

# Mi Análisis

Olivia Marcos

Irene Canales

Samuel Melián

2025-11-24

## Sección 1

### Subsección 1.1

Esto es un código de ejemplo hecho con ctrl+alt+i

```
# URL para descargar el archivo directamente
url_correcta <- "https://raw.githubusercontent.com/URJCDSLab/LaboratoriosRInferenciaEstadist

# Descargar el archivo (asegúrate de que la carpeta "datos" exista)
download.file(url = url_correcta,
              destfile = "../datos/lab.xlsx",
              mode = "wb") # El modo "wb" es importante para archivos binarios como .xlsx

lab <- readxl::read_excel("../datos/lab.xlsx")
head(lab)
```

# A tibble: 6 x 12

	fecha <dtm>	codigo <dbl>	est <dbl>	mg <dbl>	sal <dbl>	ph <dbl>	ebacteria <chr>	analista <chr>	tipo <chr>
1	2013-11-01 00:00:00	1	33.5	14	NA	6.64	<10	analista_9	C
2	2013-11-01 00:00:00	2	31.0	13	NA	6.65	<10	analista_9	C
3	2013-11-01 00:00:00	3	31.4	13	1.2	6.66	<10	analista_9	C
4	2013-11-01 00:00:00	4	31	13	NA	6.6	<10	analista_9	C
5	2013-11-01 00:00:00	5	31.5	13.5	NA	6.6	<10	analista_9	C
6	2013-11-01 00:00:00	6	30.5	12.5	NA	6.63	<10	analista_9	C

# i 3 more variables: bacteriex <dbl>, imperfecciones <dbl>, origen <chr>