACA	0	0	0%	69048
CDM CDCD	0		004	000.40

Implausibilidades

ACIDENTE_TRAB 3 0% 69048 ASSIST_MEDICA 0 0% 69048 CIRURGIA 1 0% 69048 ESCOLARIDADE 48504 70.25% 69048 ESCOL_2010_AGR 511 0.74% 69048 ESCOL_MAE 187 0.27% 69048 ESCOL_MAE_2010_AGR 26 0.04% 69048 EST_CIVIL 0 0% 69048 EXAM_COMPLEM 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SENE_MAE	VARIAVEL	Implausiveis	Porcentagem Implausibilidade	Total
CIRURGIA 1 0% 69048 ESCOLARIDADE 48504 70.25% 69048 ESCOL_2010_AGR 511 0.74% 69048 ESCOL_MAE 187 0.27% 69048 ESCOL_MAE_2010_AGR 26 0.04% 69048 EST_CIVIL 0 0% 69048 EXAM_COMPLEM 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEN_GESTACAO	ACIDENTE_TRAB	3		69048
ESCOLARIDADE 48504 70.25% 69048 ESCOL_2010_AGR 511 0.74% 69048 ESCOL_MAE 187 0.27% 69048 ESCOL_MAE_2010_AGR 26 0.04% 69048 EST_CIVIL 0 0% 69048 EXAM_COMPLEM 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ	ASSIST_MEDICA	0		69048
ESCOL_2010_AGR 511 0.74% 69048 ESCOL_MAE 187 0.27% 69048 ESCOL_MAE_2010_AGR 26 0.04% 69048 EST_CIVIL 0 0% 69048 EXAM_COMPLEM 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEN_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_OBITO <	CIRURGIA	1	0%	69048
ESCOL_MAE 187 0.27% 69048 ESCOL_MAE_2010_AGR 26 0.04% 69048 EST_CIVIL 0 0% 69048 EXAM_COMPLEM 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 RACA 0 0% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_DABTO 0	ESCOLARIDADE	48504	70.25%	69048
ESCOL_MAE_2010_AGR 26 0.04% 69048 EST_CIVIL 0 0% 69048 EXAM_COMPLEM 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_DITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO	ESCOL_2010_AGR	511	0.74%	69048
EST_CIVIL 0 0% 69048 EXAM_COMPLEM 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEN_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1<	ESCOL_MAE	187	0.27%	69048
EXAM_COMPLEM 1 0% 69048 FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEN_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_DARTO 1 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	ESCOL_MAE_2010_AGR	26	0.04%	69048
FONTE_INF 1 0% 69048 FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEXO 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	EST_CIVIL	0	0%	69048
FONTE_INV 374 0.54% 69048 LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SEXD 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_DARTO 1 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	EXAM_COMPLEM	1	0%	69048
LOCAL_OBITO 13 0.02% 69048 MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	FONTE_INF	1	0%	69048
MEDICO_ATEST 1 0% 69048 MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	FONTE_INV	374	0.54%	69048
MORTE_GRAV 0 0% 69048 MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	LOCAL_OBITO	13	0.02%	69048
MORTE_PARTO 0 0% 69048 MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	MEDICO_ATEST	1	0%	69048
MORTE_PUERP 1324 1.92% 69048 NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	MORTE_GRAV	0	0%	69048
NECROPSIA 1 0% 69048 OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	MORTE_PARTO	0	0%	69048
OBITO_INV 38007 55.04% 69048 RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	MORTE_PUERP	1324	1.92%	69048
RACA 0 0% 69048 SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	NECROPSIA	1	0%	69048
SEM_GESTACAO 7 0.01% 69048 SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	OBITO_INV	38007	55.04%	69048
SERIE_MAE 0 0% 69048 SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	RACA	0	0%	69048
SEXO 0 0% 69048 TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	SEM_GESTACAO	7	0.01%	69048
TIPO_GRAVIDEZ 1 0% 69048 TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	SERIE_MAE	0		69048
TIPO_MORTE_GRAV 0 0% 69048 TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	SEXO	0	0%	69048
TIPO_OBITO 0 0% 69048 TIPO_PARTO 1 0% 69048	TIPO_GRAVIDEZ	1		69048
TIPO_PARTO 1 0% 69048	TIPO_MORTE_GRAV	0	0%	69048
	TIPO_OBITO	0		69048
TP_ACIDENTE 4 0.01% 69048	TIPO_PARTO	1	0%	69048
	TP_ACIDENTE	4	0.01%	69048

Inconsistência

```
gsub(pattern = '_INCONSISTENTES', replacement = '')
kable(df)
```

VARIAVEL	Inconsistências	Porcentagem Inconsistências	Total
DTOBITO e DTNASC	0	0%	69048
FONTE E LOCOCOR	55006	79.66%	69048
OBITO PUERPERIO GRAVIDEZ	999	1.45%	69048
OBITOGRAV e OBITOPUERP	24994	36.2%	69048
OBITOPUERP e OBITOGRAV	31703	45.91%	69048
SEXO e OBITO	0	0%	69048