

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

AMC072403224473

PACIENTE:

Nº PACIENTE: AMC072403224473

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: SANGRE

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	5,797	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal	4,448	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	14,771	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	7,128	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	15,344	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	36,335	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	9,931	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	15,424	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,361	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	1,023	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	19,999	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	5,960	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	2,327	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	3,288	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	15,402	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	11,664	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	5,955	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,361	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,001	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,671	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	5,797	20 - 50
Microbiota productora de GABA	21,767	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal	0,882	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	2,032	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	3,205	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,000	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 5,797*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,305	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,278	0,20 - 1,30	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,758	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,582	0,70 - 2,70	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,494	1,00 - 3,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,445	0,20 - 1,40	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,397	0,20 - 1,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,353	5,00 - 15,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,295	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,242	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,194	1,00 - 10,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,181	0,00 - 0,50	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,168	0,00 - 1,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,128	0,20 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,071	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,066	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,031	0,10 - 0,70	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,026	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,026	0,10 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,018	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,018	0,50 - 2,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,009	0,10 - 1,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,004	0,00 - 0,10	posible
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 4,448

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	2,394	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,054	0,50 - 4,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 14,771

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	5,400	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,161	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	2,451	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,054	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,890	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,591	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,225	0,10 - 0,50	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 7,128

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,054	0,50 - 4,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	1,790	0,50 - 1,00	neutral
Blautia obeum	Bacillota	1,679	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,679	0,30 - 2,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,890	0,01 - 0,50	neutral
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,789	0,10 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,295	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,242	0,10 - 5,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,242	0,08 - 2,45	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,154	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,093	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,026	0,00 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,018	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,013	0,01 - 0,10	posible
Streptomyces	Actinomycetota	0,009	0,50 - 1,00	neutral
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,004	0,10 - 5,00	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 15,344

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	2,834	1,00 - 5,00	confiable
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,834	1,00 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,679	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,679	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	1,098	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	1,098	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,789	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,582	0,70 - 2,70	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,419	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,397	0,20 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,361	0,10 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,295	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,242	0,10 - 5,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,242	0,08 - 2,45	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,238	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,225	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,154	0,10 - 0,50	neutral
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,150	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,026	0,00 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,018	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,018	0,50 - 2,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,018	0,01 - 0,50	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,018	0,06 - 0,10	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,013	0,01 - 0,10	posible
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 36,335

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	5,704	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	5,400	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,161	0,50 - 5,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,834	1,00 - 5,00	confiable
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,834	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,054	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,679	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,679	0,30 - 2,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	1,120	0,00 - 0,01	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	1,098	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	1,098	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,974	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,890	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,758	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,591	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,591	0,25 - 2,80	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,511	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,511	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,498	0,05 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,419	0,07 - 0,80	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,406	0,50 - 2,50	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,331	0,10 - 2,80	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,295	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,225	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,150	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,062	0,02 - 0,20	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,053	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,018	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,018	0,50 - 2,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,018	0,01 - 0,50	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,009	1,00 - 8,00	neutral
Wujia chipingensis	Bacillota	0,009	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,009	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	posible
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,004	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,004	0,08 - 0,30	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 9,931

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	5,400	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,974	0,18 - 0,80	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,890	0,01 - 0,50	neutral
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,758	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,591	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,498	0,05 - 0,50	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,445	0,20 - 1,40	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,361	0,10 - 0,50	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,313	0,00 - 0,01	neutral
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,309	0,00 - 0,50	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,238	0,00 - 0,07	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,154	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,062	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Clostridium	Bacillota	0,035	0,20 - 1,00	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,031	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,022	0,00 - 0,50	neutral
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,013	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,013	0,01 - 0,10	posible
Streptomyces	Actinomycetota	0,009	0,50 - 1,00	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,004	0,08 - 0,30	posible

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 15,424

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	5,400	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	2,451	0,03 - 0,30	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,679	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,679	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,305	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,278	0,20 - 1,30	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,758	0,50 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,582	0,70 - 2,70	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,419	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,397	0,20 - 1,00	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,238	0,00 - 0,07	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,225	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,150	0,07 - 0,80	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,066	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,031	0,10 - 0,70	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,031	0,00 - 0,01	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,022	0,02 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,361

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,361	0,10 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 1,023

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Segatella copri	Bacteroidota	0,511	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,511	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,009	1,00 - 8,00	neutral
Hatheway	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	neutral
Hatheway histolytica	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 19,999

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	5,400	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,834	1,00 - 5,00	confiable
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,834	1,00 - 5,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	2,394	2,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,996	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,974	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,890	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,591	0,25 - 2,80	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,511	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,511	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,498	0,05 - 0,50	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,353	5,00 - 15,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,238	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,225	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,05	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,145	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,062	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,062	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,004	0,08 - 0,30	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 5,960

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	3,905	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,054	0,50 - 4,00	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 2,327

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,789	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,758	0,50 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,419	0,07 - 0,80	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,361	0,01 - 0,30	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 3,288

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,161	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,128	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 15,402

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	5,704	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,161	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	2,451	0,03 - 0,30	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,758	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,758	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,591	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,582	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,397	0,20 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,361	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,353	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,225	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,062	0,50 - 1,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,035	0,20 - 1,00	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,013	0,00 - 0,10	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,009	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 11,664

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,161	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,054	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	1,098	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,974	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,890	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,758	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,591	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,498	0,05 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,361	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,234	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,225	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,194	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,066	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,062	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,044	0,00 - 0,01	confiable
Cutibacterium acnes	Actinomycetota	0,035	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,004	0,10 - 0,60	posible
Citrobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,004	0,08 - 0,30	posible
Fusobacterium gonidiaformans	Fusobacteriota	0,004	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 5,955

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	2,451	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,305	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,278	0,20 - 1,30	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	1,098	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	1,098	0,30 - 2,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,035	0,20 - 1,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,031	0,10 - 0,70	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,361

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,361	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,022	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,009	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,671

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,305	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,278	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,361	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,031	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,009	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 21,767

Especies / Subespecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	2	Bacteroidota	5,704	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	3	Bacteroidota	5,400	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	3	Bacteroidota	3,161	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1	Bacteroidota	2,054	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	0,974	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum		Actinomycetota	0,789	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	1	Bacteroidota	0,758	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens		Bacteroidota	0,591	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	3	Bacteroidota	0,591	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,498	0,05 - 0,50	confiable
Dorea longicatena		Bacillota	0,260	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides distasonis	3	Bacteroidota	0,238	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides fragilis	1	Bacteroidota	0,225	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060		Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Streptococcus thermophilus		Bacillota	0,093	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae		Bacteroidota	0,062	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	0,004	0,08 - 0,30	posible

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,022	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,009	0,50 - 1,00	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,882

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,789	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,093	0,01 - 0,50	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,004	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 2,032

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	1,120	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,361	0,10 - 0,50	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,309	0,00 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,242	0,08 - 2,45	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 3,205

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,974	0,18 - 0,80	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,666	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,498	0,05 - 0,50	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,331	0,10 - 2,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,313	0,00 - 0,01	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,242	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,101	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,062	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,013	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,013	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,004	0,08 - 0,30	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) :

Porcentaje relativo de archaea:

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
	Euryarchaeota		-	

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403194319

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403194319

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	7,246	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal	8,895	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	14,816	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	16,219	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	13,012	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	37,095	20 - 55
Microbiota con función proteolítica*	4,887	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	6,285	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,818	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,015	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	15,814	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	11,516	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	2,376	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	4,320	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	18,361	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	23,333	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,287	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,683	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,019	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,002	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,257	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	7,246	20 - 50
Microbiota productora de GABA*	31,554	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,002	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal	3,508	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	2,701	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	0,853	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,016	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 7,246*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,320	0,10 - 0,50	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,834	0,20 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,771	0,01 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,608	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,575	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,551	0,20 - 1,30	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,551	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,359	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,359	0,50 - 2,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,345	0,20 - 1,40	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,280	5,00 - 15,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,226	1,00 - 3,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,171	0,70 - 2,70	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,153	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,143	0,20 - 1,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,127	0,00 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,121	0,10 - 5,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,120	0,00 - 0,50	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,085	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,075	0,00 - 0,10	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,073	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,073	1,00 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,041	0,50 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,024	0,10 - 0,70	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,020	0,10 - 5,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,020	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,018	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,016	1,00 - 10,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,012	0,25 - 1,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,011	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,009	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,006	0,50 - 5,00	confiable
Lactacaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,003	0,01 - 1,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 8,895

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	8,791	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,103	2,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 14,816

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	8,791	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,485	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,430	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,652	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,399	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,043	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,016	0,25 - 2,80	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 16,219

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	8,791	0,50 - 4,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	5,043	0,01 - 0,50	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	3,496	0,01 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,320	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,312	0,01 - 0,04	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,771	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,333	0,10 - 0,50	neutral
Blautia obeum	Bacillota	0,111	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,111	0,30 - 2,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,109	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,075	0,00 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,041	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,026	0,10 - 5,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,025	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,022	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,020	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,018	1,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,018	0,50 - 1,00	neutral
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,014	0,01 - 0,74	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,008	0,10 - 1,00	neutral
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,006	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,005	0,10 - 0,50	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Lactocaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,003	0,01 - 1,00	confiable
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,002	0,08 - 2,45	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	neutral
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus hirae	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Weissella hellenica	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Lactobacillus acetotolerans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible

Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 13,012

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	5,204	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	5,204	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,479	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,430	0,10 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,320	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,312	0,01 - 0,04	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,682	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,359	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,359	0,50 - 2,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,333	0,10 - 0,50	neutral
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,171	0,70 - 2,70	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,150	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,150	0,30 - 2,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,143	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,128	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,125	0,01 - 0,30	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,111	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,111	0,30 - 2,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,109	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,075	0,00 - 0,10	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,060	0,07 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,031	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,025	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,020	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,007	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,006	0,07 - 0,80	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,006	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,005	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Lactaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,003	0,01 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,002	0,08 - 2,45	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus hirae	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 37,095

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	8,791	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	8,037	0,50 - 5,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	5,204	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	5,204	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,485	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	2,239	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,430	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	1,326	0,00 - 0,01	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,320	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,920	0,50 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,771	0,01 - 0,10	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,687	0,10 - 1,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,652	0,50 - 4,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,608	0,00 - 0,01	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,359	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,359	0,50 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,300	0,18 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,150	0,30 - 2,00	neutral
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,128	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,125	0,01 - 0,30	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,111	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,111	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,106	0,25 - 2,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,060	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,049	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,043	0,50 - 4,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,031	0,07 - 0,80	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,026	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,026	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,026	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,022	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,018	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,016	0,25 - 2,80	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,015	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,015	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,014	0,01 - 0,74	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,012	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,010	0,10 - 2,80	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,006	0,50 - 2,50	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,006	0,50 - 5,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,005	0,01 - 0,50	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,005	1,00 - 8,00	neutral
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable

Lactacaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,003	0,01 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,002	0,08 - 0,30	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,002	0,10 - 5,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,001	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	posible
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 4,887*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Streptococcus	Bacillota	5,043	0,01 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,312	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,920	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,682	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	0,652	0,50 - 4,00	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,345	0,20 - 1,40	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,333	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,300	0,18 - 0,80	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,289	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	0,118	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,109	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,106	0,25 - 2,00	confiable
Enterocloster boltea	[p] Bacillota	0,104	0,00 - 0,07	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,079	0,00 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,040	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,027	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,025	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,022	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium	Bacillota	0,017	0,20 - 1,00	neutral
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,016	0,25 - 2,80	confiable
Parabacteroides sp. CT06	Bacteroidota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,003	0,00 - 0,01	neutral
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter	Pseudomonadota	0,003	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,002	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,001	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Selenomonas ruminantium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Olsenella uli	[F][p] Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

Citrobacter freundii	[F][p]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Megasphaera stantonii		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Veillonella parvula	[f][p]	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium cochlearium	[F][p]	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Duodenibacillus massiliensis		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	posible
Bacillus pseudomycooides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 6,285

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,430	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,312	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,920	0,50 - 1,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,652	0,50 - 4,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,575	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,551	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,399	0,03 - 0,30	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,171	0,70 - 2,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,157	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,157	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,143	0,20 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,125	0,01 - 0,30	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,111	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,111	0,30 - 2,00	confiable
Enterocloster boltea	Bacillota	0,104	0,00 - 0,07	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,060	0,07 - 0,80	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,040	0,00 - 0,01	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,031	0,07 - 0,80	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,024	0,10 - 0,70	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,011	0,02 - 1,00	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,005	0,01 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,818

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,682	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,118	0,00 - 0,01	confiable
Lentilactobacillus parabuchneri	Bacillota	0,014	0,01 - 0,05	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,003	0,10 - 0,50	neutral
Lactococcus lactis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Latilactobacillus sakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Raoultella planticola	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,015

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,210	0,00 - 0,10	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,005	1,00 - 8,00	neutral
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,001	0,01 - 1,00	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Hathewayia	Bacillota	0,000	0,00 - 1,00	neutral
Hathewayia histolytica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 15,814

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	5,204	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	5,204	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	5,082	0,30 - 2,70	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,479	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,430	0,10 - 0,50	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,896	0,10 - 1,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,652	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,300	0,18 - 0,80	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,280	5,00 - 15,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,128	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,106	0,25 - 2,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,103	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,043	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,024	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,016	0,25 - 2,80	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,015	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,015	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,002	0,08 - 0,30	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Propionibacterium freudenreichii subsp. sherr	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,001	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Succinivibrio dextrinosolvens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 11,516*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	8,791	0,50 - 4,00	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	2,721	0,00 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,002	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,002	0,01 - 1,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 2,376

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,312	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,920	0,50 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,109	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,031	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 4,320

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,485	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,834	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 18,361

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	8,037	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,485	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	2,239	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,430	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,920	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,682	0,10 - 0,50	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,551	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,399	0,03 - 0,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,280	5,00 - 15,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,171	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,143	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,024	0,50 - 1,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,017	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 23,333

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	8,791	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	5,082	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	3,485	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	2,239	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,430	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,920	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,682	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,300	0,18 - 0,80	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,289	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes communis	Bacteroidota	0,106	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,084	0,00 - 0,01	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,077	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,043	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,022	0,20 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,018	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,016	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,002	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Cutibacterium acnes	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,001	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Oxalobacter formigenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,287

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,575	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,551	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,399	0,03 - 0,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,157	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,157	0,00 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,150	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,150	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,024	0,10 - 0,70	confiable
Clostridium	Bacillota	0,017	0,20 - 1,00	neutral
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,006	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,683

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,682	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,019

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,210	0,00 - 0,10	neutral
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,002

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,257

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,682	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,575	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,551	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,024	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 31,554*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	8,791	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	8,037	0,50 - 5,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	3,496	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	3,485	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	2,239	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	1,479	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	1,430	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,920	0,50 - 1,00	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,657	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	0,652	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,300	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,024	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,016	0,25 - 2,80	confiable
Lactocaseibacillus paracasei	Bacillota	0,008	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,002	0,08 - 0,30	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Lactobacillus delbrueckii	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,001	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Levilactobacillus brevis	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,002*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 3,508

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Streptococcus thermophilus	Bacillota	3,496	0,01 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Lactobacillus helveticus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 2,701

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	1,326	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,682	0,10 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,608	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,079	0,00 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,002	0,08 - 2,45	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 0,853

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,502	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,300	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,024	0,50 - 1,50	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,010	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,003	0,00 - 0,01	neutral
Treponema	Spirochaetota	0,003	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,002	0,08 - 0,30	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,002	0,08 - 2,45	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,001	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio sp. G11	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Oleidesulfovibrio alaskensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfomicrobium orale	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfosporosinus meridiei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,02

Porcentaje relativo de archaea: 3,67

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,667	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina sp. MTP4	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,07	posible
Methanocorpusculum labreanum Z	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,07	confiable
Methanosphaera stadtmanae	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,07	confiable
Methanosphaera sp. BMS	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,333	0,00 - 0,01	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403194408

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403194408

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	5,804	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,033	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	10,210	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	10,965	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora*	36,111	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas*	17,296	20 - 55
Microbiota con función proteolítica*	6,690	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares*	28,740	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)*	2,797	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,153	0 - 6
Microbiota productora de Succinato*	7,565	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,082	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	8,370	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	3,340	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	13,742	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	3,171	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina*	23,320	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)*	2,787	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)*	2,469	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	2,857	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	5,804	20 - 50
Microbiota productora de GABA*	2,727	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,207	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	3,084	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	1,223	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,049	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 5,804*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Flavonifractor plautii	Bacillota	3,308	0,20 - 1,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,851	1,00 - 3,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,685	0,20 - 1,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,267	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,267	1,00 - 5,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,070	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,067	0,20 - 1,30	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,038	0,20 - 1,40	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,028	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,027	1,00 - 10,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,025	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,025	0,50 - 2,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,021	5,00 - 15,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,021	1,00 - 5,00	neutral
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,021	1,00 - 5,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,019	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,019	0,70 - 2,70	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,013	0,00 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,011	0,50 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,009	0,50 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,008	0,10 - 1,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,008	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,006	0,10 - 5,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,002	0,10 - 0,70	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,000	0,25 - 1,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,033*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,022	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,009	2,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,002	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 10,210

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	10,064	0,03 - 0,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,064	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,032	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,022	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,015	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Mucispirillum schaedleri	Deferribacterota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 10,965

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	8,302	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	8,302	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	2,978	0,50 - 1,00	neutral
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	2,177	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,177	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,116	0,01 - 0,50	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,065	0,10 - 0,50	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,062	0,08 - 2,45	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,040	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,022	0,50 - 4,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,022	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,013	0,00 - 0,05	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,012	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,011	0,50 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,009	0,50 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,006	0,10 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,006	0,01 - 0,04	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,002	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,74	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Lactobacillus johnsonii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible
Leuconostoc	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus dafuensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 36,111*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia hansenii	Bacillota	13,169	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	13,169	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	8,302	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	8,302	0,30 - 2,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	8,149	0,07 - 0,80	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,787	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	2,177	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,685	0,20 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,177	0,10 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,112	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,112	1,00 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,065	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,065	0,10 - 0,50	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,062	0,08 - 2,45	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,040	0,01 - 0,50	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,031	0,07 - 0,80	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,025	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,025	0,50 - 2,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,022	0,01 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,019	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,015	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,013	0,00 - 0,05	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,012	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,011	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,007	0,50 - 2,30	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,006	0,10 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,006	0,01 - 0,04	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,002	0,02 - 0,70	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 17,296*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia hansenii	Bacillota	13,169	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum	Bacillota	8,302	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	8,302	0,30 - 2,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	8,149	0,07 - 0,80	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,112	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,112	1,00 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,065	0,07 - 0,80	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,064	0,50 - 4,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,055	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,040	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,032	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,026	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,025	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,025	0,50 - 2,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,022	0,50 - 4,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,020	0,50 - 2,50	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,019	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,015	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,015	0,50 - 4,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,011	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,011	0,50 - 1,00	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,011	0,00 - 2,00	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,009	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,005	0,01 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,003	0,10 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,002	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,001	1,00 - 8,00	neutral
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,74	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	neutral
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,000	0,20 - 1,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 6,690*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	2,787	0,10 - 0,50	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	2,498	0,00 - 0,01	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,813	0,00 - 0,07	confiable
Klebsiella oxytoca	[F] Pseudomonadota	0,141	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,116	0,01 - 0,50	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,090	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,066	0,00 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,065	0,10 - 0,50	neutral
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	0,064	0,50 - 4,00	confiable
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,054	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,038	0,20 - 1,40	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,023	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,019	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium	Bacillota	0,018	0,20 - 1,00	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,012	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,011	0,50 - 1,00	confiable
Fusobacterium nucleatum	Fusobacteriota	0,010	0,00 - 0,01	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,006	0,01 - 0,04	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,004	0,00 - 0,01	neutral
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella michiganensis	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Enterobacter cloacae	[F] Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Citrobacter koseri	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Acidaminococcus fermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,04	neutral
Propionibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus dafuensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas sp. TMW 2.1634	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 28,740*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	10,064	0,03 - 0,30	confiable
Blautia obeum	Bacillota	8,302	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	8,302	0,30 - 2,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	8,149	0,07 - 0,80	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,813	0,00 - 0,07	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,685	0,20 - 1,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,194	0,02 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,090	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,070	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,067	0,20 - 1,30	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,065	0,07 - 0,80	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,064	0,50 - 4,00	confiable
Limosilactobacillus fermentum	Bacillota	0,041	0,06 - 0,10	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,019	0,70 - 2,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,011	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,006	0,01 - 0,04	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,005	0,01 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,002	0,10 - 0,70	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 2,797*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,787	0,10 - 0,50	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,019	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Hafnia paralvei	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Latilactobacillus sakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,153

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,299	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,141	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,001	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,001	0,01 - 1,00	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium scatologenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 7,565*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	7,187	0,10 - 1,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,112	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,112	1,00 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,064	0,50 - 4,00	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,054	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,021	5,00 - 15,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,015	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,015	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,009	2,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,007	0,50 - 2,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,005	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,003	0,30 - 2,70	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	neutral
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,082*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,059	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,022	0,50 - 4,00	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Dialister hominis	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 8,370

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia producta	Bacillota	8,149	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,177	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,013	0,00 - 0,05	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,012	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,011	0,50 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,006	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium animalis	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudolongum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 3,340

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Flavonifractor plautii	Bacillota	3,308	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,032	0,50 - 5,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 13,742

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	10,064	0,03 - 0,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,787	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,685	0,20 - 1,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,055	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,032	0,50 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,028	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,026	0,50 - 5,00	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,025	0,00 - 0,10	neutral
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,021	5,00 - 15,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,019	0,70 - 2,70	confiable
Clostridium	Bacillota	0,018	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,017	0,00 - 0,01	neutral
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,011	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,005	0,50 - 1,50	confiable
Escherichia coli ABU 83972	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 3,171

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	6,164	0,00 - 0,10	neutral
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,787	0,10 - 0,50	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,054	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium animalis	Fusobacteriota	0,054	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,032	0,50 - 5,00	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,031	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,027	1,00 - 10,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,026	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,022	0,50 - 4,00	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,018	0,00 - 0,02	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,015	0,50 - 4,00	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,015	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,011	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,003	0,30 - 2,70	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium ulcerans ATCC 49185	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,000	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,000	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Desulfitobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 23,320*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia hansenii	Bacillota	13,169	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	13,169	0,30 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	10,064	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,070	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,067	0,20 - 1,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,018	0,20 - 1,00	neutral
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,002	0,10 - 0,70	confiable
[Ruminococcus] gnavus ATCC 29149	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 2,787*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,787	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 2,469*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	6,164	0,00 - 0,10	neutral
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	2,390	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,299	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,054	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,018	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Providencia rettgeri	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Yokenella regensburgei	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas sp. TMW 2.1634	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus dafuensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 2,857

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,787	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,070	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,067	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,002	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 2,727*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	2,177	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,177	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	0,064	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	0,055	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,045	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	0,032	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,026	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,022	0,50 - 4,00	confiable
Lactococcus lactis subsp. paracasei	Bacillota	0,018	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,013	0,00 - 0,05	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,011	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,007	0,50 - 2,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,005	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium angulatum	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,002	0,02 - 0,70	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	neutral

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus dafuensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas sp. TMW 2.1634	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,207*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,177	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,013	0,00 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Lactobacillus helveticus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,50	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 3,084

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,787	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,141	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,066	0,00 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,062	0,08 - 2,45	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,011	0,00 - 2,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,223

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,959	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,405	0,00 - 0,01	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,062	0,08 - 2,45	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,054	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,048	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,031	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,023	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,018	0,00 - 0,02	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,006	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,005	0,50 - 1,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,004	0,00 - 0,01	neutral
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,000	0,18 - 0,80	confiable
Maridesulfovibrio salexigens	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Oleidesulfovibrio alaskensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfurivibrio alkaliphilus	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Desulfomicrobium baculatum	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfatibacillum aliphaticivorans	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfosudis oleivorans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,05

Porcentaje relativo de archaea: 0,76

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,303	0,00 - 0,01	confiable
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,152	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	0,152	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,152	0,00 - 0,07	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente .

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal , y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403194420

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403194420

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	11,288	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal	3,285	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	11,163	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	2,794	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	10,628	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	24,624	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	18,416	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	14,378	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,644	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,085	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	30,697	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	3,356	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	1,095	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	1,346	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	6,192	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	10,787	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,990	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,626	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,001	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	2,161	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	11,288	20 - 50
Microbiota productora de GABA	18,836	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,002	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,025	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	1,943	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	6,070	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,067	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 11,288*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	1,786	0,00 - 0,50	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	1,644	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,545	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,516	0,20 - 1,30	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,969	1,00 - 3,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,863	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,723	0,20 - 1,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,608	0,20 - 1,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,538	0,20 - 1,40	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,481	0,00 - 0,10	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,326	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,323	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,236	5,00 - 15,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,200	0,70 - 2,70	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,180	0,00 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,178	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,178	0,50 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,142	0,10 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,133	0,50 - 1,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,117	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,051	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,029	0,25 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,024	1,00 - 5,00	neutral
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,024	1,00 - 5,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,019	0,10 - 0,70	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,019	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,019	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,019	0,50 - 5,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,013	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,013	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,012	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,010	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,006	1,00 - 10,00	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,005	0,00 - 0,50	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,004	0,00 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 3,285

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	2,948	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,336	0,50 - 4,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,002	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 11,163

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	8,369	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,481	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,738	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,336	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,114	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,031	0,50 - 4,00	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 2,794*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,590	0,08 - 2,45	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,561	0,01 - 0,04	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,378	0,01 - 0,74	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,336	0,50 - 4,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,289	0,01 - 0,50	neutral
Blautia obeum	Bacillota	0,261	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,261	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,142	0,10 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,133	0,50 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,084	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,083	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,066	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,061	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,051	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,019	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,018	0,50 - 1,00	neutral
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,016	0,01 - 0,50	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,015	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,010	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,006	0,10 - 5,00	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,006	0,10 - 1,00	neutral
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Lactobacillus iners	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus badius	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Enterococcus hirae	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Shouchella clausii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 10,628

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	4,867	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	4,867	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,657	0,50 - 2,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,723	0,20 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,626	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,590	0,08 - 2,45	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,561	0,01 - 0,04	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,261	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,261	0,30 - 2,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,212	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,200	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,178	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,178	0,50 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,142	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,084	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,083	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,081	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,066	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,061	0,01 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,019	0,50 - 5,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,016	0,01 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,014	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,010	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,009	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,007	0,06 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,007	0,01 - 1,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,002	0,02 - 0,70	confiable
Lactobacillus iners	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus hirae	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 24,624

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	8,369	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	4,867	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	4,867	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,481	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,150	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	1,085	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,738	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,563	0,18 - 0,80	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,466	0,10 - 1,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,459	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,432	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,378	0,01 - 0,74	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,336	0,50 - 4,00	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,323	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,290	0,08 - 0,30	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,261	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,261	0,30 - 2,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,229	0,00 - 0,01	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,212	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,181	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,178	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,178	0,50 - 2,00	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,176	1,00 - 8,00	neutral
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,142	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,120	0,02 - 0,20	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,107	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,107	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,100	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,100	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,100	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,083	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,081	0,10 - 1,00	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,061	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,051	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,039	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,031	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,030	0,05 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,019	0,50 - 5,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,016	0,01 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,015	0,01 - 0,10	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,014	0,00 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,014	0,07 - 0,80	confiable

Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,012	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,012	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,011	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,010	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,008	0,20 - 1,00	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,007	0,01 - 1,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,006	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,005	0,50 - 2,50	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,005	0,10 - 2,80	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,30	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 18,416

Especies / Subspecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p]	Bacteroidota	8,369	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p]	Bacteroidota	1,481	0,25 - 2,80	confiable
Enterocloster bolteae	[p]	Bacillota	1,427	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	1,150	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis		Bacteroidota	1,085	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	[p]	Pseudomonadota	0,626	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	0,563	0,18 - 0,80	confiable
Eggerthella lenta		Actinomycetota	0,561	0,01 - 0,04	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p]	Bacillota	0,538	0,20 - 1,40	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242		Bacteroidota	0,290	0,08 - 0,30	confiable
Streptococcus		Bacillota	0,289	0,01 - 0,50	neutral
Bacteroides ovatus	[f][p]	Bacteroidota	0,181	0,50 - 1,00	confiable
[Clostridium] scindens		Bacillota	0,166	0,00 - 0,50	confiable
[Clostridium] innocuum		Bacillota	0,147	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica		Pseudomonadota	0,134	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624		Bacteroidota	0,120	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,100	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,100	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,100	0,01 - 0,30	confiable
Enterococcus		Bacillota	0,066	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium		Bacillota	0,061	0,01 - 0,10	confiable
Clostridioides difficile	[p]	Bacillota	0,058	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium		Bacillota	0,042	0,20 - 1,00	neutral
Campylobacter		Campylobacterota	0,039	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis		Bacteroidota	0,039	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes dispar		Bacteroidota	0,030	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris		Bacteroidota	0,011	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti		Bacteroidota	0,010	0,02 - 0,20	confiable
Enterobacter		Pseudomonadota	0,004	0,10 - 0,50	neutral
Bacillus		Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus faecalis		Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p]	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas		Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,50	neutral
Parabacteroides sp. CT06		Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F]	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus		Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces		Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Petrimonas mucosa		Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Pseudomonas aeruginosa		Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Olsenella uli	[F][p]	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	[F][p]	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Duodenibacillus massiliensis		Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,30	confiable
Bacillus thuringiensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Selenomonas ruminantium		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus glycinifermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus badius		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter hormaechei		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium cochlearium	[F][p]	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Acidaminococcus fermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,04	neutral
Veillonella parvula	[f][p]	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Megasphaera stantonii		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus amyloliquefaciens		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Shouchella clausii		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis		Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium nucleatum		Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 14,378

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	8,369	0,50 - 4,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,545	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,516	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	1,427	0,00 - 0,07	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,723	0,20 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,561	0,01 - 0,04	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,282	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,282	0,00 - 0,10	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,261	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,261	0,30 - 2,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,231	0,02 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,212	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,200	0,70 - 2,70	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,181	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,114	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,058	0,00 - 0,01	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,021	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,019	0,10 - 0,70	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,014	0,00 - 0,01	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,014	0,07 - 0,80	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,012	0,01 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,644

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,626	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,014	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,004	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Limosilactobacillus vaginalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Oenococcus oeni	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Raoultella planticola	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,085

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Prevotella	Bacteroidota	0,176	1,00 - 8,00	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,026	0,01 - 1,00	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Hathewayia	Bacillota	0,000	0,00 - 1,00	neutral
Hathewayia histolytica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Serratia marcescens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Raoultella terrigena	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 30,697

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	8,369	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	4,867	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	4,867	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	3,729	0,30 - 2,70	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	2,948	2,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,657	0,50 - 2,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,526	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,481	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,150	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	1,085	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,721	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,563	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,290	0,08 - 0,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,236	5,00 - 15,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,120	0,02 - 0,20	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,107	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,107	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,100	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,100	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,100	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,081	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,039	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,031	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,030	0,05 - 0,50	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,011	0,18 - 0,80	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,010	0,01 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,010	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,010	0,02 - 0,20	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,007	0,01 - 1,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Succinivibrio dextrinosolvens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 3,356

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	2,983	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,336	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,037	0,01 - 1,50	neutral
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,037	0,01 - 1,50	confiable
Dialister hominis	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,095

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,561	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,181	0,50 - 1,00	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,166	0,01 - 0,30	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,061	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,045	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,033	0,01 - 0,10	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,026	0,00 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,014	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium animalis	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Lactococcus garvieae	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 1,346

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,738	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,608	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 6,192

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,526	0,50 - 1,50	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,863	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,738	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,723	0,20 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,626	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,459	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,432	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,236	5,00 - 15,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,200	0,70 - 2,70	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,181	0,50 - 1,00	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,135	0,00 - 0,10	neutral
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,114	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,042	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,013	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 10,787

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	3,729	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,150	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	1,085	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,738	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,626	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,563	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,432	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,336	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,290	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,181	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,120	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,100	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,045	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,041	1,00 - 2,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,039	0,10 - 0,80	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,031	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,030	0,05 - 0,50	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,013	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,011	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,010	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,010	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,008	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,006	1,00 - 10,00	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium ulcerans ATCC 49185	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Escherichia coli SE15	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,990

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,545	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,516	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,282	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,282	0,00 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,114	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,042	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,019	0,10 - 0,70	confiable
Desulfitobacterium dehalogenans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,626

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,626	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,001

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus badius	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Shouchella clausii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 2,161

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,545	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,516	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,626	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,019	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 18,836

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	8,369	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	1,657	0,50 - 2,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,526	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	1,481	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,150	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	0,738	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,563	0,18 - 0,80	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	0,459	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,432	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,336	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,290	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,181	0,50 - 1,00	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,142	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,100	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,100	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,100	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,039	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,010	0,01 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,002	0,02 - 0,70	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Bifidobacterium angulatum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Lactobacillus delbrueckii	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,002*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,50	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus badius	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Shouchella clausii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,025*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Christensenella minuta	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 1,943

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,626	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,590	0,08 - 2,45	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,323	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,229	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,166	0,00 - 0,50	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 6,070*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,526	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,150	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,053	0,18 - 0,80	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,590	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,563	0,18 - 0,80	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,472	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,290	0,08 - 0,30	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,134	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,120	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,100	0,05 - 0,50	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,039	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,039	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,011	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,010	0,01 - 0,05	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,006	0,00 - 0,01	neutral
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,005	0,10 - 2,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Pyramidobacter pisciolens	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium dehalogenans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulforamulus ruminis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Oleidesulfovibrio alaskensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Maridesulfovibrio salexigens	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfomicrobium baculatum	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfuromonas sp. DDH964	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfobulbus oralis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfurivibrio alkaliphilus	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,07

Porcentaje relativo de archaea: 7,42

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanosphaera stadtmanae	Euryarchaeota	6,635	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina sp. MTP4	Euryarchaeota	0,158	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,158	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,158	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,158	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,158	0,00 - 0,07	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403194423

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403194423

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	6,641	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal	3,076	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	9,171	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	7,098	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	8,208	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	42,129	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	9,023	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	6,435	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,592	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,002	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	13,934	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	3,096	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	2,096	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	1,199	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	13,858	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	13,586	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,404	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,558	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,002	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,211	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	6,641	20 - 50
Microbiota productora de GABA	18,956	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,000	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,174	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	2,012	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	4,022	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,070	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 6,641*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Flavonifractor plautii	Bacillota	1,152	0,20 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,771	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,654	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,649	0,20 - 1,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,638	5,00 - 15,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,514	0,20 - 1,40	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,469	0,00 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,370	0,50 - 5,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,247	0,10 - 0,50	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,192	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,192	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,181	0,01 - 0,10	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,131	0,50 - 5,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,126	0,01 - 0,10	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,123	0,10 - 0,50	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,117	1,00 - 3,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,090	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,080	0,00 - 0,10	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,077	0,00 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,073	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,062	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,062	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,059	0,20 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,054	0,10 - 1,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,048	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,047	0,10 - 1,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,043	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,024	1,00 - 10,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,022	1,00 - 5,00	neutral
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,022	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,019	0,10 - 5,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,017	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,016	0,02 - 0,20	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,013	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,004	0,50 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,001	0,25 - 1,00	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 3,076

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	3,070	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,006	2,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 9,171

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	4,940	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	3,070	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,629	0,03 - 0,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,345	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,101	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,047	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,040	0,25 - 2,80	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 7,098

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	3,070	0,50 - 4,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	3,058	0,01 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,000	0,01 - 0,04	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,844	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,844	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,666	0,10 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,370	0,50 - 5,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,276	0,08 - 2,45	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,247	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,181	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,141	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,090	0,10 - 5,00	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,074	0,50 - 1,00	neutral
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,054	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,053	0,01 - 0,50	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,033	0,10 - 1,00	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,032	0,10 - 0,50	neutral
Lactococcus lactis	Bacillota	0,026	0,01 - 0,05	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,019	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,016	0,02 - 0,20	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,013	0,00 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,013	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,009	0,50 - 1,00	neutral
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,007	0,01 - 0,74	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	neutral
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,004	0,50 - 1,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Leuconostoc mesenteroides	Bacillota	0,000	0,00 - 1,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Lactobacillus johnsonii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Weissella paramesenteroides	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible
Carnobacterium maltaromaticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Veillonella atypica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 8,208

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	3,774	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	3,774	1,00 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,000	0,01 - 0,04	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,844	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,844	0,30 - 2,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,558	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,370	0,50 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,325	0,07 - 0,80	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,276	0,08 - 2,45	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,247	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,101	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,091	0,50 - 2,30	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,090	0,10 - 5,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,073	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,073	0,30 - 2,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,073	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,062	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,062	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,059	0,20 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,058	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,054	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,053	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,032	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,019	0,01 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,013	0,00 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,013	0,01 - 0,50	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,006	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,005	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Leuconostoc mesenteroides	Bacillota	0,000	0,00 - 1,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 42,129

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	10,524	0,50 - 5,00	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	9,811	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	4,940	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	3,774	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	3,774	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	3,070	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,450	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,349	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,921	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,844	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,844	0,30 - 2,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,771	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,666	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,378	0,50 - 2,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,370	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,360	0,08 - 0,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,345	0,50 - 4,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,325	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,249	0,25 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,247	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,236	0,00 - 0,01	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,226	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,181	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,173	0,50 - 5,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,163	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,163	0,00 - 0,10	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,105	1,00 - 8,00	neutral
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,101	0,10 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,073	0,30 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,062	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,062	0,50 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,059	0,18 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,058	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,047	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,040	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,021	0,20 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,017	0,10 - 1,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,016	0,01 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,013	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,012	0,00 - 0,10	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,007	0,01 - 0,74	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,003	0,10 - 2,80	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,003	0,10 - 1,00	confiable

Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible
Veillonella atypica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 9,023

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Streptococcus	Bacillota	3,058	0,01 - 0,50	neutral
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,450	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,349	0,08 - 0,30	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	1,256	0,00 - 0,01	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,000	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,921	0,50 - 1,00	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,629	0,00 - 0,07	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,558	0,10 - 0,50	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,514	0,20 - 1,40	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,360	0,08 - 0,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	0,345	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,249	0,25 - 2,00	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,147	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,059	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,044	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,040	0,25 - 2,80	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,032	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,019	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,005	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,002	0,10 - 0,50	neutral
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Fusobacterium nucleatum	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Acidaminococcus fermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,04	neutral
Klebsiella oxytoca	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Klebsiella michiganensis		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii		Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Metabacillus sediminilitoris		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Megasphaera stantonii		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Selenomonas ruminantium		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Lancefieldella		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter koseri	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter hormaechei		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Enterobacter cancerogenus		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium varium	[F][p]	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 6,435

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,000	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,921	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,844	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,844	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,654	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,649	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,629	0,00 - 0,07	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,629	0,03 - 0,30	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,610	0,02 - 1,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,345	0,50 - 4,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,325	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,101	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,073	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,059	0,20 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,058	0,07 - 0,80	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,044	0,00 - 0,01	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,026	0,00 - 0,50	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,016	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,016	0,02 - 0,20	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Turicibacter bilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,592

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,558	0,10 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,026	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,002	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Latilactobacillus sakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Raoultella planticola	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,002

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Prevotella	Bacteroidota	0,105	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Raoultella terrigena	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 13,934

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	4,940	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	3,774	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	3,774	1,00 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,450	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,349	0,08 - 0,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,638	5,00 - 15,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,360	0,08 - 0,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,345	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,249	0,25 - 2,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,163	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,163	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,101	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,091	0,50 - 2,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,059	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,041	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,040	0,25 - 2,80	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,040	0,10 - 1,00	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,021	0,01 - 0,20	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,006	2,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,005	0,50 - 1,50	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 3,096

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	3,070	0,50 - 4,00	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,022	0,00 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,001	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,001	0,01 - 1,50	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Dialister hominis	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 2,096

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	1,000	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,921	0,50 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,058	0,07 - 0,80	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,047	0,01 - 0,10	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,029	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,019	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,017	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 1,199

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Flavonifractor plautii	Bacillota	1,152	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,047	0,50 - 5,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 13,858

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	10,524	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,921	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,638	5,00 - 15,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,629	0,03 - 0,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,558	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,173	0,50 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,131	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,101	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,073	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,059	0,20 - 1,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,047	0,50 - 5,00	confiable
Shigella	Pseudomonadota	0,013	0,00 - 0,01	neutral
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,005	0,50 - 1,50	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Escherichia coli ABU 83972	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 13,586

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	4,940	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	3,070	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,450	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,349	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,921	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,558	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,360	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,249	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,173	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,101	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,059	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,059	0,18 - 0,80	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,054	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,047	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,041	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,024	1,00 - 10,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,021	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,013	1,00 - 2,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Fusobacterium animalis	Fusobacteriota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,07	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium gonidiaformans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium varium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,404

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,654	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,649	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,629	0,03 - 0,30	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,073	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,073	0,30 - 2,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,558

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,558	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,002

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Yokenella regensburgei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,211

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,654	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,649	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,558	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 18,956

Especies / Subespecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	2	Bacteroidota	10,524	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1	Bacteroidota	3,070	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	1,450	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	1,349	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	1	Bacteroidota	0,921	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242		Bacteroidota	0,360	0,08 - 0,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	3	Bacteroidota	0,345	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens		Bacteroidota	0,173	0,50 - 5,00	confiable
Dorea longicatena		Bacillota	0,162	0,00 - 0,10	confiable
Streptococcus thermophilus		Bacillota	0,141	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	1	Bacteroidota	0,101	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	3	Bacteroidota	0,091	0,50 - 2,30	confiable
Lactobacillus delbrueckii		Bacillota	0,055	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides uniformis	3	Bacteroidota	0,047	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	3	Bacteroidota	0,040	0,25 - 2,80	confiable
Lactococcus lactis		Bacillota	0,026	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium limosum		Bacillota	0,016	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides merdae		Bacteroidota	0,005	0,50 - 1,50	confiable
Lactocaseibacillus paracasei		Bacillota	0,004	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes senegalensis		Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Eubacterium callanderi		Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum		Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum		Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Bifidobacterium dentium		Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,000*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Kocuria	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,174*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,141	0,01 - 0,50	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,026	0,00 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Lactobacillus helveticus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 2,012

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,771	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,558	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,276	0,08 - 2,45	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,236	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,147	0,00 - 0,50	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 4,022

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,450	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,349	0,08 - 0,30	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,443	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,360	0,08 - 0,30	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,276	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,059	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,023	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,009	0,18 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,005	0,00 - 0,01	neutral
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,005	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,003	0,10 - 2,80	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,002	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulfobulbus oralis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfosporosinus meridiei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Desulfomicrobium orale	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfotalea psychrophila	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfuromonas sp. DDH964	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,07

Porcentaje relativo de archaea: 6,83

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	5,629	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,359	0,00 - 0,01	confiable
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,240	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,120	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,120	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	0,120	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,120	0,00 - 0,07	neutral
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,120	0,00 - 0,07	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403194427

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403194427

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	5,980	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,184	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	8,834	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	11,578	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	19,719	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	31,600	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	7,383	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	16,997	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)*	2,330	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,177	0 - 6
Microbiota productora de Succinato*	10,767	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,110	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	2,140	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	4,857	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma*	22,956	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	12,906	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,555	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)*	2,256	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,002	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	2,771	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	5,980	20 - 50
Microbiota productora de GABA	22,881	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,000	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,246	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	3,341	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	4,136	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,064	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 5,980*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,792	0,20 - 1,40	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,714	0,00 - 1,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,696	1,00 - 3,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,514	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,501	0,20 - 1,30	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,445	0,70 - 2,70	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,374	0,10 - 0,50	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,304	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,303	5,00 - 15,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,237	0,00 - 0,50	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,215	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,205	0,20 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,143	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,143	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,143	0,20 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,077	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,061	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,061	0,01 - 0,10	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,060	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,048	0,10 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,044	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,041	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,035	1,00 - 5,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,031	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,030	1,00 - 10,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,026	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,020	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,018	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,70	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,004	0,50 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,001	0,25 - 1,00	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Megasphaera stantonii

Bacillota

0,000

0,01 - 0,10

confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,184*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,099	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,085	0,50 - 4,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 8,834

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,652	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	2,722	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,896	0,03 - 0,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,459	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,085	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,012	0,50 - 4,00	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,005	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 11,578

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	4,270	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	4,270	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	2,069	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus	Bacillota	0,841	0,01 - 0,50	neutral
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,692	0,10 - 0,50	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,636	0,50 - 1,00	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,623	0,08 - 2,45	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,480	0,01 - 0,04	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,374	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,188	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,131	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,085	0,50 - 4,00	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,076	0,10 - 1,00	neutral
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,061	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,061	0,01 - 0,10	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,052	0,01 - 0,05	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,048	0,10 - 5,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,046	0,10 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,044	0,50 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,042	0,10 - 0,50	neutral
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,035	1,00 - 5,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,031	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,026	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,014	0,01 - 0,74	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,006	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,004	0,50 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,002	0,10 - 5,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Lactobacillus amylovorus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,75	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 19,719

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	4,270	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	4,270	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	2,722	0,10 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,256	0,10 - 0,50	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,164	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,164	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,921	0,50 - 2,30	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,692	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,623	0,08 - 2,45	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,480	0,01 - 0,04	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,445	0,70 - 2,70	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,374	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,333	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,188	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,143	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,143	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,143	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,131	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,061	0,00 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,050	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,050	0,30 - 2,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,048	0,10 - 5,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,046	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,042	0,10 - 0,50	neutral
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,031	0,01 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,031	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,026	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,018	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,004	0,07 - 0,80	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,004	0,50 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Lactobacillus amylovorus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,75	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 31,600

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	8,384	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,652	0,50 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	4,270	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	4,270	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	2,722	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,420	0,50 - 1,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,164	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,164	1,00 - 5,00	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,790	1,00 - 8,00	neutral
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,459	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,375	0,10 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,374	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,333	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,292	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,255	0,18 - 0,80	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,248	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,248	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,143	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,143	0,50 - 2,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,131	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,108	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,085	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,075	0,50 - 5,00	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,065	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,061	0,01 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,050	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,035	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,032	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,031	0,01 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,031	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,026	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,022	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,018	0,07 - 0,80	confiable
Wujiangia chipingensis	Bacillota	0,018	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,017	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,014	0,01 - 0,74	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,012	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,008	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,007	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,006	0,08 - 0,30	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,005	0,50 - 2,50	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,005	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable

Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,004	0,50 - 5,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,002	0,10 - 5,00	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,002	0,10 - 2,80	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	neutral
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 7,383

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	2,256	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	1,420	0,50 - 1,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,841	0,01 - 0,50	neutral
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,792	0,20 - 1,40	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,480	0,01 - 0,04	confiable
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	0,459	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,292	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,255	0,18 - 0,80	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,215	0,00 - 0,50	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,212	0,00 - 0,01	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,057	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,046	0,00 - 0,07	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,045	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,042	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,026	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,022	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Fusobacterium nucleatum	Fusobacteriota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,007	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,006	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,003	0,10 - 0,50	neutral
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Acidaminococcus fermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,04	neutral
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Selenomonas ruminantium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter	Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Klebsiella michiganensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Lancefieldella	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 16,997

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	4,270	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	4,270	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	2,722	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,420	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,896	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,514	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,501	0,20 - 1,30	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,480	0,01 - 0,04	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,459	0,50 - 4,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,445	0,70 - 2,70	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,408	0,02 - 1,00	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,400	0,00 - 0,01	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,333	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,143	0,20 - 1,00	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,057	0,00 - 0,01	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,046	0,00 - 0,07	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,018	0,07 - 0,80	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,70	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Paenibacillus sordellii	Bacillota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 2,330*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,256	0,10 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,052	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Latilactobacillus sakei	Bacillota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,003	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,177

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Prevotella	Bacteroidota	0,790	1,00 - 8,00	neutral
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,170	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium formicaceticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium scatologenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Sinorhizobium meliloti	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 10,767*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	2,722	0,10 - 0,50	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	1,633	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,445	0,50 - 1,50	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,164	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,164	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,921	0,50 - 2,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,459	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,303	5,00 - 15,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,292	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,255	0,18 - 0,80	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,248	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,248	0,50 - 5,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,099	2,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,044	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,031	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,026	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,022	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,015	0,30 - 2,70	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,012	0,01 - 0,20	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,012	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,007	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,006	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	neutral
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,110*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,085	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,012	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,012	0,01 - 1,50	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,002	0,00 - 1,50	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Dialister hominis	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 2,140

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,420	0,50 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,480	0,01 - 0,04	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,159	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,046	0,10 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,018	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,002	0,01 - 0,30	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 4,857

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,652	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,205	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 22,956*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	8,384	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,652	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	2,722	0,10 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,256	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,445	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,420	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,896	0,03 - 0,30	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,445	0,70 - 2,70	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,303	5,00 - 15,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,215	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,143	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,075	0,50 - 5,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,009	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 12,906

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,652	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	2,722	0,10 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,256	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,420	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,292	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,255	0,18 - 0,80	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,087	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,085	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,075	0,50 - 5,00	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,060	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,031	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,030	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,026	0,02 - 0,20	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Fusobacterium animalis	Fusobacteriota	0,022	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,022	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,017	0,00 - 0,10	neutral
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,015	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,012	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,008	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,007	0,10 - 0,80	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,007	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,006	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Fusobacterium periodonticum	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Desulfitobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable
Escherichia coli SE15	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,555

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,896	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,514	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,501	0,20 - 1,30	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,050	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,050	0,30 - 2,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,70	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 2,256*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,256	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,002

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,017	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Yokenella regensburgei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus equinus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Streptococcus equinus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Paenisporsarcina	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 2,771

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,256	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,514	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,501	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 22,881

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	2 Bacteroidota	8,384	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	3 Bacteroidota	4,652	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	1 Bacteroidota	2,722	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,445	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides ovatus	1 Bacteroidota	1,420	0,50 - 1,00	confiable
Parabacteroides distasonis	3 Bacteroidota	0,921	0,50 - 2,30	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,854	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,692	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	3 Bacteroidota	0,459	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,255	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1 Bacteroidota	0,085	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,075	0,50 - 5,00	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,052	0,01 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,046	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,022	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,007	0,10 - 0,80	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,006	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,006	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	3 Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,80	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,000*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Corynebacterium	Actinomycetota	0,005	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,246*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,188	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,046	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,006	0,01 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Lactobacillus helveticus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 3,341

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	2,256	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,623	0,08 - 2,45	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,215	0,00 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,108	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 4,136

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,445	0,50 - 1,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,623	0,08 - 2,45	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,574	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,378	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,255	0,18 - 0,80	confiable
Pyramidobacter pisciolens	Synergistota	0,248	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,227	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,170	0,00 - 0,01	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,045	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,022	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,007	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,006	0,08 - 0,30	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,003	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,002	0,10 - 2,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio sp. G11	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Desulfuromonas sp. DDH964	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,06

Porcentaje relativo de archaea: 1,17

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,147	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina sp. MTP4	Euryarchaeota	0,147	0,00 - 0,07	confiable
Methanospirillum hungatei	Euryarchaeota	0,147	0,00 - 0,07	neutral
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,147	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	0,147	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,147	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,147	0,00 - 0,01	confiable
Candidatus Methanomethylophilus alvus	Euryarchaeota	0,147	0,00 - 0,01	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403194430

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403194430

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,943	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	1,552	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	9,125	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	5,127	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	16,151	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	26,548	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	10,323	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	7,181	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,170	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,027	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	27,304	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	3,530	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras*	0,790	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	3,044	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	12,693	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	12,954	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	0,805	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,152	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,000	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	0,506	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,943	20 - 50
Microbiota productora de GABA	14,232	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,241	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	0,649	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	2,394	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,015	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 16,943*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	3,848	5,00 - 15,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	3,827	0,20 - 1,40	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	2,017	1,00 - 3,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,132	0,70 - 2,70	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,112	0,10 - 0,50	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	1,038	0,00 - 1,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,868	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,650	0,20 - 1,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,516	0,20 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,358	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,320	0,20 - 1,30	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,196	0,00 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,132	0,00 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,127	0,00 - 0,01	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,114	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,114	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,099	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,075	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,068	0,10 - 5,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,056	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,055	0,01 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,054	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,054	0,50 - 2,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,054	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,054	1,00 - 5,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,053	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,047	0,25 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,046	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,044	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,037	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,035	1,00 - 10,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,034	0,10 - 0,70	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,030	0,10 - 1,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,025	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,016	1,00 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,016	0,50 - 1,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,009	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,003	0,00 - 0,50	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 1,552*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,534	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,018	2,00 - 5,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 9,125

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,528	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,962	0,25 - 2,80	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,871	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,534	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,770	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,366	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,093	0,10 - 0,50	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 5,127*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,534	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,376	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,376	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,112	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,776	0,50 - 1,00	neutral
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,245	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,119	0,10 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,118	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,099	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,087	0,01 - 0,50	neutral
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,075	0,10 - 5,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,074	0,08 - 2,45	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,068	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,055	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,046	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,044	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,028	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,026	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,022	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,021	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,016	1,00 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,016	0,50 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,009	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,007	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,74	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Lactococcus	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Veillonella atypica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactobacillus terrae	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	posible
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Weissella cibaria	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 16,151

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	9,392	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	9,392	1,00 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,376	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,376	0,30 - 2,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,132	0,70 - 2,70	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,112	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,650	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,637	0,50 - 2,30	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,389	0,07 - 0,80	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,245	0,10 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,152	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,119	0,10 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,118	0,01 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,115	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,099	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,093	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,074	0,08 - 2,45	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,068	0,10 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,054	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,054	0,50 - 2,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,046	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,044	0,10 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,043	0,07 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,028	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,026	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,022	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,021	0,10 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,009	0,01 - 0,04	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,008	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,008	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,007	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Weissella cibaria	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 26,548

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	9,392	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	9,392	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,528	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,962	0,25 - 2,80	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,910	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,871	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,534	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,376	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,376	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,112	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,770	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,512	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,439	0,50 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,389	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,383	0,25 - 2,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,245	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,227	0,08 - 0,30	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,163	0,10 - 5,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,136	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,136	0,00 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,127	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,121	0,18 - 0,80	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,118	0,01 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,115	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,105	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,093	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,088	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,075	0,10 - 5,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,056	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,055	0,01 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,054	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,054	0,50 - 2,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,043	0,07 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	neutral
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,035	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,032	0,08 - 0,30	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,028	0,00 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,022	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,021	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,020	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,016	1,00 - 5,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,012	0,50 - 2,50	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,011	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,011	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,009	0,50 - 5,00	confiable

Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,007	1,00 - 8,00	neutral
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,006	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,005	0,10 - 2,80	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,74	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 10,323

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	3,827	0,20 - 1,40	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	1,962	0,25 - 2,80	confiable
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	1,871	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,512	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,439	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,383	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,227	0,08 - 0,30	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,208	0,00 - 0,01	confiable
Enterocloster boltea	[p] Bacillota	0,201	0,00 - 0,07	confiable
Clostridium	Bacillota	0,188	0,20 - 1,00	neutral
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,153	0,00 - 0,50	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,152	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,121	0,18 - 0,80	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,087	0,01 - 0,50	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,056	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,032	0,08 - 0,30	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,030	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,028	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,021	0,05 - 0,50	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,011	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,009	0,01 - 0,04	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Parabacteroides sp. CT06	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,50	neutral
Morganella morganii	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Fusobacterium varium	[F][p] Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium cochlearium	[F][p] Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Enterobacter hormaechei		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Cronobacter sakazakii	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias					

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 7,181

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,871	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,376	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,376	0,30 - 2,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,132	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,650	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,439	0,50 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,389	0,07 - 0,80	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,366	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,358	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,320	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,201	0,00 - 0,07	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,093	0,10 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,056	0,00 - 0,01	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,053	0,10 - 1,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,047	0,02 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,043	0,07 - 0,80	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,034	0,10 - 0,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,018	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,016	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,009	0,01 - 0,04	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,006	0,01 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,170

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,152	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,018	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,50	neutral
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,027

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Segatella copri	Bacteroidota	0,011	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,011	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,007	1,00 - 8,00	neutral
Emergencia timonensis	Bacillota	0,003	0,01 - 1,00	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Hatheway	Bacillota	0,000	0,00 - 1,00	neutral
Hatheway histolytica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tissierella	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 27,304

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	9,392	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	9,392	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	5,357	0,30 - 2,70	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	3,848	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,962	0,25 - 2,80	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,871	0,50 - 4,00	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,865	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,770	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,637	0,50 - 2,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,619	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,512	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,383	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,227	0,08 - 0,30	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,136	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,136	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,121	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,115	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,093	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,032	0,08 - 0,30	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,022	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,021	0,05 - 0,50	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,018	2,00 - 5,00	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,011	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,011	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 3,530

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	1,982	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,534	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,007	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,007	0,01 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,790*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,439	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,099	0,10 - 0,50	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,080	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,072	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,043	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,020	0,01 - 0,10	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,009	0,01 - 0,04	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 3,044

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,528	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,516	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 12,693

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	3,848	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,528	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,910	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,132	0,70 - 2,70	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,868	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,650	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,619	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,439	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,366	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,188	0,20 - 1,00	neutral
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,152	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,093	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,088	0,50 - 5,00	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 12,954

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	5,357	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,528	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,534	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,770	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,512	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,439	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,383	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,267	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,227	0,08 - 0,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,152	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,121	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,117	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,105	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,093	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,088	0,50 - 5,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,053	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,035	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,032	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,021	0,05 - 0,50	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,012	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Oxalobacter formigenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Fusobacterium varium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium necrophorum subsp. fundulifo	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 0,805

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,366	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,358	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,320	0,20 - 1,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,188	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,034	0,10 - 0,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,006	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,152

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,152	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,000

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 0,506

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,358	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,320	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,152	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,034	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 14,232

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	2,528	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	1,962	0,25 - 2,80	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	1,910	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	1,871	0,50 - 4,00	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	1,551	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	1,534	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,637	0,50 - 2,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,619	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,512	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,439	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,227	0,08 - 0,30	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,099	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,093	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,088	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,032	0,08 - 0,30	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,021	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium angulatum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	posible

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,241*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,119	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,099	0,10 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,016	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 0,649

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,153	0,00 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,152	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,137	0,00 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,127	0,00 - 0,01	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,074	0,08 - 2,45	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 2,394

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,699	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,619	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,512	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,227	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,121	0,18 - 0,80	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,074	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,046	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,032	0,08 - 0,30	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,030	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,010	0,00 - 0,01	neutral
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,005	0,10 - 2,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfatibacillum aliphaticivorans	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,02

Porcentaje relativo de archaea: 3,13

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,781	0,00 - 0,07	posible
Methanospirillum hungatei	Euryarchaeota	0,781	0,00 - 0,07	neutral
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,781	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,781	0,00 - 0,01	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidades de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403194434

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403194434

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,313	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,633	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	13,984	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	6,469	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	12,144	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	32,514	20 - 55
Microbiota con función proteolítica*	33,026	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	18,961	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,032	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,018	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	28,939	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	2,992	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	1,630	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	2,147	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma*	3,165	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	11,081	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	0,846	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,035	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,002	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	0,218	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,313	20 - 50
Microbiota productora de GABA	27,405	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal	0,968	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	0,822	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	10,386	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,020	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 16,313*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	Bacillota	8,924	0,20 - 1,40	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	1,178	1,00 - 3,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	1,067	0,01 - 0,10	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	1,002	0,20 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,993	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,631	5,00 - 15,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,400	0,00 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,332	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,208	0,70 - 2,70	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,199	0,40 - 3,00	neutral
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,174	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,167	0,00 - 0,10	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,138	0,20 - 1,30	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,120	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,097	0,00 - 0,10	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,094	0,00 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,092	0,10 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,078	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,078	1,00 - 5,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,069	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,060	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,058	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,057	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,057	0,50 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,055	0,10 - 0,70	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,050	0,10 - 0,50	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,029	0,50 - 5,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,024	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,017	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,015	0,50 - 1,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,012	0,01 - 0,10	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,010	1,00 - 5,00	neutral
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,010	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,009	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,008	0,00 - 0,50	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,005	1,00 - 10,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,003	0,25 - 1,00	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium duncaniae	Bacillota	0,000	1,00 - 4,00	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,633*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,586	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,048	0,50 - 4,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 13,984

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	12,415	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,145	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,279	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,048	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,034	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,008	0,25 - 2,80	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,005	0,00 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 6,469

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	1,942	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,942	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	1,549	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium ventriosum	Bacillota	1,067	0,01 - 0,10	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,993	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,656	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,649	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,599	0,01 - 0,50	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,242	0,01 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,131	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,097	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,092	0,10 - 5,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,083	0,08 - 2,45	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,072	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,065	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,065	0,01 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,063	0,00 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,060	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,058	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,052	0,00 - 0,05	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,048	0,50 - 4,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,030	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,017	0,01 - 0,74	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,015	0,50 - 1,00	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,012	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium limosum	Bacillota	0,009	0,02 - 0,20	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,008	0,06 - 0,10	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Lactobacillus johnsonii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactobacillus amylovorus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,75	posible
Limosilactobacillus reuteri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Pediococcus inopinatus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Carnobacterium maltaromaticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 12,144

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	2,890	0,50 - 2,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,841	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,841	1,00 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,942	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,942	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,993	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,656	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,649	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,469	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,332	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,208	0,70 - 2,70	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,131	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,097	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,092	0,10 - 5,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,083	0,08 - 2,45	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,081	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,081	0,30 - 2,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,072	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,065	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,065	0,01 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,063	0,00 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,060	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,058	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,057	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,057	0,50 - 2,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,052	0,00 - 0,05	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,047	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,043	0,01 - 0,30	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,030	0,10 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,028	0,07 - 0,80	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,010	0,07 - 0,80	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,003	0,01 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,003	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Lactobacillus amylovorus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,75	posible
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 32,514

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	12,415	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	8,714	0,18 - 0,80	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,841	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,841	1,00 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,942	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,942	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,145	0,50 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	1,067	0,01 - 0,10	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,993	0,10 - 0,50	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,724	0,10 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,469	0,07 - 0,80	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,372	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,270	0,18 - 0,80	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,238	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,174	0,00 - 0,01	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,131	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,111	0,08 - 0,30	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,081	0,30 - 2,00	neutral
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,063	0,00 - 1,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,062	0,00 - 0,01	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,058	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,057	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,057	0,50 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,051	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,051	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,050	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,048	0,50 - 4,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,047	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,043	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,034	0,50 - 4,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,028	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,027	0,50 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,024	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,019	0,08 - 0,30	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,018	1,00 - 8,00	neutral
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,017	0,01 - 0,74	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,017	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,011	0,50 - 2,50	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,010	0,00 - 0,10	neutral
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,010	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,008	0,25 - 2,80	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable

Alistipes shahii	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,005	0,00 - 0,10	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,005	0,00 - 0,10	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,003	0,01 - 1,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,003	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,002	0,20 - 1,00	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 33,026*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	12,415	0,50 - 4,00	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	8,924	0,20 - 1,40	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	8,714	0,18 - 0,80	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,656	0,01 - 0,04	confiable
Enterocloster boltea	[p] Bacillota	0,601	0,00 - 0,07	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,599	0,01 - 0,50	neutral
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,542	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,427	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,270	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,111	0,08 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,108	0,20 - 1,00	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,072	0,10 - 0,50	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,070	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,065	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,051	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,051	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,027	0,50 - 1,00	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,027	0,10 - 0,50	neutral
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,019	0,08 - 0,30	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,017	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,008	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,003	0,25 - 2,00	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Citrobacter koseri	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Morganella morganii	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella michiganensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Acidaminococcus fermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,04	confiable
Olsenella uli	[F][p] Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Helicobacter	Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Fusobacterium nucleatum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 18,961

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	12,415	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,942	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,942	0,30 - 2,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	1,200	0,02 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,656	0,01 - 0,04	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,601	0,00 - 0,07	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,469	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,332	0,20 - 1,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,287	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,287	0,00 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,279	0,03 - 0,30	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,208	0,70 - 2,70	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,199	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,138	0,20 - 1,30	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,081	0,00 - 0,01	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,070	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,055	0,10 - 0,70	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,043	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,028	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,027	0,50 - 1,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,017	0,01 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,017	0,10 - 1,00	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,010	0,06 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,009	0,02 - 0,20	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,008	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Limosilactobacillus fermentum	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,032

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Enterobacter	Pseudomonadota	0,027	0,10 - 0,50	neutral
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Limosilactobacillus reuteri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,018

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Prevotella	Bacteroidota	0,018	1,00 - 8,00	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Emergencia timonensis	Bacillota	0,001	0,01 - 1,00	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Serratia marcescens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Tissierella	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 28,939

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	12,415	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	8,714	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	2,890	0,50 - 2,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,841	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,841	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,631	5,00 - 15,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,586	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,270	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,111	0,08 - 0,30	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,063	0,00 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,051	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,051	0,01 - 0,30	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,047	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,042	0,30 - 2,70	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,041	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,034	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,019	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,015	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,008	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,003	0,01 - 1,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,003	0,25 - 2,00	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,20	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Succinivibrio dextrinosolvens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 2,992

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	2,934	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,048	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,005	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,005	0,01 - 1,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,630

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,656	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,649	0,10 - 0,50	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,068	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,065	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,060	0,01 - 0,30	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,052	0,00 - 0,05	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,028	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,027	0,50 - 1,00	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,015	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium animalis	Actinomycetota	0,008	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus intermedius	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 2,147

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,145	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	1,002	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 3,165*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,145	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,631	5,00 - 15,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,372	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,332	0,20 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,279	0,03 - 0,30	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,208	0,70 - 2,70	confiable
Clostridium	Bacillota	0,108	0,20 - 1,00	neutral
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,050	0,50 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,029	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,027	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,015	0,50 - 1,50	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,10	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Faecalibacterium duncaniae	Bacillota	0,000	1,00 - 4,00	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 11,081

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	8,714	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	2,296	0,00 - 0,10	neutral
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,145	0,50 - 5,00	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,297	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,270	0,18 - 0,80	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,176	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,111	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,050	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,048	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,042	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,034	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,027	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,019	0,08 - 0,30	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,017	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,006	1,00 - 2,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,005	1,00 - 10,00	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,003	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,002	0,20 - 1,00	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,07	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium ulcerans ATCC 49185	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable
Providencia alcalifaciens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 0,846

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,287	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,287	0,00 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,279	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,199	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,138	0,20 - 1,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,108	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,081	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,081	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,055	0,10 - 0,70	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,007	0,10 - 0,50	confiable
Lactobacillus delbrueckii subsp. bulgaricus	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	neutral
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,035

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,010	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,002

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	2,296	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Providencia alcalifaciens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 0,218

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,199	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,138	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,055	0,10 - 0,70	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 27,405

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	12,415	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	8,714	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	2,890	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	1,145	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,649	0,10 - 0,50	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,442	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	0,372	0,50 - 5,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,242	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,111	0,08 - 0,30	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,052	0,00 - 0,05	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,051	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,051	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,050	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,048	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,027	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,019	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,015	0,50 - 1,50	confiable
Lactobacillus delbrueckii	Bacillota	0,012	0,06 - 0,10	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,010	0,06 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,009	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,008	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Levilactobacillus brevis	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Lacticaseibacillus paracasei	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Limosilactobacillus reuteri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Bifidobacterium angulatum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	posible

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,002	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,968

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,649	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,242	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,052	0,00 - 0,05	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,010	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 0,822

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,427	0,00 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,174	0,00 - 0,01	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,083	0,08 - 2,45	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,062	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,048	0,00 - 0,10	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus methanolicus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 10,386*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	8,714	0,18 - 0,80	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,841	0,01 - 0,50	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,297	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,270	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,111	0,08 - 0,30	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,083	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,019	0,08 - 0,30	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,017	0,00 - 0,01	neutral
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,015	0,50 - 1,50	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,010	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Pyramidobacter piscicola	Synergistota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Desulforhamulus ruminis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Oleidesulfovibrio alaskensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,02

Porcentaje relativo de archaea: 4,75

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	0,949	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,633	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina sp. MTP4	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,07	confiable
Methanocorpusculum labreanum Z	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,07	confiable
Methanobacterium paludis	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,07	confiable
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,01	confiable
Candidatus Methanomethylophilus alvus	Euryarchaeota	0,316	0,00 - 0,01	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403204326

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403204326

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,252	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	1,522	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	8,575	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	5,775	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	9,844	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	34,569	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	9,339	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	9,533	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,724	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina*	15,192	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	28,095	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	5,468	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras*	0,537	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	1,274	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	8,457	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	7,721	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	2,719	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,717	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,002	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	3,281	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,252	20 - 50
Microbiota productora de GABA	12,975	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,000	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,214	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	0,943	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	1,955	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,107	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 16,252*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Lachnospira eligens	Bacillota	2,858	0,50 - 5,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	2,558	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,827	0,10 - 0,70	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	1,528	0,20 - 1,40	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	1,474	0,10 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,265	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,265	0,50 - 2,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,007	5,00 - 15,00	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,737	0,20 - 1,30	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,514	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,508	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,433	0,20 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,373	0,10 - 5,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,348	0,00 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,343	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,296	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,275	0,70 - 2,70	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,241	1,00 - 3,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,216	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,168	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,118	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,099	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,094	0,25 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,085	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,035	1,00 - 10,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,027	0,20 - 1,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,022	0,10 - 0,50	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,019	0,00 - 0,10	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,019	0,00 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,013	0,50 - 1,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,009	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,005	0,50 - 5,00	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,003	0,00 - 0,10	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,003	1,00 - 5,00	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 1,522*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,494	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,028	2,00 - 5,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 8,575

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	3,192	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	2,192	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,494	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,246	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,248	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,105	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,097	0,10 - 0,50	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 5,775*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,494	0,50 - 4,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	1,125	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus	Bacillota	1,106	0,01 - 0,50	neutral
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,523	0,01 - 0,74	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,385	0,01 - 0,04	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,377	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,377	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,343	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,296	0,00 - 0,10	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,265	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,216	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,210	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,168	0,01 - 0,10	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,110	0,08 - 2,45	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,085	0,10 - 5,00	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,065	0,00 - 0,10	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,036	0,50 - 1,00	neutral
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,035	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,023	0,10 - 0,50	neutral
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,020	0,10 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,018	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,014	0,10 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,013	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,012	0,10 - 0,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,011	0,10 - 1,00	neutral
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,005	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Lacticaseibacillus casei	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	neutral
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 9,844

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	2,109	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,109	1,00 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,265	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,265	0,50 - 2,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,046	0,50 - 2,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,717	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,433	0,20 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,385	0,01 - 0,04	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,377	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,377	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,343	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,296	0,00 - 0,10	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,282	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,275	0,70 - 2,70	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,265	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,216	0,10 - 1,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,110	0,08 - 2,45	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,097	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,085	0,10 - 5,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,078	0,10 - 1,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,033	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,023	0,10 - 0,50	neutral
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,020	0,10 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,020	0,07 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,019	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,019	0,30 - 2,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,018	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,012	0,10 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,009	0,07 - 0,80	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,005	0,06 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,005	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Lactocaseibacillus casei	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 34,569

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Segatella copri	Bacteroidota	15,188	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	15,188	1,00 - 7,01	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	3,192	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	2,192	0,25 - 2,80	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,109	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,109	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,494	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,265	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,265	0,50 - 2,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,246	0,50 - 5,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	1,125	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,770	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,523	0,01 - 0,74	confiable
Wujiangia chipingensis	Bacillota	0,514	0,10 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,377	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,377	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,343	0,10 - 0,50	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,315	1,00 - 8,00	neutral
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,282	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,248	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,203	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,175	0,20 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,168	0,01 - 0,10	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,156	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,125	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,110	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,097	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,095	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,078	0,10 - 1,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,073	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,073	0,50 - 5,00	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,066	0,10 - 2,80	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,065	0,00 - 0,10	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,058	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,054	0,25 - 2,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,041	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,041	0,00 - 0,10	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,033	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,023	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,022	0,18 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,020	0,07 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,019	0,30 - 2,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,018	0,01 - 0,50	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,017	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,014	0,10 - 5,00	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,013	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,012	0,05 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable

Veillonella parvula	Bacillota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,007	0,50 - 2,50	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,005	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,004	0,10 - 0,80	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 9,339

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	3,192	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	2,192	0,25 - 2,80	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	1,528	0,20 - 1,40	confiable
Streptococcus	Bacillota	1,106	0,01 - 0,50	neutral
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,717	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,385	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,203	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,125	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,110	0,02 - 0,20	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,104	0,00 - 0,50	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,074	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium	Bacillota	0,060	0,20 - 1,00	neutral
Alistipes communis	Bacteroidota	0,054	0,25 - 2,00	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,049	0,00 - 0,07	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,035	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,023	0,08 - 0,30	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,023	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,022	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,012	0,05 - 0,50	confiable
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,008	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,004	0,10 - 0,80	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,004	0,10 - 0,50	neutral
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cloacae	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Selenomonas ruminantium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium varium	[F][p] Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 9,533

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	3,192	0,50 - 4,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	2,558	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,827	0,10 - 0,70	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	1,474	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,737	0,20 - 1,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,433	0,20 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,385	0,01 - 0,04	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,377	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,377	0,30 - 2,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,282	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,275	0,70 - 2,70	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,125	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,105	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,097	0,10 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,073	0,02 - 1,00	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,049	0,00 - 0,07	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,035	0,00 - 0,01	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,020	0,07 - 0,80	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,017	0,01 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Lactaseibacillus casei	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paenicrostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,724

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,717	0,10 - 0,50	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,004	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Lactocaseibacillus casei	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 15,192*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Segatella copri	Bacteroidota	15,188	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	15,188	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,315	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 28,095

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Segatella copri	Bacteroidota	15,188	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	15,188	1,00 - 7,01	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	3,192	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	2,192	0,25 - 2,80	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,109	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,109	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,046	0,50 - 2,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,007	5,00 - 15,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,730	0,50 - 1,50	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,672	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,361	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,248	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,203	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,110	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,097	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,078	0,10 - 1,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,073	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,073	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,054	0,25 - 2,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,041	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,041	0,00 - 0,10	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,028	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,023	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,022	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,012	0,05 - 0,50	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,004	0,10 - 0,80	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,20	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Succinivibrio dextrinosolvens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 5,468

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	3,960	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,494	0,50 - 4,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,001	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,001	0,01 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,537*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,385	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,125	0,50 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,020	0,07 - 0,80	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,004	0,01 - 0,30	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 1,274

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,246	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,027	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 8,457

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Lachnospira eligens	Bacillota	2,858	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,246	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,007	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,770	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,730	0,50 - 1,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,717	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,433	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,275	0,70 - 2,70	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,125	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,105	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,097	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,095	0,50 - 5,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,060	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,010	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 7,721

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,494	0,50 - 4,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	1,474	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,246	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,770	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,717	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,361	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,248	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,203	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,175	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,125	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,110	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,097	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,054	0,25 - 2,00	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,040	0,00 - 0,07	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,035	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,023	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,022	0,18 - 0,80	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,012	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,005	1,00 - 2,00	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,004	0,10 - 0,80	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Fusobacterium varium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 2,719

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	2,558	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,827	0,10 - 0,70	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,737	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,105	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,060	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,019	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,019	0,30 - 2,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Lactobacillus delbrueckii subsp. bulgaricus	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,717

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,717	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,002

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Yokenella regensburgei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Providencia rustigianii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Providencia rustigianii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 3,281

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	2,558	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,827	0,10 - 0,70	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,737	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,717	0,10 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 12,975

Especies / Subespecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	3	Bacteroidota	3,192	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	3	Bacteroidota	2,192	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1	Bacteroidota	1,494	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	3	Bacteroidota	1,246	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	3	Bacteroidota	1,046	0,50 - 2,30	confiable
Dorea longicatena		Bacillota	0,979	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides xylanisolvens		Bacteroidota	0,770	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae		Bacteroidota	0,730	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Streptococcus thermophilus		Bacillota	0,210	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	0,203	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	1	Bacteroidota	0,125	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	1	Bacteroidota	0,097	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola dorei	2	Bacteroidota	0,095	0,50 - 5,00	confiable
Lactobacillus delbrueckii		Bacillota	0,035	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242		Bacteroidota	0,023	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	0,022	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium adolescentis		Actinomycetota	0,020	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,012	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis		Bacteroidota	0,004	0,10 - 0,80	confiable
Lactocaseibacillus paracasei		Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Lactiplantibacillus plantarum		Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactococcus lactis		Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	neutral
Lactococcus lactis subsp. lactis		Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,000*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,002	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,214*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,210	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Chromobacterium violaceum	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 0,943

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,717	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,110	0,08 - 2,45	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,104	0,00 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,955

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,730	0,50 - 1,50	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,299	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,239	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,203	0,08 - 0,30	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,110	0,08 - 2,45	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,066	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,023	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,022	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,012	0,05 - 0,50	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,008	0,00 - 0,01	neutral
Treponema	Spirochaetota	0,006	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,004	0,10 - 0,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Pyramidobacter piscicola	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,11

Porcentaje relativo de archaea: 59,93

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanosphaera stadtmanae	Euryarchaeota	59,220	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	0,177	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,177	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,177	0,00 - 0,07	confiable
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,177	0,00 - 0,07	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403204328

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403204328

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	6,681	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal	5,461	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	12,439	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	7,655	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	11,754	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	31,521	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	15,597	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	6,277	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,302	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,057	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	27,452	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	1,468	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	2,419	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	5,943	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	13,221	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	22,695	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	0,785	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,195	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,075	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	0,570	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	6,681	20 - 50
Microbiota productora de GABA	25,328	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal	1,368	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	2,121	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	8,802	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,064	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 6,681*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,482	5,00 - 15,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	1,075	0,20 - 1,40	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,706	0,20 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,514	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,379	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,329	0,20 - 1,30	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,316	1,00 - 3,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,276	0,25 - 1,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,240	0,50 - 5,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,238	0,10 - 0,50	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,161	0,00 - 0,10	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,147	0,20 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,117	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,117	0,50 - 2,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,098	0,10 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,092	0,70 - 2,70	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,091	0,00 - 0,10	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,082	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,073	0,10 - 1,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,060	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,057	0,10 - 5,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,052	0,00 - 0,50	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,046	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,046	0,10 - 0,70	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,036	0,00 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,036	1,00 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,036	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,028	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,027	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,019	1,00 - 10,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 5,461

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	4,657	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,804	0,50 - 4,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 12,439

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,796	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	2,510	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,501	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,464	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,804	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,282	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,082	0,03 - 0,30	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 7,655

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium	Actinomycetota	3,859	0,50 - 1,00	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	1,672	0,08 - 2,45	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	1,385	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	1,028	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,938	0,01 - 0,74	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,804	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,455	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,455	0,30 - 2,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,357	0,01 - 0,04	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,289	0,01 - 0,50	neutral
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,238	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,140	0,00 - 0,05	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,098	0,10 - 5,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,092	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,089	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,082	0,01 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,077	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,073	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,064	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,036	1,00 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,036	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,027	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	neutral
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,008	0,10 - 5,00	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Weissella	Bacillota	0,002	0,01 - 5,00	neutral
Weissella cibaria	Bacillota	0,002	0,10 - 2,00	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Weissella soli	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable
Lactobacillus johnsonii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 11,754

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	2,218	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,218	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	2,027	0,50 - 2,30	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	1,672	0,08 - 2,45	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	1,385	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	1,028	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,706	0,20 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,455	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,455	0,30 - 2,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,357	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,282	0,10 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,238	0,10 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,195	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,140	0,00 - 0,05	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,117	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,117	0,50 - 2,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,098	0,10 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,093	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,092	0,70 - 2,70	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,092	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,082	0,01 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,077	0,01 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,074	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,074	0,30 - 2,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,073	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,064	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,027	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,003	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,003	0,07 - 0,80	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,002	0,01 - 5,00	neutral
Weissella cibaria	Bacillota	0,002	0,10 - 2,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,002	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus gnavreuii	Bacillota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 31,521

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,796	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	3,066	0,25 - 2,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	2,510	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	2,285	0,50 - 5,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,218	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,218	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,501	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,464	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,938	0,01 - 0,74	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,843	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,833	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,805	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,804	0,50 - 4,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,762	0,50 - 2,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,635	0,02 - 0,20	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,630	0,10 - 5,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,514	0,10 - 1,00	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,507	0,10 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,455	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,455	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,304	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,286	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,282	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,273	0,08 - 0,30	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,238	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,30	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,163	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,121	0,10 - 0,80	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,117	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,117	0,50 - 2,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,093	0,07 - 0,80	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,077	0,01 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,074	0,30 - 2,00	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,054	0,00 - 0,10	neutral
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,054	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,041	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,036	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,036	1,00 - 5,00	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,033	1,00 - 8,00	neutral
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,033	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,033	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,022	0,02 - 0,20	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,008	0,10 - 5,00	confiable

Alistipes dispar	Bacteroidota	0,008	0,05 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,006	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,003	0,10 - 2,80	confiable
Weissella	Bacillota	0,002	0,01 - 5,00	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,002	0,10 - 5,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,002	0,07 - 0,80	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 15,597

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes communis	Bacteroidota	3,066	0,25 - 2,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	2,510	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	1,501	0,25 - 2,80	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	1,075	0,20 - 1,40	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,843	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,833	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,805	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,635	0,02 - 0,20	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,357	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,304	0,05 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,289	0,01 - 0,50	neutral
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,273	0,08 - 0,30	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,195	0,00 - 0,07	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,195	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,30	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,146	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,121	0,10 - 0,80	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,092	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,082	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium	Bacillota	0,080	0,20 - 1,00	neutral
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,062	0,00 - 0,02	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,060	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,036	0,18 - 0,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,022	0,02 - 0,20	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,012	0,00 - 0,01	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,009	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,008	0,05 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,006	0,10 - 0,50	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,006	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus durans	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Morganella morganii	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter	Campylobacterota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Olsenella uli	[F][p] Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium cochlearium	[F][p] Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Bacillus velezensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Propionibacterium		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Lancefieldella		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium nucleatum		Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Parabacteroides sp. CT06		Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Bacillus infantis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter hormaechei		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 6,277

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	2,510	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,805	0,50 - 1,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,706	0,20 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,455	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,455	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,379	0,40 - 3,00	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,357	0,01 - 0,04	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,329	0,20 - 1,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,282	0,10 - 0,50	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,195	0,00 - 0,07	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,093	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,092	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,082	0,03 - 0,30	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,079	0,00 - 0,01	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,063	0,00 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,046	0,10 - 0,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,045	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,045	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,016	0,10 - 1,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,012	0,02 - 1,00	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,012	0,00 - 0,01	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,006	0,05 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Limosilactobacillus fermentum	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,002	0,07 - 0,80	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,302

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,195	0,10 - 0,50	confiable
Raoultella planticola	Pseudomonadota	0,077	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,006	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium perfringens	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Tetragenococcus halophilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Latilactobacillus sakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Hafnia paralvei	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,057

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,413	0,00 - 0,10	neutral
Prevotella	Bacteroidota	0,033	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,025	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Tissierella	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Raoultella terrigena	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 27,452

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	4,657	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	3,066	0,25 - 2,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	2,510	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,218	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,218	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	2,027	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	1,542	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,501	0,25 - 2,80	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,482	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,464	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,971	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,843	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,833	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,635	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,304	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,282	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,273	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,121	0,10 - 0,80	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,086	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,062	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,036	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,022	0,02 - 0,20	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,015	0,10 - 1,00	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,008	0,05 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,002	1,00 - 7,01	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,468

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,804	0,50 - 4,00	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,626	0,00 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,019	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,019	0,01 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 2,419

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	1,028	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,805	0,50 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,357	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,140	0,00 - 0,05	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,082	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,002	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,002	0,07 - 0,80	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 5,943

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,796	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,147	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 13,221

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,796	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	2,285	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,482	5,00 - 15,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,971	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,805	0,50 - 1,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,706	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,286	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,282	0,10 - 0,50	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,240	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,195	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,092	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,082	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,080	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 22,695

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,796	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	3,066	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	2,903	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	1,542	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,464	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,843	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,833	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,805	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,804	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,635	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,478	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,304	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,286	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,282	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,273	0,08 - 0,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,195	0,10 - 0,50	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,149	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,121	0,10 - 0,80	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,079	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,062	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,036	0,18 - 0,80	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,026	0,00 - 0,01	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,022	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,019	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,008	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,006	0,20 - 1,00	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,006	0,05 - 0,50	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,07	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,60	neutral
Oxalobacter formigenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Propionibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfitobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Providencia alcalifaciens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA**MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA****Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 0,785**

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,379	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,329	0,20 - 1,30	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,089	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,082	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,080	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,074	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,074	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,046	0,10 - 0,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,045	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,045	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,195

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,195	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,075

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,478	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,413	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,062	0,00 - 0,02	confiable
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	0,013	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Yokenella regensburgei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Proteus penneri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Providencia alcalifaciens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Proteus penneri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 0,570

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,379	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,329	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,195	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,046	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 25,328

Especies / Subespecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	3	Bacteroidota	5,796	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	3	Bacteroidota	2,510	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	2	Bacteroidota	2,285	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	3	Bacteroidota	2,027	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides caccae	3	Bacteroidota	1,501	0,25 - 2,80	confiable
Bifidobacterium adolescentis		Actinomycetota	1,385	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum		Actinomycetota	1,028	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae		Bacteroidota	0,971	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	0,843	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	0,833	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	1	Bacteroidota	0,805	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1	Bacteroidota	0,804	0,50 - 4,00	confiable
Dorea longicatena		Bacillota	0,616	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,304	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens		Bacteroidota	0,286	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	1	Bacteroidota	0,282	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242		Bacteroidota	0,273	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,168	0,01 - 0,30	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum		Actinomycetota	0,140	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes senegalensis		Bacteroidota	0,121	0,10 - 0,80	confiable
Streptococcus thermophilus		Bacillota	0,089	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060		Bacteroidota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Lactococcus lactis		Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium callanderi		Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium angulatum		Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum		Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Lactiplantibacillus plantarum		Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,126	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Brevibacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Acinetobacter ursingii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 1,368

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	1,028	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,140	0,00 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,089	0,01 - 0,50	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,063	0,00 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,016	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,006	0,10 - 0,50	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 2,121

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	1,672	0,08 - 2,45	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,195	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,163	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,060	0,00 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 8,802*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	1,672	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,039	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,971	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,843	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,833	0,18 - 0,80	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,703	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,635	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,304	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,273	0,08 - 0,30	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,232	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,121	0,10 - 0,80	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,062	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,036	0,18 - 0,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,015	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,009	0,00 - 0,01	neutral
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,003	0,10 - 2,80	confiable
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Pyramidobacter pisciolens	Synergistota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfomicrobium baculatum	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfococcus multivorans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,06

Porcentaje relativo de archaea: 1,66

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanospirillum hungatei	Euryarchaeota	0,370	0,00 - 0,07	neutral
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,370	0,00 - 0,01	confiable
Methanosarcina sp. MTP4	Euryarchaeota	0,185	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,185	0,00 - 0,07	confiable
Methanocaldococcus jannaschii	Euryarchaeota	0,185	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,185	0,00 - 0,07	neutral
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,185	0,00 - 0,07	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403204412

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403204412

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	13,082	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,133	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal*	25,990	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	1,498	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora*	4,717	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	44,982	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	10,053	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	5,794	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,090	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,120	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	28,437	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	1,715	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	3,051	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras*	6,388	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma*	20,440	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol*	35,672	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,474	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,029	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,002	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	0,617	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	13,082	20 - 50
Microbiota productora de GABA	21,645	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,014	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,062	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	0,180	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	5,609	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,236	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 13,082*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Lachnospira eligens	Bacillota	3,483	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	2,514	1,00 - 10,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	1,416	0,00 - 1,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	1,029	0,20 - 1,40	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,891	1,00 - 3,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,760	5,00 - 15,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,593	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,561	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,405	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,405	0,50 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,343	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,324	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,262	0,70 - 2,70	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,231	0,00 - 0,50	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,190	0,10 - 0,50	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,099	0,20 - 1,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,093	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,049	0,10 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,046	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,042	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,040	0,10 - 5,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,039	0,10 - 1,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,038	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,032	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,028	0,01 - 0,10	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,027	0,10 - 0,70	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,019	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,018	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,018	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,013	0,25 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,011	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,009	0,00 - 0,10	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,133*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,122	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,010	2,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,001	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 25,990*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	19,057	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,289	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,324	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,122	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,112	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,063	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,022	0,25 - 2,80	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 1,498*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	0,570	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,570	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,343	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,181	0,01 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,165	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,122	0,50 - 4,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,045	0,01 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,042	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,040	0,10 - 5,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,032	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,031	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,028	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,023	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,011	1,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,011	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,009	0,00 - 0,10	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,008	0,08 - 2,45	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,007	0,10 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,006	0,00 - 1,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,74	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactobacillus johnsonii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Lactobacillus iners	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Lentilactobacillus kefir	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Carnobacterium maltaromaticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 4,717*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	1,764	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,764	1,00 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,570	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,570	0,30 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,405	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,405	0,50 - 2,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,348	0,50 - 2,30	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,343	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,324	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,262	0,70 - 2,70	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,165	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,112	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,070	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,060	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,045	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,040	0,10 - 5,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,032	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,031	0,01 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,029	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,023	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,013	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,013	0,30 - 2,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,010	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,009	0,00 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,009	0,01 - 1,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,008	0,08 - 2,45	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,008	0,07 - 0,80	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,007	0,01 - 0,30	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,006	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,001	0,02 - 0,70	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium choerinum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Ligilactobacillus saerimneri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Lactobacillus iners	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 44,982

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	19,057	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	6,419	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,289	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,195	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	2,146	0,18 - 0,80	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,764	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,764	1,00 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,655	0,08 - 0,30	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,929	0,10 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,570	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,570	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,419	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,407	0,25 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,405	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,405	0,50 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,343	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,324	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,246	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,246	0,01 - 0,30	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,234	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,144	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,122	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,112	0,10 - 0,50	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,091	0,50 - 2,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,070	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,064	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,060	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,059	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,059	0,10 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,046	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,045	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,034	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,031	0,10 - 0,80	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,028	0,01 - 0,10	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,022	0,25 - 2,80	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,018	0,01 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,018	0,00 - 0,01	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,013	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,011	1,00 - 5,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,010	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,009	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,009	0,02 - 0,20	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,009	0,01 - 1,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,008	0,01 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,007	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,007	0,10 - 5,00	confiable

Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,007	0,10 - 2,80	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,006	0,00 - 1,00	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,004	1,00 - 8,00	neutral
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,74	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	posible
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 10,053

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	2,195	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	2,146	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,655	0,08 - 0,30	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	1,029	0,20 - 1,40	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,538	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,419	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,407	0,25 - 2,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	0,324	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,246	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,246	0,01 - 0,30	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,181	0,01 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,165	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	confiable
Enterocloster boltea	[p] Bacillota	0,128	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,064	0,18 - 0,80	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,061	0,00 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,052	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Morganella morganii	[F] Pseudomonadota	0,048	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,034	0,05 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,032	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,031	0,10 - 0,80	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,029	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,023	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,022	0,25 - 2,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,018	0,00 - 0,01	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,015	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,014	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,009	0,02 - 0,20	confiable
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Parabacteroides sp. CT06	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,50	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Selenomonas ruminantium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium cochlearium	[F][p] Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Klebsiella pneumoniae	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium nucleatum		Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomycoides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas putida		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas lundensis		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 5,794

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,195	0,50 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,593	0,40 - 3,00	neutral
Blautia obeum	Bacillota	0,570	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,570	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,561	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,398	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,398	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,324	0,50 - 4,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,324	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,262	0,70 - 2,70	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,165	0,01 - 0,04	confiable
Enterocloster boltea	Bacillota	0,128	0,00 - 0,07	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,112	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,070	0,07 - 0,80	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,063	0,03 - 0,30	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,052	0,00 - 0,01	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,049	0,10 - 1,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,032	0,02 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,027	0,10 - 0,70	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,018	0,01 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,010	0,07 - 0,80	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,008	0,00 - 0,01	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,007	0,01 - 0,30	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Limosilactobacillus fermentum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,090

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,048	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,029	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,008	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tetragenococcus halophilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Ligilactobacillus saerimneri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Hafnia paralvei	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,120

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Emergencia timonensis	Bacillota	0,067	0,01 - 1,00	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,036	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,014	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,014	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,004	1,00 - 8,00	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Tissierella	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 28,437

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	19,057	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	2,146	0,18 - 0,80	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,764	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,764	1,00 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,655	0,08 - 0,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,760	5,00 - 15,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,419	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,407	0,25 - 2,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,359	0,50 - 1,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,348	0,50 - 2,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,324	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,246	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,246	0,01 - 0,30	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,163	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,112	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,064	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,060	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,034	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,031	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,022	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,016	0,30 - 2,70	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,010	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,009	0,02 - 0,20	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,009	0,01 - 1,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,006	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,20	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,715

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	1,578	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,122	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,007	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,007	0,01 - 1,50	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 3,051

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,195	0,50 - 1,00	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,336	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,225	0,01 - 0,10	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,165	0,01 - 0,04	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,091	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,023	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,010	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 6,388*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,289	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,099	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 20,440*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	6,419	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,289	0,50 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	3,483	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,195	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,760	5,00 - 15,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,359	0,50 - 1,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,324	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,262	0,70 - 2,70	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,144	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,112	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,063	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,029	0,10 - 0,50	confiable
Shigella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 35,672*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	19,057	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,289	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	2,514	1,00 - 10,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,195	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	2,146	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,655	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,419	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,407	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,144	0,50 - 5,00	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,141	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,122	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,112	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,064	0,18 - 0,80	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,049	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,034	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,031	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,031	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,029	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,025	1,00 - 2,00	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,10	neutral
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,016	0,30 - 2,70	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,009	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,009	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,009	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium animalis	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,07	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Fusobacterium gonidiaformans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable
Providencia alcalifaciens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium necrophorum subsp. fundulifo	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,474

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,593	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,561	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,398	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,398	0,00 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,063	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,048	0,20 - 1,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,027	0,10 - 0,70	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,013	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,013	0,30 - 2,00	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,029

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,029	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,002

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,014	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Providencia rettgeri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Providencia alcalifaciens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,015	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas lundensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 0,617

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,593	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,561	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,029	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,027	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 21,645

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	6,419	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	6,289	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	2,195	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	2,146	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,655	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,419	0,08 - 0,30	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,360	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,359	0,50 - 1,50	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,348	0,50 - 2,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	0,324	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,246	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,246	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,144	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,122	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,112	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,034	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,031	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,022	0,25 - 2,80	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,001	0,02 - 0,70	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Lactobacillus delbrueckii	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,014*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,015	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,014	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Kocuria	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas lundensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,062*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,048	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 0,180

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,061	0,00 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,059	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,029	0,10 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,018	0,00 - 0,01	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,008	0,08 - 2,45	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 5,609*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	2,146	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,655	0,08 - 0,30	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,724	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,419	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,359	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,155	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,064	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,034	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,031	0,10 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,018	0,00 - 0,01	neutral
Treponema	Spirochaetota	0,009	0,00 - 0,01	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,008	0,08 - 2,45	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,007	0,10 - 2,80	confiable
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,003	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pyramidobacter pisciolens	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfosporosinus meridiei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,24

Porcentaje relativo de archaea: 72,75

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	68,750	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	3,838	0,00 - 0,07	confiable
Methanocorpusculum labreanum Z	Euryarchaeota	0,055	0,00 - 0,07	confiable
Methanobacterium paludis	Euryarchaeota	0,027	0,00 - 0,07	posible
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,027	0,00 - 0,01	posible
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,027	0,00 - 0,07	confiable
Candidatus Methanomethylophilus alvus	Euryarchaeota	0,027	0,00 - 0,01	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403204413

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403204413

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato	23,322	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal	6,299	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	12,885	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	4,456	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora*	7,003	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	24,032	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	16,480	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	8,960	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,322	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,187	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	28,454	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	1,229	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	1,020	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	1,035	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	6,291	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol*	25,416	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	0,602	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,010	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,003	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,005	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	0,431	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato	23,322	20 - 50
Microbiota productora de GABA	14,303	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,029	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,421	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	1,331	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	9,464	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano*	0,878	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 23,322

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	Bacillota	7,702	0,20 - 1,40	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	3,901	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	2,946	1,00 - 10,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,856	5,00 - 15,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	1,359	0,00 - 1,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	1,321	1,00 - 3,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,654	0,70 - 2,70	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,622	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,444	0,20 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,424	0,40 - 3,00	neutral
Lachnospira eligens	Bacillota	0,318	0,50 - 5,00	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,296	0,20 - 1,30	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,265	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,187	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,179	0,10 - 1,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,149	0,00 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,126	0,10 - 0,70	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,123	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,121	0,10 - 1,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,098	0,10 - 0,50	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,096	0,20 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,089	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,070	0,10 - 5,00	confiable
Lactiseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,053	0,01 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,052	0,00 - 0,10	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,044	0,00 - 0,10	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,044	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,040	0,01 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,039	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,036	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,036	0,50 - 2,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,013	0,25 - 1,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,013	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,013	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,006	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,004	0,00 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable

Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 6,299

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	5,112	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 12,885

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	8,598	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,840	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,939	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,133	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,080	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,013	0,25 - 2,80	confiable
Mucispirillum schaedleri	Deferribacterota	0,000	0,00 - 0,10	posible

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 4,456*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,622	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,551	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,551	0,30 - 2,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,543	0,01 - 0,50	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,529	0,08 - 2,45	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,307	0,01 - 0,04	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,277	0,01 - 0,50	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,269	0,10 - 1,00	neutral
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,187	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,179	0,50 - 1,00	neutral
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,179	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,171	0,10 - 0,50	neutral
Lactococcus lactis	Bacillota	0,161	0,01 - 0,05	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,070	0,10 - 5,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,060	0,01 - 0,50	confiable
Lactocaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,053	0,01 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,051	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,040	0,01 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,039	0,50 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,039	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,10	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,013	0,01 - 0,74	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,006	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,005	0,10 - 5,00	confiable
Bacillus	Bacillota	0,005	0,50 - 1,00	neutral
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,05	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,004	0,50 - 1,00	neutral
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Lactobacillus johnsonii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus hirae	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus badius	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 7,003*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,394	0,50 - 2,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,654	0,70 - 2,70	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,622	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,551	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,551	0,30 - 2,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,529	0,08 - 2,45	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,444	0,20 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,307	0,01 - 0,04	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,187	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,179	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,171	0,10 - 0,50	neutral
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,121	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,105	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,070	0,10 - 5,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,060	0,01 - 0,50	confiable
Lactocaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,053	0,01 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,051	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,039	0,01 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,036	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,036	0,50 - 2,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,025	0,01 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,023	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,023	0,30 - 2,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,017	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,015	0,07 - 0,80	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,010	0,06 - 0,10	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,007	0,07 - 0,80	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,05	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Enterococcus hirae	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 24,032

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	8,598	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,978	0,18 - 0,80	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,840	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,939	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,656	0,08 - 0,30	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,638	0,50 - 5,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,622	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,551	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,551	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,487	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,482	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,358	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,249	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,189	0,10 - 0,80	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,138	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,130	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,128	0,18 - 0,80	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,121	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,105	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,098	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,098	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,089	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,080	0,00 - 0,10	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,067	0,10 - 5,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,060	0,01 - 0,50	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,054	0,00 - 0,10	confiable
Lactacaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,053	0,01 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,044	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,040	0,01 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,036	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,036	0,50 - 2,00	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,029	1,00 - 8,00	neutral
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,026	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,025	0,01 - 0,50	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,023	0,00 - 0,10	neutral
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,023	0,00 - 0,10	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,023	0,00 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,023	0,30 - 2,00	neutral
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,020	0,02 - 0,20	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,020	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,020	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable

Blautia argi	Bacillota	0,017	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,015	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,015	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,015	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,013	0,25 - 2,80	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,013	0,01 - 0,74	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,012	0,50 - 2,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,010	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,006	0,01 - 0,05	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,005	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,005	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,005	0,00 - 0,05	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 16,480

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	7,702	0,20 - 1,40	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,978	0,18 - 0,80	confiable
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	1,840	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,656	0,08 - 0,30	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,543	0,01 - 0,50	neutral
Alistipes communis	Bacteroidota	0,358	0,25 - 2,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,307	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,249	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,189	0,10 - 0,80	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,171	0,10 - 0,50	neutral
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,130	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,128	0,18 - 0,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,116	0,00 - 0,07	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,103	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,098	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,098	0,01 - 0,30	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,092	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,073	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,051	0,01 - 0,10	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,033	0,00 - 0,50	neutral
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,029	0,00 - 0,01	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,025	0,00 - 0,01	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,020	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,015	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,013	0,25 - 2,80	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,008	0,00 - 0,01	confiable
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,006	0,01 - 0,05	confiable
Bacillus	Bacillota	0,005	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,004	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable

Megasphaera stantonii		Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Fusobacterium nucleatum		Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium cochlearium	[F][p]	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Propionibacterium		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella oxytoca	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Selenomonas ruminantium		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Acidaminococcus fermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,04	neutral
Enterococcus durans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus cereus		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus pseudomycooides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus badius		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 8,960

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	3,901	0,10 - 1,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,840	0,50 - 4,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,654	0,70 - 2,70	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,551	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,551	0,30 - 2,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,444	0,20 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,424	0,40 - 3,00	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,307	0,01 - 0,04	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,296	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,133	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,130	0,50 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,126	0,10 - 0,70	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,121	0,07 - 0,80	confiable
Enterocloster boltea	Bacillota	0,116	0,00 - 0,07	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,103	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,037	0,02 - 1,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,020	0,00 - 0,01	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,017	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,015	0,07 - 0,80	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,010	0,01 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,008	0,10 - 1,00	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Limosilactobacillus fermentum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactobacillus acidophilus	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,322

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Lactococcus lactis	Bacillota	0,161	0,01 - 0,05	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,073	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium perfringens	Bacillota	0,020	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Tetragenococcus halophilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,187

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	2,394	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,029	1,00 - 8,00	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,017	0,01 - 1,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Serratia marcescens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Sinorhizobium meliloti	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 28,454

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	8,598	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	5,112	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,978	0,18 - 0,80	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,856	5,00 - 15,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,840	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,394	0,50 - 2,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	1,283	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,656	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,586	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,358	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,249	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,189	0,10 - 0,80	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,130	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,128	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,105	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,098	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,098	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,091	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,023	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,020	0,02 - 0,20	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,020	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,020	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,015	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,013	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,012	0,01 - 0,05	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,006	1,00 - 7,01	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,005	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,005	0,00 - 0,05	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,004	0,01 - 0,20	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Succinivibrio dextrinosolvens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,229

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,018	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,018	0,01 - 1,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,006	0,01 - 0,05	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,000	0,00 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,020

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,307	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium animalis	Actinomycetota	0,161	0,10 - 0,50	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,154	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,151	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,130	0,50 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,051	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,045	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,015	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium pseudolongum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 1,035

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,939	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,096	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 6,291

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,856	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,939	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,654	0,70 - 2,70	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,638	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,586	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,487	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,444	0,20 - 1,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,318	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,133	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,130	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 25,416*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	8,598	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,978	0,18 - 0,80	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	3,901	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	2,946	1,00 - 10,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	1,283	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,939	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,656	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,487	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,358	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,249	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,189	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,130	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,128	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,064	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,026	0,20 - 1,00	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,020	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,015	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,012	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,010	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,07	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Tannerella	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,60	neutral
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 0,602

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,424	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,296	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,133	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,126	0,10 - 0,70	confiable
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,023	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,023	0,30 - 2,00	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactobacillus delbrueckii subsp. bulgaricus	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,010

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,003

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	2,394	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Proteus penneri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,005

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,033	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,005	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,004	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus badius	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Proteus penneri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus pseudomycooides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 0,431

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,424	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,296	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,126	0,10 - 0,70	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,004	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 14,303

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,978	0,18 - 0,80	confiable
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	1,840	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	1,394	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	1,186	0,50 - 4,00	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	1,138	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	0,939	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,656	0,08 - 0,30	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	0,638	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,586	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,487	0,50 - 5,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,277	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,249	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,189	0,10 - 0,80	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,161	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,130	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,098	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,098	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,095	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,027	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,013	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,012	0,01 - 0,05	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,05	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Lactobacillus delbrueckii	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,029*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,033	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,005	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,004	0,50 - 1,00	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Kocuria	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus sp. Y1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus badius	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,421*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,277	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,008	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,05	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 1,331

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,529	0,08 - 2,45	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,482	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,092	0,00 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,089	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,010	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus avium	Bacillota	0,000	0,00 - 2,00	confiable
Bacillus methanolicus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 9,464*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,978	0,18 - 0,80	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	1,866	0,01 - 0,50	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	1,031	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,656	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,586	0,50 - 1,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,529	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,249	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,189	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,128	0,18 - 0,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,126	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,025	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	neutral
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,019	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,012	0,01 - 0,05	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,005	0,00 - 0,01	neutral
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,004	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Pyramidobacter piscolens	Synergistota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfurivibrio alkaliphilus	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfomicrobium baculatum	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfatibacillum aliphaticivorans	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,88*

Porcentaje relativo de archaea: 72,26

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	70,235	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	1,320	0,00 - 0,07	confiable
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,601	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,017	0,00 - 0,07	confiable
Methanocorpusculum labreanum Z	Euryarchaeota	0,017	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina sp. MTP4	Euryarchaeota	0,008	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,008	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,008	0,00 - 0,07	posible
Methanohalobium evestigatum	Euryarchaeota	0,008	0,00 - 0,07	neutral
Methanospirillum hungatei	Euryarchaeota	0,008	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,008	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,008	0,00 - 0,01	confiable
Candidatus Methanomethylophilus alvus	Euryarchaeota	0,008	0,00 - 0,01	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403204416

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403204416

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	18,708	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	1,229	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	8,559	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	5,819	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	13,407	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	37,429	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	7,831	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	9,232	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	1,320	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,028	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	12,758	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,692	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	1,064	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	5,239	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma*	30,159	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	10,947	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	0,903	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,013	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,021	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	0,659	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	18,708	20 - 50
Microbiota productora de GABA	27,541	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,474	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	0,646	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	2,112	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,017	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 18,708*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	3,807	5,00 - 15,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	3,342	0,20 - 1,40	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	3,025	0,00 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,663	0,70 - 2,70	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,560	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,883	0,20 - 1,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,703	1,00 - 3,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,703	0,01 - 0,10	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,645	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,597	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,535	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,535	0,50 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,362	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,211	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,202	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,150	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,148	0,50 - 5,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,109	0,00 - 0,50	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,091	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,076	0,10 - 5,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,069	0,10 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,065	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,053	0,20 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,048	0,10 - 0,70	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,047	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,036	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,035	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,028	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,025	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,025	1,00 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,013	0,50 - 1,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,007	1,00 - 5,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,003	1,00 - 10,00	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 1,229*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,653	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,509	2,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,066	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 8,559

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,186	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,858	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,653	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,626	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,158	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,039	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,038	0,50 - 4,00	confiable
Mucispirillum schaedleri	Deferribacterota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 5,819*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	2,395	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	2,395	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,877	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,703	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,653	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,497	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,446	0,10 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,362	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,211	0,10 - 5,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,168	0,01 - 0,50	neutral
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,148	0,50 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,069	0,01 - 0,04	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,060	0,01 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,049	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,035	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,028	1,00 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,026	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,016	0,10 - 0,50	neutral
Veillonella atypica	Bacillota	0,013	0,00 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,013	0,50 - 1,00	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,012	0,10 - 1,00	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,008	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,005	0,10 - 5,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,74	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,001	0,08 - 2,45	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Lactobacillus iners	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 13,407

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	2,641	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,641	1,00 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	2,395	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	2,395	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,858	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,663	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,883	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,677	0,50 - 2,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,535	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,535	0,50 - 2,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,497	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,446	0,10 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,362	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,325	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,211	0,10 - 5,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,154	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,148	0,50 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,069	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,066	0,02 - 0,70	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,060	0,01 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,060	0,01 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,049	0,01 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,046	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,046	0,30 - 2,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,035	0,00 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,026	0,00 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,018	0,07 - 0,80	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,017	0,01 - 0,30	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,016	0,10 - 0,50	neutral
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,009	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,008	0,07 - 0,80	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,001	0,08 - 2,45	confiable
Lactobacillus iners	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 37,429

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	14,132	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,186	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	2,728	0,50 - 2,50	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,641	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,641	1,00 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	2,395	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	2,395	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,858	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,703	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,681	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,653	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,626	0,50 - 4,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,585	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,535	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,535	0,50 - 2,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,497	0,10 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,362	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,325	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,288	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,247	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,225	0,18 - 0,80	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,188	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,188	0,50 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,154	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,148	0,50 - 5,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,147	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,147	0,00 - 0,10	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,065	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,061	0,02 - 0,20	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,060	0,01 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,049	0,01 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,046	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,039	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,038	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,036	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,035	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,030	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,028	1,00 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,026	0,00 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,018	0,07 - 0,80	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,017	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,016	0,10 - 0,80	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,013	0,00 - 0,10	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,011	1,00 - 8,00	neutral
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,010	0,01 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,009	0,50 - 5,00	confiable

Veillonella parvula	Bacillota	0,008	0,01 - 0,05	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,007	0,05 - 0,50	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,005	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,005	0,10 - 5,00	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,74	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,002	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 7,831

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	3,342	0,20 - 1,40	confiable
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	1,299	0,00 - 0,01	confiable
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	0,626	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,288	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,247	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,225	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,188	0,50 - 1,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,168	0,01 - 0,50	neutral
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,134	0,00 - 0,07	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,069	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,061	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,043	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,041	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,039	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,036	0,08 - 0,30	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,033	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,016	0,10 - 0,80	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,016	0,10 - 0,50	neutral
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,010	0,00 - 0,01	neutral
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,008	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,007	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,005	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella oxytoca	[F] Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	posible
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Lancefieldella	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Enterobacter	Pseudomonadota	0,001	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium cochlearium	[F][p] Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Bacillus glycinifermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Citrobacter freundii	[F][p]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	neutral
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Pseudomonas putida		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias					

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 9,232

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia obeum	Bacillota	2,395	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	2,395	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,858	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,663	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,883	0,20 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,645	0,40 - 3,00	neutral
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,626	0,50 - 4,00	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,597	0,20 - 1,30	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,325	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,188	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,158	0,03 - 0,30	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,150	0,10 - 1,00	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,134	0,00 - 0,07	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,069	0,01 - 0,04	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,048	0,10 - 0,70	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,043	0,00 - 0,01	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,018	0,07 - 0,80	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,017	0,01 - 0,30	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,015	0,02 - 1,00	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,010	0,01 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 1,320

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	1,299	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,001	0,10 - 0,50	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,028

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	2,176	0,00 - 0,10	neutral
Prevotella	Bacteroidota	0,011	1,00 - 8,00	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,006	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Tissierella	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 12,758

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	3,807	5,00 - 15,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,641	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,641	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,858	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,677	0,50 - 2,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	0,626	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,509	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,288	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,247	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,225	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,154	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,147	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,147	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,061	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,039	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,038	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,036	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,035	0,30 - 2,70	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,030	0,50 - 1,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,026	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,016	0,10 - 0,80	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,009	0,50 - 5,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,008	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,007	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,20	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	neutral
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,692*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,653	0,50 - 4,00	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,013	0,00 - 1,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,008	0,01 - 0,05	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,008	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,008	0,01 - 1,50	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Dialister hominis	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,064

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,446	0,10 - 0,50	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,221	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,188	0,50 - 1,00	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,084	0,01 - 0,30	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,069	0,01 - 0,04	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,018	0,07 - 0,80	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,012	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,006	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus intermedius	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	posible

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 5,239

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,186	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,053	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 30,159*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	14,132	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,186	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	3,807	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,858	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,663	0,70 - 2,70	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,560	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,883	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,681	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,188	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,158	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,030	0,50 - 1,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 10,947

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	5,186	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	1,858	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,681	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,653	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,288	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,247	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,225	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,188	0,50 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,150	0,10 - 1,00	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,100	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,061	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,038	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,036	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,035	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,035	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,026	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,016	0,10 - 0,80	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,007	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,003	0,00 - 0,07	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,003	1,00 - 10,00	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,002	1,00 - 2,00	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	neutral
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium ulcerans ATCC 49185	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium necrophorum subsp. fundulifo	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 0,903

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,645	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,597	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,158	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,048	0,10 - 0,70	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,046	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,046	0,30 - 2,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,013

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,013	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,021

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	2,176	0,00 - 0,10	neutral
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	0,021	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	neutral
Streptococcus equinus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Streptococcus equinus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 0,659

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,645	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,597	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,048	0,10 - 0,70	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 27,541

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	14,132	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	5,186	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	1,858	0,10 - 0,50	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	1,300	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,681	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,677	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,653	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	0,626	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,446	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,288	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,225	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,188	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,066	0,02 - 0,70	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,039	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,036	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,030	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,016	0,10 - 0,80	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Lactacaseibacillus paracasei	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Kocuria	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,474*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,446	0,10 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,005	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Lactobacillus helveticus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 0,646

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,585	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,033	0,00 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,001	0,08 - 2,45	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 2,112

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,540	0,18 - 0,80	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,364	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,288	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,225	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,061	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,036	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,030	0,50 - 1,50	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,022	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,016	0,10 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,010	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,006	0,18 - 0,80	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	posible
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,001	0,08 - 2,45	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfosporosinus meridiei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfohalobium ruminis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,02

Porcentaje relativo de archaea: 5,26

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,877	0,00 - 0,07	neutral
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,877	0,00 - 0,07	confiable
Methanospirillum hungatei	Euryarchaeota	0,877	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,877	0,00 - 0,07	posible
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,877	0,00 - 0,07	posible
Candidatus Methanomethylophilus alvus	Euryarchaeota	0,877	0,00 - 0,01	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403204433

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403204433

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	19,248	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,797	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	7,570	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	4,323	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	15,410	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	28,155	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	10,466	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	10,359	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,529	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	1,571	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	17,126	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,818	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras*	0,813	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras*	0,726	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	9,870	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	8,703	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,315	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,434	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,010	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,009	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,570	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	19,248	20 - 50
Microbiota productora de GABA	12,976	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,009	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,115	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	1,360	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	5,074	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,097	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 19,248*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	3,418	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	3,418	0,50 - 2,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	3,136	0,00 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,770	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	1,486	0,20 - 1,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	1,253	0,20 - 1,40	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	1,251	1,00 - 3,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,248	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,140	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,116	0,20 - 1,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,047	5,00 - 15,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,776	0,25 - 1,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,707	0,50 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,407	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,234	0,10 - 5,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,212	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,189	0,00 - 0,10	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,165	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,145	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,099	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,093	0,00 - 0,10	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,084	0,00 - 0,10	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,079	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,061	0,10 - 1,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,050	0,10 - 0,50	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,043	0,20 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,037	0,50 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,020	0,10 - 0,70	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,013	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,010	1,00 - 10,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,004	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,797*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,794	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,003	2,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 7,570

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,041	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,364	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,794	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,683	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,540	0,25 - 2,80	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,096	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Hafnia alvei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 4,323*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,248	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,794	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,649	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,649	0,30 - 2,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,471	0,08 - 2,45	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,430	0,01 - 0,50	neutral
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,407	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,189	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,145	0,10 - 5,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,098	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,095	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,061	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,061	0,01 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,037	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,015	0,50 - 1,00	neutral
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,011	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,011	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,009	0,10 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,007	0,01 - 0,74	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,004	1,00 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	neutral
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,04	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lentilactobacillus kefir	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus siamensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus dafuensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Weissella paramesenteroides	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 15,410

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	4,133	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	4,133	1,00 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	3,418	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	3,418	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,770	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	1,486	0,20 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,248	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,698	0,50 - 2,30	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,649	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,649	0,30 - 2,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,471	0,08 - 2,45	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,434	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,196	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,189	0,00 - 0,10	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,161	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,145	0,10 - 5,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,095	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,061	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,061	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,025	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,025	0,30 - 2,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,022	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,016	0,07 - 0,80	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,011	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,011	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,003	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,003	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,04	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 28,155

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	4,133	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	4,133	1,00 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,041	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	3,418	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	3,418	0,50 - 2,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,598	0,50 - 5,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	1,465	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	1,465	1,00 - 7,01	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,364	0,50 - 4,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	1,248	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	1,133	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	1,102	0,50 - 2,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,075	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,794	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,683	0,50 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,649	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,649	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,579	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,547	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,540	0,25 - 2,80	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,424	0,00 - 0,30	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,407	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,298	0,08 - 0,30	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,261	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,218	1,00 - 8,00	neutral
Wujiangia chipingensis	Bacillota	0,212	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,196	0,10 - 1,00	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,170	0,10 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,161	0,07 - 0,80	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,123	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,123	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,104	0,02 - 0,20	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,098	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,095	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,086	0,10 - 0,80	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,086	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,069	0,25 - 2,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,061	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,026	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,026	0,00 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,025	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,022	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,017	0,00 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,016	0,07 - 0,80	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,009	0,10 - 5,00	confiable

Massilistercora timonensis	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,008	0,18 - 0,80	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,007	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,007	0,05 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,007	0,01 - 0,74	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,006	0,10 - 2,80	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,004	1,00 - 5,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 10,466

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	4,041	0,50 - 4,00	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	1,253	0,20 - 1,40	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,075	0,08 - 0,30	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,973	0,10 - 0,50	neutral
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,547	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,540	0,25 - 2,80	confiable
Enterobacter cloacae	[F] Pseudomonadota	0,450	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,434	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,430	0,01 - 0,50	neutral
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,424	0,00 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,298	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Enterocloster boltea	[p] Bacillota	0,114	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,104	0,02 - 0,20	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,104	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,095	0,18 - 0,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,088	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,086	0,10 - 0,80	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,080	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,069	0,25 - 2,00	confiable
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,053	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium	Bacillota	0,051	0,20 - 1,00	neutral
Campylobacter	Campylobacterota	0,028	0,00 - 0,01	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,025	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,014	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,011	0,10 - 0,50	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,011	0,00 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,011	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,008	0,18 - 0,80	confiable
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,007	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella michiganensis	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Acidaminococcus fermentans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,04	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella oxytoca	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable

Petrimonas mucosa		Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Selenomonas ruminantium		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lancefieldella		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus faecalis		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Eggerthella lenta		Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,04	confiable
Citrobacter youngae		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Cronobacter sakazakii	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Megasphaera stantonii		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus thuringiensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Pseudomonas putida		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus mycoides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii		Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus siamensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus dafuensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Olsenella uli	[F][p]	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Morganella morganii	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 10,359

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,041	0,50 - 4,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,770	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	1,486	0,20 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,140	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,116	0,20 - 1,30	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,649	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,649	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,547	0,50 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,161	0,07 - 0,80	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,122	0,02 - 1,00	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,114	0,00 - 0,07	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,096	0,03 - 0,30	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,025	0,00 - 0,01	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,022	0,01 - 0,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,020	0,10 - 0,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,016	0,07 - 0,80	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,04	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,50	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,529

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Enterobacter	Pseudomonadota	0,973	0,10 - 0,50	neutral
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,434	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,088	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus mundtii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Tetragenococcus halophilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Hafnia alvei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 1,571

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Segatella copri	Bacteroidota	1,465	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	1,465	1,00 - 7,01	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,724	0,00 - 0,10	neutral
Prevotella	Bacteroidota	0,218	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,088	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,008	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium formicaceticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Serratia marcescens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium scatologenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Mobiluncus curtisii	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Raoultella terrigena	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 17,126

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	4,133	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	4,133	1,00 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,041	0,50 - 4,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	1,465	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	1,465	1,00 - 7,01	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,364	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,075	0,08 - 0,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,047	5,00 - 15,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,698	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,676	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,540	0,25 - 2,80	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,318	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,298	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,196	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,123	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,123	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,104	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,095	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,086	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,069	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,044	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,008	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,007	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,004	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,003	2,00 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,20	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Succinivibrio dextrinosolvens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,818*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,794	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,022	0,01 - 1,50	neutral
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,022	0,01 - 1,50	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,002	0,00 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,813*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,547	0,50 - 1,00	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,117	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,074	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,034	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,016	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,011	0,01 - 0,10	confiable
Finnegoldia magna	Bacillota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium pseudolongum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Limosilactobacillus mucosae	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 0,726*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,683	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,043	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 9,870

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,770	0,70 - 2,70	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,598	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	1,486	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	1,133	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,047	5,00 - 15,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,707	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,683	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,547	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,434	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,318	0,50 - 1,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,096	0,03 - 0,30	confiable
Shigella	Pseudomonadota	0,057	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium	Bacillota	0,051	0,20 - 1,00	neutral
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 8,703

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	1,364	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	1,133	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,075	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,794	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	0,683	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,676	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,579	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,547	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,434	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,298	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,104	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,095	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,086	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,069	0,25 - 2,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,062	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,039	0,00 - 0,01	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,037	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,017	0,00 - 0,10	neutral
Propionibacterium	Actinomycetota	0,014	0,00 - 0,01	neutral
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,014	1,00 - 2,00	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,012	0,00 - 0,07	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,010	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,008	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,007	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,315

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,140	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,116	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,096	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,051	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,025	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,025	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,020	0,10 - 0,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,434

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,434	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,010

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,724	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,017	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae subsp. cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Hafnia alvei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,009

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,011	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus siamensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus dafuensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,570

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,140	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	1,116	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,434	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,020	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 12,976

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	4,041	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	1,598	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	1,133	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,075	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,794	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,698	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	0,683	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,547	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,540	0,25 - 2,80	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,479	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,318	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,298	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,095	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,086	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,051	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Levilactobacillus brevis	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,009*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,011	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Corynebacterium	Actinomycetota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus subtilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus mycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus siamensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus dafuensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,115*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,088	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,50	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Hafnia alvei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 1,360

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,471	0,08 - 2,45	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,434	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,261	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,104	0,00 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,088	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 5,074*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	1,360	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	1,075	0,08 - 0,30	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,471	0,08 - 2,45	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,450	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,318	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,298	0,08 - 0,30	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,281	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,244	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,095	0,18 - 0,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,088	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,086	0,10 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,028	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,008	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,007	0,00 - 0,02	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,006	0,10 - 2,80	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,006	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Pyramidobacter piscolens	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulforhamulus ruminis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Oleidesulfovibrio alaskensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Candidatus Desulfovibrio trichonymphae	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfocapsa sulfexigens	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Desulfobacula toluolica	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfuromonas soudanensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Desulfitobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,10

Porcentaje relativo de archaea: 23,02

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	21,400	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	1,116	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,101	0,00 - 0,01	confiable
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,101	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,101	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,101	0,00 - 0,07	confiable
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,101	0,00 - 0,07	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403214338

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403214338

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	8,085	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	26,935	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	16,022	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	4,222	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora*	5,976	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	27,608	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	21,044	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	10,748	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,915	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,003	0 - 6
Microbiota productora de Succinato*	47,179	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,701	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	1,448	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	4,449	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma*	5,284	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	9,799	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	0,816	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,889	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,001	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,472	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	8,085	20 - 50
Microbiota productora de GABA	24,181	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,399	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	2,471	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	6,085	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,046	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 8,085*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Flavonifractor plautii	Bacillota	2,406	0,20 - 1,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,975	0,20 - 1,40	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,582	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,577	0,20 - 1,30	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,574	0,00 - 0,01	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,492	0,00 - 0,50	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,487	1,00 - 10,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,334	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,326	5,00 - 15,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,273	1,00 - 3,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,267	0,50 - 5,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,196	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,144	0,20 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,123	0,01 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,080	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,080	0,50 - 2,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,073	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,070	0,70 - 2,70	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,064	0,00 - 1,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,062	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,059	0,10 - 1,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,056	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,056	1,00 - 5,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,039	0,10 - 1,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,038	0,10 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,035	0,50 - 1,00	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,033	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,029	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,025	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,017	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,014	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,010	0,10 - 1,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,009	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,008	0,25 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,006	0,10 - 0,70	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,002	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,002	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 26,935*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	26,819	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,116	0,50 - 4,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 16,022

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	8,189	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	4,736	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,043	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,813	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,116	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,064	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,060	0,10 - 0,50	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 4,222*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium	Actinomycetota	2,379	0,50 - 1,00	neutral
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	1,605	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,668	0,08 - 2,45	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,468	0,01 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,448	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,250	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,217	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,217	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,196	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,137	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,123	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,116	0,50 - 4,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,109	0,10 - 0,50	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,092	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,076	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,059	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,035	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,029	0,00 - 0,10	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,027	0,10 - 1,00	neutral
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,025	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,019	0,01 - 0,05	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,017	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,014	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,013	0,10 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,009	0,00 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,008	0,00 - 0,05	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,008	0,01 - 0,74	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 5,976*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	1,605	0,10 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,889	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,668	0,08 - 2,45	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,448	0,01 - 0,04	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,347	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,347	1,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,250	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,217	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,217	0,30 - 2,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,198	0,50 - 2,30	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,196	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,144	0,20 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,130	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,109	0,10 - 0,50	neutral
Blautia producta	Bacillota	0,097	0,07 - 0,80	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,092	0,01 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,080	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,080	0,50 - 2,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,076	0,01 - 0,10	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,070	0,70 - 2,70	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,065	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,065	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,060	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,059	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,029	0,00 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,025	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,017	0,10 - 5,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,010	0,01 - 0,30	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,009	0,00 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,008	0,00 - 0,05	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,003	0,07 - 0,80	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 27,608

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	8,189	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	4,736	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,539	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,043	0,50 - 5,00	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	2,022	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	1,048	0,50 - 2,50	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,813	0,50 - 4,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,574	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,447	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,435	0,08 - 0,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,347	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,347	1,00 - 5,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,334	0,10 - 1,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,274	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,254	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,223	0,25 - 2,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,217	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,217	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,207	0,18 - 0,80	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,196	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,130	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,126	0,50 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,123	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,116	0,50 - 4,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,097	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,080	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,080	0,50 - 2,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,065	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,060	0,10 - 0,50	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,057	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,057	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,050	1,00 - 8,00	neutral
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,025	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,024	0,10 - 0,80	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,023	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,019	0,20 - 1,00	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,017	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,014	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,013	0,10 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,012	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,012	0,50 - 5,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,010	0,01 - 0,30	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,009	0,00 - 1,00	confiable

Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,009	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,008	0,01 - 0,74	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,001	0,10 - 2,80	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 21,044

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	8,189	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	4,736	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,539	0,18 - 0,80	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,975	0,20 - 1,40	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,889	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,468	0,01 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,448	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,447	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,435	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,223	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,207	0,18 - 0,80	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,166	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,109	0,10 - 0,50	neutral
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,107	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,076	0,01 - 0,10	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,070	0,00 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,059	0,20 - 1,00	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,042	0,00 - 0,01	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,026	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,024	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,024	0,10 - 0,80	confiable
Parabacteroides sp. CT06	Bacteroidota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Enterobacter	Pseudomonadota	0,002	0,10 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Olsenella uli	[F][p] Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium cochlearium	[F][p] Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Citrobacter koseri	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus infantis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 10,748

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	8,189	0,50 - 4,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,582	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,577	0,20 - 1,30	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,448	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,447	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,217	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,217	0,30 - 2,00	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,166	0,00 - 0,07	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,144	0,20 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,130	0,07 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,097	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,070	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,064	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,060	0,10 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,026	0,00 - 0,01	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,022	0,02 - 1,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,013	0,00 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,010	0,01 - 0,30	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,007	0,01 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,006	0,10 - 0,70	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,915

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,889	0,10 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,019	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,002	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tetragenococcus halophilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,003

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Prevotella	Bacteroidota	0,050	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Emergencia timonensis	Bacillota	0,001	0,01 - 1,00	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium formicaceticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 47,179*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	26,819	2,00 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	8,189	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	4,736	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,539	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,813	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,574	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,435	0,08 - 0,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,347	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,347	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,326	5,00 - 15,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,223	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,207	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,198	0,50 - 2,30	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,060	0,10 - 0,50	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,057	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,057	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,042	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,036	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,024	0,10 - 0,80	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,012	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,012	0,50 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,009	0,00 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,20	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,000	1,00 - 7,01	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,701*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,550	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,116	0,50 - 4,00	confiable
Dialister hominis	Bacillota	0,015	0,10 - 1,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,010	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,010	0,01 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,448

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,448	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,447	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,250	0,10 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,097	0,07 - 0,80	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,088	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,076	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,008	0,00 - 0,05	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,007	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium animalis	Actinomycetota	0,006	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 4,449

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Flavonifractor plautii	Bacillota	2,406	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,043	0,50 - 5,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 5,284*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,043	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,889	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,574	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,447	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,326	5,00 - 15,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,274	0,50 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,267	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,144	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,126	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,070	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,064	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,060	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,059	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,006	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 9,799

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,539	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,043	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,889	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,813	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,487	1,00 - 10,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,447	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,435	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,223	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,207	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,126	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,116	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,060	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,046	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,036	0,30 - 2,70	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,024	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,024	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,019	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,014	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,014	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,010	0,00 - 0,10	neutral
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,07	confiable
Fusobacterium ulcerans ATCC 49185	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 0,816

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,582	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,577	0,20 - 1,30	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,065	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,065	0,30 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,064	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,059	0,20 - 1,00	neutral
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,006	0,10 - 0,70	confiable
Lactobacillus delbrueckii subsp. bulgaricus	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Desulfitobacterium dehalogenans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,889

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,889	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,010	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,472

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,889	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,582	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,577	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,006	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 24,181

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	8,189	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	4,736	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,539	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	2,043	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	1,605	0,10 - 0,50	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,965	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,574	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,447	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,435	0,08 - 0,30	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	0,274	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,250	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,198	0,50 - 2,30	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,137	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,126	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,119	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,116	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,060	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,024	0,10 - 0,80	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,019	0,01 - 0,05	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,008	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium angulatum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Lactobacillus delbrueckii	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus amyloliquefaciens	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,399*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,250	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,137	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,008	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 2,471

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,889	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,668	0,08 - 2,45	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,574	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,254	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,070	0,00 - 0,50	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,014	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 6,085*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	3,539	0,18 - 0,80	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,668	0,08 - 2,45	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,574	0,50 - 1,50	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,447	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,435	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,207	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,083	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,051	0,18 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,042	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,024	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,001	0,10 - 2,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulfovibrio sp. G11	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pyramidobacter piscolens	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfosudis oleivorans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium dehalogenans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Treponema	Spirochaetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,05

Porcentaje relativo de archaea: 13,67

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanosphaera stadtmanae	Euryarchaeota	12,658	0,00 - 0,07	confiable
Methanohalophilus portucalensis	Euryarchaeota	0,253	0,00 - 0,07	posible
Methanobacterium paludis	Euryarchaeota	0,253	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,253	0,00 - 0,07	confiable
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,253	0,00 - 0,07	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403214436

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403214436

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,035	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	2,223	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	10,362	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	5,062	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	15,985	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	35,242	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	11,815	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	13,073	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,196	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,069	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	20,596	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	3,448	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	1,646	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	2,369	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	15,963	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	10,294	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	2,451	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,160	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,000	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	2,092	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,035	20 - 50
Microbiota productora de GABA	19,267	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,234	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	1,918	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	4,849	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,042	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 16,035*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Roseburia intestinalis	Bacillota	3,252	0,70 - 2,70	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	2,070	0,20 - 1,40	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	2,000	5,00 - 15,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,914	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,239	0,10 - 0,70	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,006	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,002	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,002	0,50 - 2,00	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,693	0,20 - 1,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,658	0,20 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,574	0,01 - 0,10	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,501	1,00 - 3,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,474	0,00 - 0,10	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,421	0,10 - 0,50	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,232	0,00 - 1,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,183	0,00 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,180	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,173	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,142	0,00 - 0,10	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,141	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,141	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,130	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,116	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,111	0,10 - 1,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,093	0,20 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,090	0,10 - 1,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,087	0,10 - 0,50	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,077	0,10 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,068	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,036	0,50 - 1,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,036	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,020	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,015	0,50 - 5,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,014	0,25 - 1,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,010	1,00 - 10,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,009	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,009	1,00 - 5,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,009	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,007	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,004	1,00 - 5,00	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable

Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 2,223*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,886	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,337	2,00 - 5,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 10,362

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,140	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,276	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,886	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,443	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,344	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,208	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,065	0,10 - 0,50	confiable
Mucispirillum schaedleri	Deferribacterota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 5,062*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,886	0,50 - 4,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	1,150	0,50 - 1,00	neutral
Blautia obeum	Bacillota	0,622	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,622	0,30 - 2,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,574	0,01 - 0,10	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,454	0,08 - 2,45	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,421	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,254	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,208	0,01 - 0,50	neutral
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,174	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,130	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,116	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,111	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,070	0,01 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,066	0,01 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,036	0,50 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	neutral
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,021	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,020	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,020	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,015	0,50 - 5,00	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,015	0,10 - 1,00	neutral
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,012	0,00 - 0,05	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,011	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,007	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,007	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,007	0,01 - 0,04	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,004	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,74	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Weissella	Bacillota	0,001	0,01 - 5,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	posible
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Weissella hellenica	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	posible
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Lactocaseibacillus casei	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Carnobacterium maltaromaticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 15,985

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	7,297	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	7,297	1,00 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	3,252	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,002	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,002	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,658	0,20 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,622	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,622	0,30 - 2,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,454	0,08 - 2,45	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,421	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,399	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,370	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,254	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,174	0,10 - 0,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,159	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,142	0,50 - 2,30	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,130	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,116	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,111	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,070	0,01 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,066	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,065	0,10 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,040	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,040	0,30 - 2,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	neutral
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,020	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,020	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,015	0,50 - 5,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,014	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,012	0,00 - 0,05	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,008	0,01 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,007	0,01 - 0,30	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,007	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,007	0,01 - 0,04	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,005	0,07 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,004	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,001	0,01 - 5,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	posible
Lactocaseibacillus casei	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 35,242

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	7,297	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	7,297	1,00 - 5,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	4,196	0,50 - 2,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,140	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	3,512	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,276	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,886	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,580	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,443	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,335	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	1,185	0,00 - 0,01	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,002	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,002	0,50 - 2,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,622	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,622	0,30 - 2,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,574	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,574	0,50 - 5,00	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,483	0,10 - 5,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,421	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,399	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,370	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,344	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,163	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,163	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,144	0,08 - 0,30	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,070	0,01 - 0,50	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,068	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,065	0,10 - 0,50	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,057	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,042	0,18 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,040	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,031	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,029	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,028	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,023	0,02 - 0,20	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,021	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,017	0,20 - 1,00	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,017	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,017	0,00 - 0,10	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,017	1,00 - 8,00	neutral
Ruminococcus albus	Bacillota	0,017	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,017	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,015	0,50 - 5,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,012	0,01 - 0,50	confiable

Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,011	0,10 - 5,00	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,009	0,00 - 0,01	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,008	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,008	0,10 - 0,80	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,008	0,01 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,007	0,01 - 0,30	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,007	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,005	0,05 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,004	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,004	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,74	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,001	0,01 - 5,00	neutral
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 11,815

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	4,140	0,50 - 4,00	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	2,070	0,20 - 1,40	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,580	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	1,443	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	1,335	0,50 - 1,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,208	0,01 - 0,50	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,159	0,10 - 0,50	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,148	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,144	0,08 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,089	0,20 - 1,00	neutral
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,061	0,00 - 0,50	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,060	0,00 - 0,01	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,049	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,042	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,031	0,25 - 2,00	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,028	0,08 - 0,30	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,023	0,02 - 0,20	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,020	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,020	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,008	0,10 - 0,80	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,007	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,005	0,05 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides sp. CT06	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,001	0,10 - 0,50	neutral
Fusobacterium nucleatum	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	posible
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Olsenella uli	[F][p] Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium varium	[F][p] Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Selenomonas ruminantium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

Lancefieldella		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella aerogenes	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus cereus		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomyoides		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus tequilensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Veillonella parvula	[f][p]	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	posible
Clostridium cochlearium	[F][p]	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Metabacillus sediminilitoris		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Klebsiella quasipneumoniae		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas fragi		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 13,073

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,140	0,50 - 4,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	3,252	0,70 - 2,70	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,914	0,40 - 3,00	neutral
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,335	0,50 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,239	0,10 - 0,70	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,693	0,20 - 1,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,658	0,20 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,622	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,622	0,30 - 2,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,399	0,07 - 0,80	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,208	0,03 - 0,30	confiable
Enterocloster boltea	Bacillota	0,148	0,00 - 0,07	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,090	0,10 - 1,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,075	0,02 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,065	0,10 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,049	0,00 - 0,01	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,020	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,020	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,012	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,007	0,02 - 0,20	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,007	0,01 - 0,30	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,007	0,00 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,007	0,01 - 0,04	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,004	0,07 - 0,80	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lentilactobacillus buchneri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactacaseibacillus casei	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,196

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,159	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,001	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Lentilactobacillus buchneri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lentilactobacillus hilgardii	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Lacticaseibacillus casei	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,069

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,035	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,017	1,00 - 8,00	neutral
Emergencia timonensis	Bacillota	0,013	0,01 - 1,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tissierella	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium formicaceticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Hathewayia	Bacillota	0,000	0,00 - 1,00	neutral
Hathewayia histolytica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Clostridium scatologenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Mobiluncus curtisii	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 20,596

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	7,297	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	7,297	1,00 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,140	0,50 - 4,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	2,000	5,00 - 15,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,580	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,443	0,25 - 2,80	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,918	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,837	0,30 - 2,70	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,370	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,344	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,337	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,163	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,163	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,144	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,142	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,065	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,042	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,031	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,028	0,08 - 0,30	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,026	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,023	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,017	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,017	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,012	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,008	0,10 - 0,80	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,008	0,01 - 1,00	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,006	0,01 - 0,20	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,005	0,05 - 0,50	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,001	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 3,448

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,886	0,50 - 4,00	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	1,554	0,00 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,004	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,004	0,01 - 1,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	posible

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,646

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,335	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,174	0,10 - 0,50	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,057	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,021	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,020	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,016	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,012	0,00 - 0,05	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,007	0,01 - 0,04	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,004	0,07 - 0,80	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Streptococcus intermedius	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 2,369

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,276	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,093	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 15,963

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	3,512	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	3,252	0,70 - 2,70	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,276	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	2,000	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,335	0,50 - 1,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,006	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,918	0,50 - 1,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,658	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,574	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,208	0,03 - 0,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,159	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,089	0,20 - 1,00	neutral
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,065	0,10 - 0,50	confiable
Shigella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 10,294

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,276	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	1,886	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,580	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	1,335	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,837	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,574	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,344	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,289	1,00 - 2,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,159	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,144	0,08 - 0,30	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,090	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,087	0,00 - 0,01	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,066	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,065	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,042	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,031	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,028	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,023	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,017	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,010	1,00 - 10,00	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,010	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,008	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,005	0,05 - 0,50	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,07	confiable
Fusobacterium varium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium animalis	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Oxalobacter formigenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Fusobacterium ulcerans ATCC 49185	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 2,451

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,914	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,239	0,10 - 0,70	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,693	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,208	0,03 - 0,30	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,190	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,089	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,040	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,040	0,30 - 2,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,020	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,020	0,00 - 0,10	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,160

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,159	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lentilactobacillus hilgardii	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,035	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	neutral
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomyoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 2,092

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,914	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,239	0,10 - 0,70	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,693	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,159	0,10 - 0,50	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 19,267

Especies / Subespecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	3	Bacteroidota	4,140	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	2	Bacteroidota	3,512	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	3	Bacteroidota	2,276	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1	Bacteroidota	1,886	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	1,580	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	3	Bacteroidota	1,443	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides ovatus	1	Bacteroidota	1,335	0,50 - 1,00	confiable
Parabacteroides merdae		Bacteroidota	0,918	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens		Bacteroidota	0,574	0,50 - 5,00	confiable
Dorea longicatena		Bacillota	0,330	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium adolescentis		Actinomycetota	0,254	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum		Actinomycetota	0,174	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	0,144	0,08 - 0,30	confiable
Parabacteroides distasonis	3	Bacteroidota	0,142	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides fragilis	1	Bacteroidota	0,065	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242		Bacteroidota	0,028	0,08 - 0,30	confiable
Eubacterium callanderi		Bacillota	0,020	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,015	0,01 - 0,30	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum		Actinomycetota	0,012	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes senegalensis		Bacteroidota	0,008	0,10 - 0,80	confiable
Eubacterium limosum		Bacillota	0,007	0,02 - 0,20	confiable
Bifidobacterium angulatum		Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus		Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum		Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis		Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Lentilactobacillus hilgardii		Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Staphylococcus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,50	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Metabacillus sediminilitoris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus pseudomycoides	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,234*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,174	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,012	0,00 - 0,05	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,007	0,00 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 1,918

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	1,185	0,00 - 0,01	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,454	0,08 - 2,45	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,159	0,10 - 0,50	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,061	0,00 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,017	0,00 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,009	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 4,849

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,580	0,18 - 0,80	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,968	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,918	0,50 - 1,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,454	0,08 - 2,45	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,262	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,190	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,144	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,042	0,18 - 0,80	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,028	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,023	0,02 - 0,20	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,020	0,00 - 0,01	neutral
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,008	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,008	0,10 - 0,80	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,005	0,00 - 0,01	neutral
Treponema	Spirochaetota	0,002	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Pyramidobacter piscicolens	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulforhamulus ruminis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotalea psychrophila	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,04

Porcentaje relativo de archaea: 7,34

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	5,367	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,282	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,282	0,00 - 0,07	posible
Methanohalobium evestigatum	Euryarchaeota	0,282	0,00 - 0,07	posible
Methanospirillum hungatei	Euryarchaeota	0,282	0,00 - 0,07	neutral
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,282	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,282	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,282	0,00 - 0,01	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403214437

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403214437

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	7,417	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,724	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	23,979	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	2,345	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	11,172	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	37,332	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	14,792	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	15,543	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	1,388	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,014	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	23,370	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,727	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	1,434	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras*	6,955	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma*	20,024	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	17,001	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,295	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)*	1,369	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,001	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,981	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	7,417	20 - 50
Microbiota productora de GABA	28,187	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,000	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,341	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	2,189	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	1,509	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,049	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 7,417*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Roseburia intestinalis	Bacillota	3,521	0,70 - 2,70	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,616	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,610	0,20 - 1,30	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,558	0,00 - 0,01	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,543	0,20 - 1,40	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,416	0,20 - 1,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,359	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,297	0,20 - 1,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,224	0,00 - 0,50	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,189	0,10 - 1,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,121	0,00 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,087	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,078	0,50 - 1,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,057	0,50 - 5,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,039	0,10 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,034	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,030	5,00 - 15,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,030	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,030	0,50 - 2,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,028	0,50 - 5,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,027	1,00 - 3,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,020	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,020	1,00 - 10,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,010	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,007	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,003	0,25 - 1,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,002	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,002	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,50	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,724*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,695	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,029	2,00 - 5,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 23,979

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	7,982	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,539	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	5,438	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	2,608	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,695	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,613	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,104	0,10 - 0,50	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 2,345*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium	Actinomycetota	1,028	0,50 - 1,00	neutral
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,695	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,645	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,645	0,30 - 2,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,355	0,01 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,291	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,173	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,136	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,095	0,01 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,078	0,50 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,040	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,028	0,50 - 5,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,026	0,10 - 1,00	neutral
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,020	0,01 - 0,10	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,05	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,50	neutral
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,012	0,10 - 0,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,012	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,010	1,00 - 5,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,009	0,01 - 0,10	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,009	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,007	0,10 - 5,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,004	0,08 - 2,45	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,003	0,10 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,74	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Lactobacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Weissella hellenica	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 11,172

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Roseburia intestinalis	Bacillota	3,521	0,70 - 2,70	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	1,842	0,01 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,367	0,10 - 0,50	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,645	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,645	0,30 - 2,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,421	0,50 - 2,30	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,334	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,297	0,20 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,291	0,01 - 0,04	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,258	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,173	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,136	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,104	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,095	0,01 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,089	0,01 - 0,30	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,040	0,10 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,030	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,030	0,50 - 2,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,028	0,50 - 5,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,014	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,50	neutral
Blautia producta	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,012	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,009	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,007	0,10 - 5,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,007	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,004	0,07 - 0,80	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,004	0,08 - 2,45	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 37,332

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	7,982	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,539	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	5,438	0,50 - 4,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	4,737	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	2,608	0,25 - 2,80	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	1,842	0,01 - 1,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	1,189	0,50 - 5,00	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,832	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,702	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,695	0,50 - 4,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,645	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,645	0,30 - 2,00	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,558	0,00 - 0,01	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,334	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,332	0,18 - 0,80	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,258	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,206	0,08 - 0,30	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,124	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,124	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,104	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,090	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,089	0,01 - 0,30	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,087	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,063	0,18 - 0,80	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,048	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,044	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,040	0,10 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,030	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,030	0,50 - 2,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,028	0,50 - 5,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,021	0,08 - 0,30	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,021	0,00 - 0,10	neutral
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,021	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,020	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,012	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,011	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,010	1,00 - 5,00	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,009	0,00 - 0,10	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,005	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,005	1,00 - 7,01	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,00	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,003	1,00 - 8,00	neutral
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable

Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,003	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,003	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,002	0,50 - 2,50	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,002	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,74	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 14,792

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	7,982	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	2,608	0,25 - 2,80	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	1,367	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,702	0,50 - 1,00	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,543	0,20 - 1,40	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,355	0,01 - 0,50	neutral
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,332	0,18 - 0,80	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,291	0,01 - 0,04	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,266	0,00 - 0,07	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,228	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,206	0,08 - 0,30	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,110	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,063	0,18 - 0,80	confiable
Clostridium	Bacillota	0,037	0,20 - 1,00	neutral
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,021	0,08 - 0,30	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,019	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,50	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,012	0,00 - 0,01	confiable
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,012	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,011	0,02 - 0,20	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,009	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,00	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Olsenella uli	[F][p] Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	[F] Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,002	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella michiganensis	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Lancefieldella	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Parabacteroides sp. CT06	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Fusobacterium nucleatum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Citrobacter pasteurii		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter hormaechei		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus cereus		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Megasphaera stantonii		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella quasipneumoniae		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus infantis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Alistipes sp. dk3624		Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Selenomonas ruminantium		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 15,543

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	7,982	0,50 - 4,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	3,521	0,70 - 2,70	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,702	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,645	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,645	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,616	0,40 - 3,00	neutral
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,613	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,610	0,20 - 1,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,297	0,20 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,291	0,01 - 0,04	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,266	0,00 - 0,07	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,258	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,104	0,10 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,089	0,01 - 0,30	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,058	0,02 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,017	0,00 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,012	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,003	0,00 - 0,10	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Limosilactobacillus fermentum	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 1,388

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,367	0,10 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,05	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,002	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium perfringens	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lentilactobacillus parabuchneri	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,014

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,035	0,00 - 0,10	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,005	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,005	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,003	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 23,370

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	7,982	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	5,438	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	2,608	0,25 - 2,80	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	1,842	0,01 - 1,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	1,333	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,866	0,50 - 1,50	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,724	0,10 - 1,00	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,712	0,00 - 0,01	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,421	0,50 - 2,30	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,334	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,332	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,206	0,08 - 0,30	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,124	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,124	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,104	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,063	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,040	0,30 - 2,70	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,030	5,00 - 15,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,029	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,021	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,011	0,02 - 0,20	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,005	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,005	1,00 - 7,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,20	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Succinivibrio dextrinosolvens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,727*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,695	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,012	0,01 - 1,50	neutral
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,012	0,01 - 1,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,012	0,01 - 0,05	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,005	0,00 - 1,50	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,003	0,00 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,434

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,702	0,50 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,291	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,173	0,10 - 0,50	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,127	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,092	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,026	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,009	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 6,955*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,539	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,416	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 20,024*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,539	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	4,737	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	3,521	0,70 - 2,70	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,367	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	1,189	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,866	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,702	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,613	0,03 - 0,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,297	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,104	0,10 - 0,50	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,057	0,50 - 5,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,037	0,20 - 1,00	neutral
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,030	5,00 - 15,00	confiable
Shigella	Pseudomonadota	0,009	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 17,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	6,539	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	5,438	0,50 - 4,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,367	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	1,189	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,702	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,695	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,332	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,206	0,08 - 0,30	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,118	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,104	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,063	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,059	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,043	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,040	0,30 - 2,70	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,034	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,021	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,020	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,011	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,004	0,25 - 2,00	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,002	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Cutibacterium acnes	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,07	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,295

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,616	0,40 - 3,00	neutral
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,613	0,03 - 0,30	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,610	0,20 - 1,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,037	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,030	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 1,369*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,367	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,035	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Acinetobacter radioresistens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,981

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,367	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,616	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,610	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,004	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 28,187

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	7,982	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	6,539	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	4,737	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	2,608	0,25 - 2,80	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	1,564	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	1,189	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,866	0,50 - 1,50	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,702	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,695	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,421	0,50 - 2,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,332	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,206	0,08 - 0,30	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,173	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,104	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,021	0,08 - 0,30	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,05	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,012	0,10 - 0,50	confiable
Lactocaseibacillus paracasei	Bacillota	0,004	0,06 - 0,10	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,000*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,341*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,173	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,136	0,10 - 0,50	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,017	0,00 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,002	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 2,189

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,367	0,10 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,558	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,228	0,00 - 0,50	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,028	0,00 - 0,10	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,004	0,08 - 2,45	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Zymomonas mobilis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,509

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,866	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,332	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,206	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,063	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,021	0,08 - 0,30	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,019	0,00 - 0,01	neutral
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,004	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,003	0,10 - 0,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,002	0,00 - 0,01	neutral
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,001	0,05 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pyramidobacter piscicolens	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Desulforamulus ruminis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,05

Porcentaje relativo de archaea: 0,93

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanocorpusculum labreanum Z	Euryarchaeota	0,132	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,132	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	0,132	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,132	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,132	0,00 - 0,07	confiable
Methanosphaera sp. BMS	Euryarchaeota	0,132	0,00 - 0,07	posible
Methanosphaera stadtmannae	Euryarchaeota	0,132	0,00 - 0,07	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403214451

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403214451

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	18,843	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	2,384	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	8,888	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	10,454	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	17,884	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	27,828	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	14,797	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	9,695	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,925	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,040	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	24,185	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,293	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	3,584	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	2,396	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	12,421	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	10,999	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,061	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,920	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,021	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,677	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	18,843	20 - 50
Microbiota productora de GABA	19,627	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,001	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal	2,352	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol*	4,542	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	8,713	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano*	0,682	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 18,843*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	4,586	5,00 - 15,00	confiable
Wujiangia chipingensis	Bacillota	2,951	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,611	0,70 - 2,70	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	1,437	0,00 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	1,077	0,10 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,050	0,50 - 5,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,764	0,40 - 3,00	neutral
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,722	0,20 - 1,40	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,630	0,20 - 1,00	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,587	0,20 - 1,30	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,369	0,00 - 1,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,358	0,20 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,353	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,315	0,00 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,311	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,311	0,50 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,278	0,10 - 0,50	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,255	1,00 - 3,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,252	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,213	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,170	0,10 - 0,70	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,131	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,127	0,10 - 5,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,113	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,107	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,103	0,00 - 0,10	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,082	0,10 - 1,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,062	0,50 - 5,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,056	0,10 - 0,50	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,049	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,049	1,00 - 5,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,036	0,50 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,014	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,014	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,014	1,00 - 10,00	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,008	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,007	0,25 - 1,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium duncaniae	Bacillota	0,000	1,00 - 4,00	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Lactiseibacillus rhamnosus

Bacillota

0,000

0,01 - 1,00

confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 2,384*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	2,150	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,234	0,50 - 4,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 8,888

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,103	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,766	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,488	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,835	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,350	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,234	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,112	0,03 - 0,30	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 10,454

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium	Actinomycetota	5,554	0,50 - 1,00	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	3,482	0,08 - 2,45	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	1,409	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	1,342	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,329	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,329	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,918	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,441	0,01 - 0,04	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,353	0,00 - 0,10	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,278	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,234	0,50 - 4,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,213	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,127	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,107	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,086	0,01 - 0,50	neutral
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,062	0,50 - 5,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,043	0,01 - 0,50	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,036	0,50 - 1,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,020	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,011	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,011	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,006	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,74	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Lactacaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Lentilactobacillus kefir	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 17,884

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	3,482	0,08 - 2,45	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	3,201	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	3,201	1,00 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,611	0,70 - 2,70	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	1,409	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	1,342	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,329	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,329	0,30 - 2,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,920	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,918	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,441	0,01 - 0,04	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,415	0,50 - 2,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,358	0,20 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,353	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,350	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,311	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,311	0,50 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,278	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,213	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,148	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,127	0,10 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,087	0,07 - 0,80	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,062	0,50 - 5,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,043	0,01 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,020	0,01 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,015	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,011	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,011	0,10 - 0,50	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,004	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,003	0,07 - 0,80	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus saerimneri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactacaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 27,828

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,103	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	3,201	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	3,201	1,00 - 5,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	2,951	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,766	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,488	0,25 - 2,80	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,444	0,50 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,329	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,329	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	1,275	0,25 - 2,00	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	1,154	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,123	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,835	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,373	0,08 - 0,30	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,363	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,350	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,311	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,311	0,50 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,278	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,234	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,159	0,50 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,148	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,130	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,130	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,129	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,123	0,05 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,107	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,100	0,02 - 0,20	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,087	0,07 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,080	0,10 - 0,80	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,073	0,50 - 2,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,062	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,059	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,045	0,18 - 0,80	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,043	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,040	0,00 - 0,01	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,038	0,00 - 0,10	neutral
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,038	0,00 - 0,10	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,036	0,05 - 0,50	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,019	0,01 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,018	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,018	1,00 - 7,01	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,015	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,014	0,20 - 1,00	confiable

Prevotella	Bacteroidota	0,014	1,00 - 8,00	neutral
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,008	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,008	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,004	0,00 - 0,10	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,003	0,10 - 2,80	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,74	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Lactacaseibacillus rhamnosus	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 14,797

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	4,103	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	1,488	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	1,275	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,123	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,920	0,10 - 0,50	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,722	0,20 - 1,40	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,441	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,373	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,159	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,130	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,130	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,129	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,123	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,100	0,02 - 0,20	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,098	0,00 - 0,07	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,086	0,01 - 0,50	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,080	0,10 - 0,80	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,079	0,00 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,045	0,18 - 0,80	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,039	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,036	0,05 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,031	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium	Bacillota	0,025	0,20 - 1,00	neutral
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,021	0,00 - 0,02	confiable
Selenomonas ruminantium	Bacillota	0,011	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,011	0,10 - 0,50	neutral
Campylobacter	Campylobacterota	0,010	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,008	0,10 - 0,50	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,006	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,006	0,50 - 1,00	neutral
Acidaminococcus fermentans	Bacillota	0,005	0,00 - 0,04	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Lancefieldella	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

Bacillus cereus		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Veillonella parvula	[f][p]	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium cochlearium	[F][p]	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella michiganensis		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 9,695

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,103	0,50 - 4,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,611	0,70 - 2,70	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,329	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,329	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,764	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,587	0,20 - 1,30	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,441	0,01 - 0,04	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,358	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,350	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,170	0,10 - 0,70	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,159	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,112	0,03 - 0,30	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,098	0,00 - 0,07	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,087	0,07 - 0,80	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,082	0,10 - 1,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,041	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,041	0,00 - 0,10	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,031	0,00 - 0,01	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,025	0,02 - 1,00	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,019	0,01 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,018	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,015	0,07 - 0,80	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,925

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,920	0,10 - 0,50	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,008	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium perfringens	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus saerimneri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,040

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Segatella copri	Bacteroidota	0,018	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,018	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,014	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Hathewayia	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	neutral
Hathewayia histolytica	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacti	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Clostridium scatologenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 24,185

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	4,586	5,00 - 15,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,103	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	3,201	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	3,201	1,00 - 5,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	2,150	2,00 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	1,488	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	1,275	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,123	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,835	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,415	0,50 - 2,30	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,373	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,350	0,10 - 0,50	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,150	0,01 - 0,20	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,148	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,130	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,130	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,129	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,123	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,100	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,080	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,045	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,036	0,05 - 0,50	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,022	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,021	0,00 - 0,02	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,018	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,018	1,00 - 7,01	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,006	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,003	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,002	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,293*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,234	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,024	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,024	0,01 - 1,50	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,004	0,00 - 1,50	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 3,584

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	1,409	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,918	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,441	0,01 - 0,04	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,321	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,211	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,159	0,50 - 1,00	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,094	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,015	0,07 - 0,80	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,007	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium animalis	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudolongum	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 2,396

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,766	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,630	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 12,421

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	4,586	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,766	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	1,611	0,70 - 2,70	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,444	0,50 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,050	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,920	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,358	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,350	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,159	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,112	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,059	0,50 - 5,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,025	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,006	0,00 - 0,01	neutral
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,006	0,50 - 1,50	confiable
Salmonella	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,10	neutral
Faecalibacterium duncaniae	Bacillota	0,000	1,00 - 4,00	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 10,999

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,766	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	1,275	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,123	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,920	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,835	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,373	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,350	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,234	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,159	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,129	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,123	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,100	0,02 - 0,20	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,082	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,080	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,059	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,056	1,00 - 2,00	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,054	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,045	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,036	0,05 - 0,50	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,022	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,021	0,00 - 0,02	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,018	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,014	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,014	1,00 - 10,00	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,008	0,10 - 1,00	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,003	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,60	neutral
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,061

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,764	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,587	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,170	0,10 - 0,70	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,112	0,03 - 0,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,041	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,041	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,039	0,10 - 0,50	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,036	0,30 - 2,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,025	0,20 - 1,00	neutral
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,920

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,920	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,021

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,022	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,021	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Acinetobacter radioresistens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,006	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,006	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,677

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,920	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,764	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,587	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,170	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,006	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 19,627

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	4,103	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	1,766	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	1,488	0,25 - 2,80	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	1,444	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	1,409	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	1,342	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,123	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,918	0,10 - 0,50	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,813	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,415	0,50 - 2,30	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,373	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,350	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,234	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	0,159	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,130	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,130	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,129	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,080	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,059	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,036	0,05 - 0,50	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,006	0,50 - 1,50	confiable
Bifidobacterium angulatum	Actinomycetota	0,005	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Levilactobacillus brevis	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactobacillus delbrueckii	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	posible
Lactocaseibacillus paracasei	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,001*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,006	0,00 - 0,50	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,006	0,00 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,006	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Brevibacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 2,352

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	1,409	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,918	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,011	0,10 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Chromobacterium violaceum	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 4,542*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	3,482	0,08 - 2,45	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,920	0,10 - 0,50	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,079	0,00 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,040	0,00 - 0,01	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 8,713*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	3,482	0,08 - 2,45	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	1,554	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,123	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,373	0,08 - 0,30	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,297	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,129	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,080	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,045	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,036	0,05 - 0,50	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,021	0,00 - 0,02	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,010	0,00 - 0,01	neutral
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,006	0,50 - 1,50	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,004	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,05	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,003	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,003	0,02 - 0,20	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Pyramidobacter piscicola	Synergistota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio oralis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,68*

Porcentaje relativo de archaea: 80,89

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanosphaera stadtmanae	Euryarchaeota	47,437	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	32,761	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	0,513	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,064	0,00 - 0,01	confiable
Methanosarcina sp. MTP4	Euryarchaeota	0,026	0,00 - 0,07	confiable
Methanocorpusculum labreanum Z	Euryarchaeota	0,026	0,00 - 0,07	confiable
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,026	0,00 - 0,07	confiable
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,013	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,013	0,00 - 0,07	confiable
Candidatus Methanomethylophilus alvus	Euryarchaeota	0,013	0,00 - 0,01	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403224421

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403224421

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	8,881	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal	5,126	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	11,441	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	7,967	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora*	7,651	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	28,228	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	12,312	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	9,659	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	1,517	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,012	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	13,887	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	2,759	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	3,914	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	4,804	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	15,096	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	19,360	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,006	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,978	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,001	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,661	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	8,881	20 - 50
Microbiota productora de GABA	21,574	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,000	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal	1,562	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	2,823	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	6,385	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,046	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 8,881*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Lachnospira eligens	Bacillota	3,133	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,907	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,907	0,50 - 2,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,746	0,00 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,688	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,669	0,20 - 1,30	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,540	0,20 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,386	0,00 - 0,01	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,329	0,50 - 5,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,307	0,00 - 0,10	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,184	1,00 - 3,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,166	0,20 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,164	0,10 - 0,50	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,159	0,10 - 1,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,149	0,00 - 0,10	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,147	0,20 - 1,40	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,117	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,117	1,00 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,116	0,70 - 2,70	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,107	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,061	5,00 - 15,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,054	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,054	1,00 - 5,00	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,041	0,02 - 0,20	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,030	0,00 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,024	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,024	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,017	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,015	0,10 - 5,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,70	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,013	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,007	0,00 - 0,50	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,006	1,00 - 10,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,003	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,002	0,25 - 1,00	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,002	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 5,126

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,752	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	2,374	2,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 11,441

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,264	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	3,706	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,752	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,461	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,165	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,036	0,25 - 2,80	confiable
Mucispirillum schaedleri	Deferribacterota	0,000	0,00 - 0,10	posible

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 7,967

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,752	0,50 - 4,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	1,719	0,50 - 1,00	neutral
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	1,327	0,08 - 2,45	confiable
Enterococcus	Bacillota	1,186	0,10 - 0,50	neutral
Blautia obeum	Bacillota	1,089	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,089	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,928	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,545	0,01 - 0,50	neutral
Enterococcus durans	Bacillota	0,407	0,00 - 0,01	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,329	0,50 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,186	0,01 - 0,04	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,164	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,137	0,01 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,107	0,01 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,103	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,097	0,01 - 0,74	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,096	0,10 - 1,00	neutral
Lactococcus lactis	Bacillota	0,083	0,01 - 0,05	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,057	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,041	0,02 - 0,20	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,034	0,01 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,024	0,50 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,022	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,020	0,00 - 0,05	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,015	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,005	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Lactobacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Lactobacillus johnsonii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Limosilactobacillus reuteri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Weissella hellenica	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	confiable
Carnobacterium maltaromaticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 7,651*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	1,327	0,08 - 2,45	confiable
Enterococcus	Bacillota	1,186	0,10 - 0,50	neutral
Blautia obeum	Bacillota	1,089	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,089	0,30 - 2,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,978	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,928	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,907	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,907	0,50 - 2,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,439	0,50 - 2,30	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,373	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,373	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,329	0,50 - 5,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,186	0,01 - 0,04	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,166	0,20 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,164	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,137	0,01 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,116	0,70 - 2,70	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,103	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,057	0,01 - 0,10	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,055	0,07 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,048	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,043	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,034	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,020	0,00 - 0,05	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,015	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,011	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,008	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,005	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,005	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 28,228

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,264	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	3,706	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	3,363	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,752	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,570	0,50 - 1,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,113	0,50 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,089	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,089	0,30 - 2,00	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	1,045	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,043	0,18 - 0,80	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,907	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,907	0,50 - 2,00	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,888	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,621	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,621	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,461	0,50 - 4,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,386	0,00 - 0,01	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,373	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,373	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,363	0,50 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,329	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,307	0,05 - 0,50	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,298	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,267	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,171	0,05 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,164	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,107	0,01 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,103	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,097	0,01 - 0,74	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,081	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,081	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,055	0,07 - 0,80	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,052	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,052	0,00 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,048	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,043	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,042	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,036	0,25 - 2,80	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,034	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,030	0,08 - 0,30	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,025	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,023	0,18 - 0,80	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	0,018	0,50 - 2,50	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,015	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,014	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,014	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,010	0,00 - 0,10	confiable

Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,007	0,00 - 0,10	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,005	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,005	0,30 - 2,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,003	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,003	1,00 - 7,01	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,002	1,00 - 8,00	neutral
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,30	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 12,312

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	3,706	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	2,570	0,50 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	1,186	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,043	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,978	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,621	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,621	0,01 - 0,30	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,545	0,01 - 0,50	neutral
Morganella morganii	[F] Pseudomonadota	0,449	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,407	0,00 - 0,01	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,392	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,307	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,267	0,25 - 2,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,186	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,171	0,05 - 0,50	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,147	0,20 - 1,40	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,091	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,073	0,00 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,057	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium	Bacillota	0,044	0,20 - 1,00	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,042	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,036	0,25 - 2,80	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,034	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,030	0,08 - 0,30	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,023	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,023	0,18 - 0,80	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,019	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,003	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,30	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Olsenella uli	[F][p] Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Klebsiella oxytoca	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium nucleatum		Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium varium	[F][p]	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus thuringiensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus tequilensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus glycinifermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Acidaminococcus fermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,04	neutral

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 9,659

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	3,706	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,570	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	1,089	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	1,089	0,30 - 2,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,688	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,669	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,392	0,00 - 0,07	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,186	0,01 - 0,04	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,166	0,20 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,165	0,03 - 0,30	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,116	0,70 - 2,70	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,104	0,10 - 1,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,073	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,073	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,055	0,07 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,048	0,07 - 0,80	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,041	0,02 - 0,20	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,029	0,00 - 0,10	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,017	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,017	0,10 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,70	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,012	0,02 - 1,00	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Paenibacillus sordellii	Bacillota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 1,517

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,978	0,10 - 0,50	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,449	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,083	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,003	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Limosilactobacillus reuteri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lentilactobacillus parabuchneri	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	posible
Photobacterium phosphoreum	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,012

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,031	0,00 - 0,10	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,003	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,003	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,002	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,001	0,01 - 1,00	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium scatologenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Hatheway	Bacillota	0,000	0,00 - 1,00	neutral
Hatheway histolytica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 13,887

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	3,706	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	2,374	2,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	2,110	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,043	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,621	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,621	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,461	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,439	0,50 - 2,30	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,420	0,00 - 0,01	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,373	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,373	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,350	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,307	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,267	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,171	0,05 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,081	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,081	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,061	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,052	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,052	0,00 - 0,10	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,043	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,042	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,036	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,030	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,027	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,023	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,014	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,003	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,003	1,00 - 7,01	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,003	0,01 - 0,20	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,001	0,00 - 1,00	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 2,759

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,752	0,50 - 4,00	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,003	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,003	0,01 - 1,50	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,001	0,00 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 3,914

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,570	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,928	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,186	0,01 - 0,04	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,057	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,048	0,07 - 0,80	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,042	0,01 - 0,30	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,030	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,020	0,00 - 0,05	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,017	0,01 - 0,10	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,013	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,004	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 4,804

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,264	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,540	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 15,096

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,264	0,50 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	3,133	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,570	0,50 - 1,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	2,110	0,50 - 1,50	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,113	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,978	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,363	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,166	0,20 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,165	0,03 - 0,30	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,116	0,70 - 2,70	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,061	5,00 - 15,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,044	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,009	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 19,360

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	4,264	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	3,363	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	2,752	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,570	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	2,337	1,00 - 2,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,043	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,978	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,461	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,363	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,307	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,267	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,171	0,05 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,146	0,00 - 0,01	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,094	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,042	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,030	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,027	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,023	0,18 - 0,80	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,017	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,014	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,006	1,00 - 10,00	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,002	0,05 - 0,50	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Propionibacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Oxalobacter formigenes	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Fusobacterium varium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	posible
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,006

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,688	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,669	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,165	0,03 - 0,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,073	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,073	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium	Bacillota	0,044	0,20 - 1,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,70	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,005	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,005	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,001	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,978

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,978	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,031	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,661

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,978	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,688	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,669	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,014	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 21,574

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	4,264	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	3,706	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	2,752	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	2,570	0,50 - 1,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	2,110	0,50 - 1,50	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	1,113	0,50 - 5,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,043	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,928	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,621	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,621	0,01 - 0,30	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	0,439	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,363	0,50 - 5,00	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,337	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,307	0,05 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,083	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	0,058	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,042	0,08 - 0,30	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,041	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,036	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,030	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,027	0,01 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,022	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,020	0,00 - 0,05	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,018	0,06 - 0,10	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable
Limosilactobacillus reuteri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,000	0,10 - 0,50	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,000*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus thuringiensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus tequilensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Bacillus glycinifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 1,562

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,928	0,10 - 0,50	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,449	0,00 - 0,01	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,104	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,022	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,020	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,019	0,10 - 0,50	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,017	0,00 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 2,823

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	1,327	0,08 - 2,45	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,978	0,10 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,386	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,073	0,00 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,034	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,022	0,00 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus methanolicus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 6,385*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	2,110	0,50 - 1,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	1,327	0,08 - 2,45	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	1,045	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	1,043	0,18 - 0,80	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,404	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,307	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,042	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,030	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,027	0,01 - 0,05	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,023	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,023	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,009	0,10 - 0,80	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,008	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio sp. G11	Thermodesulfobacteriota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,003	0,18 - 0,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,001	0,02 - 0,20	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Shewanella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pyramidobacter pisciolens	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfomicrobium baculatum	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,05

Porcentaje relativo de archaea: 1,15

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,164	0,00 - 0,01	confiable
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,164	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,164	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,164	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,164	0,00 - 0,07	posible
Methanobacterium paludis	Euryarchaeota	0,164	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,164	0,00 - 0,07	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403224438

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403224438

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,310	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,320	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	17,285	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	2,501	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	12,356	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	35,494	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	17,443	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	13,566	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,704	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,082	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	29,284	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato	1,639	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras*	0,968	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	2,727	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	11,498	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	14,252	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	2,056	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,679	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,004	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,001	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	2,294	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	16,310	20 - 50
Microbiota productora de GABA	19,916	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,011	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,101	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	2,724	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno*	5,453	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano*	0,864	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 16,310*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	Bacillota	2,744	0,20 - 1,40	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,829	5,00 - 15,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,791	0,50 - 5,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,614	0,40 - 3,00	neutral
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	1,488	1,00 - 10,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	1,488	0,00 - 1,00	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,151	0,10 - 0,70	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,051	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,051	0,50 - 2,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,980	1,00 - 3,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,628	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,465	0,20 - 1,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,403	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,332	0,70 - 2,70	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,272	0,10 - 0,50	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,226	0,20 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,192	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,146	0,10 - 5,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,134	0,00 - 0,50	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,125	0,25 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,098	0,00 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,083	0,50 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,081	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,073	0,10 - 1,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,070	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,070	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,069	0,00 - 0,10	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,062	0,00 - 0,01	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,058	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,054	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,054	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,039	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,016	0,01 - 0,10	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,006	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,003	0,00 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Clostridium tyrobutyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium duncaniae	Bacillota	0,000	1,00 - 4,00	posible

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,320*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,295	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,025	2,00 - 5,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 17,285

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	9,137	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	4,652	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,500	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,424	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,295	0,50 - 4,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,194	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,084	0,10 - 0,50	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 2,501*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,832	0,08 - 2,45	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,628	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,295	0,50 - 4,00	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,158	0,01 - 0,50	neutral
Blautia obeum	Bacillota	0,129	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,129	0,30 - 2,00	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,108	0,10 - 1,00	neutral
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,098	0,00 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,083	0,50 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,070	0,10 - 5,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,054	0,01 - 0,10	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,049	0,01 - 0,04	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,043	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,039	0,50 - 1,00	neutral
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,039	0,10 - 1,00	confiable
Leuconostoc mesenteroides	Bacillota	0,033	0,00 - 1,00	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,030	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	neutral
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,023	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,021	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,019	0,01 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,014	0,01 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,011	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,008	0,10 - 0,50	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,008	0,10 - 1,00	neutral
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,008	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,006	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,74	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,004	0,10 - 5,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Lactobacillus iners	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Lactobacillus johnsonii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Weissella paramesenteroides	Bacillota	0,000	0,10 - 2,00	posible
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 12,356

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	7,014	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	7,014	1,00 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,051	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,051	0,50 - 2,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,832	0,08 - 2,45	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,679	0,10 - 0,50	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,628	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,419	0,50 - 2,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,403	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,332	0,70 - 2,70	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,150	0,07 - 0,80	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,129	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,129	0,30 - 2,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,098	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,084	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,074	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,070	0,10 - 5,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,057	0,07 - 0,80	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,049	0,01 - 0,04	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,043	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,039	0,10 - 1,00	confiable
Leuconostoc mesenteroides	Bacillota	0,033	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,026	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,026	0,30 - 2,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,023	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,021	0,00 - 1,00	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,019	0,01 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,010	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,008	0,10 - 0,50	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,008	0,06 - 0,10	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,008	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,006	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus cecorum	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Qiana dongpingensis	Bacillota	0,005	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi	Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Lactobacillus iners	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 35,494

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	9,137	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	7,014	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	7,014	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	4,652	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,500	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,438	0,50 - 5,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	1,101	0,50 - 2,50	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	1,051	0,50 - 2,00	neutral
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	1,051	0,50 - 2,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,968	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,628	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,591	0,18 - 0,80	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,573	0,10 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,552	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,424	0,25 - 2,80	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,401	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,340	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,295	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,291	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,204	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,204	0,01 - 0,30	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,150	0,07 - 0,80	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,129	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,129	0,30 - 2,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,084	0,10 - 0,50	confiable
Wujiangia chipingensis	Bacillota	0,081	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,075	0,08 - 0,30	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,074	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,062	0,00 - 0,01	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,057	0,07 - 0,80	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,054	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,046	0,08 - 0,30	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,045	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,044	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,043	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,043	0,02 - 0,20	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,039	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,039	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,032	0,20 - 1,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,026	0,30 - 2,00	neutral
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,024	0,00 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,023	0,01 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,021	0,00 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,016	0,10 - 1,00	confiable

Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,016	1,00 - 8,00	neutral
Veillonella parvula	Bacillota	0,014	0,01 - 0,05	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,012	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,012	0,18 - 0,80	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,010	0,10 - 2,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,006	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,006	0,10 - 1,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,74	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,005	0,01 - 0,50	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,004	0,10 - 5,00	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,003	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,003	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 17,443

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	9,137	0,50 - 4,00	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	2,744	0,20 - 1,40	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,679	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,591	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,552	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,424	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,291	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,204	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,204	0,01 - 0,30	confiable
Enterocloster boltea	[p] Bacillota	0,184	0,00 - 0,07	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,182	0,00 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,158	0,01 - 0,50	neutral
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,142	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,075	0,08 - 0,30	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,069	0,00 - 0,50	neutral
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,049	0,01 - 0,04	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,046	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,043	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,043	0,02 - 0,20	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,033	0,00 - 0,01	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,026	0,10 - 0,50	neutral
Campylobacter	Campylobacterota	0,025	0,00 - 0,01	neutral
Enterococcus faecium	Bacillota	0,019	0,01 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,014	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,012	0,18 - 0,80	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,011	0,00 - 0,01	confiable
Petrimonas mucosa	Bacteroidota	0,010	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter	Pseudomonadota	0,002	0,10 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Selenomonas ruminantium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Clostridium cochlearium	[F][p] Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Megasphaera stantonii		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella quasipneumoniae		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Helicobacter		Campylobacterota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium varium	[F][p]	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas psychrophila		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 13,566

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	9,137	0,50 - 4,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	1,614	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,151	0,10 - 0,70	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,552	0,50 - 1,00	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,465	0,20 - 1,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,403	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,332	0,70 - 2,70	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,195	0,02 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,194	0,03 - 0,30	confiable
Enterocloster boltea	Bacillota	0,184	0,00 - 0,07	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,150	0,07 - 0,80	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,129	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,129	0,30 - 2,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,105	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,105	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,084	0,10 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,073	0,10 - 1,00	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,057	0,07 - 0,80	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,049	0,01 - 0,04	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,045	0,01 - 0,50	confiable
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,044	0,00 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,042	0,10 - 1,00	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,033	0,00 - 0,01	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,019	0,01 - 0,30	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,009	0,00 - 0,01	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Ligilactobacillus salivarius	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactobacillus acidophilus	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,704

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,679	0,10 - 0,50	confiable
Latilactobacillus sakei	Bacillota	0,010	0,01 - 0,05	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,009	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,002	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tetragenococcus halophilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,082

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Segatella copri	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,016	1,00 - 8,00	neutral
Emergencia timonensis	Bacillota	0,015	0,01 - 1,00	confiable
Klebsiella	Pseudomonadota	0,011	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,011	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Hatheway	Bacillota	0,000	0,00 - 1,00	neutral
Hatheway histolytica	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium scatologenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium formicaceticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 29,284

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	9,137	0,50 - 4,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	7,014	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	7,014	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	4,652	0,50 - 4,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,829	5,00 - 15,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,354	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,591	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,467	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,424	0,25 - 2,80	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	0,419	0,50 - 2,30	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,291	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,291	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,204	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,204	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,084	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,075	0,08 - 0,30	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,074	0,10 - 1,00	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,061	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,046	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,043	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,043	0,02 - 0,20	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,039	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,039	0,50 - 5,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,027	1,00 - 7,01	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,025	2,00 - 5,00	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,021	0,00 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,016	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,012	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,004	0,01 - 0,20	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,002	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Succinivibrio dextrinosolvens	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 1,639

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	1,322	0,00 - 1,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,295	0,50 - 4,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,014	0,01 - 0,05	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,004	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,004	0,01 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,968*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,552	0,50 - 1,00	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,163	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,093	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,057	0,07 - 0,80	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,049	0,01 - 0,04	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,028	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,019	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Finnegoldia magna	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Streptococcus intermedius	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	neutral

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 2,727

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,500	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,226	0,20 - 1,00	confiable
Tannerella forsythia	Bacteroidota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 11,498

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,500	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	1,829	5,00 - 15,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,791	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	1,438	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,354	0,50 - 1,50	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,679	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,552	0,50 - 1,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,403	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,340	0,50 - 5,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,332	0,70 - 2,70	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,194	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,084	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Faecalibacterium duncaniae	Bacillota	0,000	1,00 - 4,00	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 14,252

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	4,652	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,500	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	1,488	1,00 - 10,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,679	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,591	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,552	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,467	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,340	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,295	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,291	0,25 - 2,00	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,172	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,084	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,075	0,08 - 0,30	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,073	0,10 - 1,00	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,053	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,046	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,044	1,00 - 2,00	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,043	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,043	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,032	0,20 - 1,00	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,012	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,008	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,008	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,004	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Fusobacterium animalis	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium varium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium necrophorum subsp. funduliforme	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 2,056

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,614	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,151	0,10 - 0,70	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,465	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,194	0,03 - 0,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,105	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,105	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium	Bacillota	0,058	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,026	0,30 - 2,00	neutral
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,026	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,011	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,679

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,679	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,004

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Citrobacter	Pseudomonadota	0,053	0,00 - 0,10	neutral
Klebsiella	Pseudomonadota	0,011	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Streptococcus equinus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Yokenella regensburgei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,001

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,069	0,00 - 0,50	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus equinus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas psychrophila	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 2,294

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	1,614	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	1,151	0,10 - 0,70	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,679	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,465	0,20 - 1,30	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 19,916

Especies / Subespecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	3	Bacteroidota	9,137	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	3	Bacteroidota	2,500	0,50 - 5,00	confiable
Phocaeicola dorei	2	Bacteroidota	1,438	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae		Bacteroidota	1,354	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	0,591	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	1	Bacteroidota	0,552	0,50 - 1,00	confiable
Dorea longicatena		Bacillota	0,442	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides caccae	3	Bacteroidota	0,424	0,25 - 2,80	confiable
Parabacteroides distasonis	3	Bacteroidota	0,419	0,50 - 2,30	confiable
Bacteroides xylanisolvens		Bacteroidota	0,340	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1	Bacteroidota	0,295	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,204	0,01 - 0,30	confiable
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,204	0,01 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	1	Bacteroidota	0,084	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	0,075	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242		Bacteroidota	0,046	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis		Bacteroidota	0,043	0,10 - 0,80	confiable
Streptococcus thermophilus		Bacillota	0,011	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium adolescentis		Actinomycetota	0,008	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum		Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Eubacterium callanderi		Bacillota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Lactococcus lactis		Bacillota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060		Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium limosum		Bacillota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis		Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Lacticaseibacillus paracasei		Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,011*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,069	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,011	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus	Bacillota	0,002	0,50 - 1,00	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus velezensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus safensis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas psychrophila	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,101*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Turicibacter sanguinis	Bacillota	0,044	0,00 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,042	0,10 - 1,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,011	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 2,724

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,968	0,00 - 0,01	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,832	0,08 - 2,45	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,679	0,10 - 0,50	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,182	0,00 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,062	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium acetobutylicum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Thermoanaerobacterium	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 5,453*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	1,354	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,843	0,18 - 0,80	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,832	0,08 - 2,45	confiable
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,698	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,591	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,075	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,052	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,046	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,043	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,043	0,02 - 0,20	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,025	0,00 - 0,01	neutral
Treponema	Spirochaetota	0,017	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,012	0,18 - 0,80	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,010	0,10 - 2,80	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,006	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,005	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus YIT 12060	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,05	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Shewanella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio fairfieldensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pyramidobacter piscicola	Synergistota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfuromonas soudanensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfotobacterium hafniense	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium necrophorum	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio sp. G11	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfomicrobium baculatum	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfosporosinus ruminis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfococcus multivorans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Desulfobacula toluolica	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Desulfocapsa sulfexigens	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,86*

Porcentaje relativo de archaea: 76,40

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	74,380	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	1,808	0,00 - 0,07	confiable
Methanosphaera stadtmanae	Euryarchaeota	0,154	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,010	0,00 - 0,07	posible
Methanococcus maripaludis	Euryarchaeota	0,010	0,00 - 0,07	confiable
Methanocorpusculum labreanum Z	Euryarchaeota	0,010	0,00 - 0,07	posible
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,010	0,00 - 0,01	confiable
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,010	0,00 - 0,07	posible
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,010	0,00 - 0,07	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional donde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403254353

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403254353

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	3,608	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,311	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	13,591	3 - 25
Microbiota protectora y de contención	7,514	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	15,578	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	24,293	20 - 55
Microbiota con función proteolítica	12,866	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	19,585	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	1,263	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,006	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	12,953	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,307	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras	4,402	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	3,025	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	15,945	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	15,486	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	0,575	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)*	1,249	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,002	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,000	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,262	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	3,608	20 - 50
Microbiota productora de GABA	22,164	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,000	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal	1,085	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	1,835	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	0,809	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano	0,057	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 3,608*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Anaerostipes hadrus	Bacillota	1,585	0,20 - 1,40	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,355	5,00 - 15,00	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,333	0,10 - 0,50	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,262	0,20 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,137	0,10 - 5,00	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,104	1,00 - 3,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,092	0,20 - 1,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	0,089	0,00 - 1,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,063	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,063	1,00 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,058	0,10 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,057	0,10 - 0,50	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,056	0,01 - 0,10	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,039	0,70 - 2,70	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,031	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,031	1,00 - 5,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,028	0,00 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,023	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,022	1,00 - 5,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,016	0,10 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,014	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,014	0,50 - 2,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,014	0,40 - 3,00	neutral
Wujia chipingensis	Bacillota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,012	0,00 - 0,10	confiable
Coprococcus comes	Bacillota	0,012	0,20 - 1,30	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	0,011	0,50 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,006	1,00 - 10,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,005	0,01 - 0,10	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,005	0,25 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,002	0,10 - 0,70	confiable
Eubacterium maltosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,311*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,298	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,013	2,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 13,591

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	5,132	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,848	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,762	0,50 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,457	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,298	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,065	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,028	0,50 - 4,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 7,514

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium	Actinomycetota	2,151	0,50 - 1,00	neutral
Blautia obeum	Bacillota	2,055	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	2,055	0,30 - 2,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,962	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,672	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,355	0,08 - 2,45	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,320	0,01 - 0,50	neutral
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,313	0,00 - 0,05	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,298	0,50 - 4,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,269	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,137	0,10 - 5,00	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,091	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,058	0,10 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,057	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,057	0,01 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,023	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,022	1,00 - 5,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,020	0,10 - 0,50	neutral
Lactococcus	Bacillota	0,018	0,10 - 1,00	neutral
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,015	0,10 - 5,00	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,006	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,005	0,01 - 0,10	confiable
Lactobacillus	Bacillota	0,005	0,50 - 1,00	neutral
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,74	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,005	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,003	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Leuconostoc	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	neutral
Leuconostoc mesenteroides	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Bacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible
Enterococcus hirae	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Lactobacillus iners	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Lactobacillus acetotolerans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	posible
Lactobacillus amylovorus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,75	posible
Companilactobacillus allii	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Shouchella clausii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 15,578

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	5,132	0,10 - 0,50	confiable
Blautia obeum	Bacillota	2,055	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	2,055	0,30 - 2,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,457	0,50 - 2,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,249	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,962	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,672	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,355	0,08 - 2,45	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,313	0,00 - 0,05	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,306	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,306	1,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,269	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,137	0,10 - 5,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,092	0,20 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,066	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,058	0,10 - 1,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,057	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,057	0,01 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,048	0,07 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,041	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,041	0,30 - 2,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,039	0,70 - 2,70	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,023	0,50 - 5,00	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,020	0,10 - 0,50	neutral
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,014	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,014	0,50 - 2,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,010	0,01 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,005	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,003	0,10 - 1,00	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Leuconostoc mesenteroides	Bacillota	0,002	0,00 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,001	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible
Enterococcus hirae	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Lactobacillus iners	Bacillota	0,000	0,10 - 1,00	confiable
Lactobacillus amylovorus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,75	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 24,293

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	5,132	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,848	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	3,420	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,762	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,349	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	2,055	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	2,055	0,30 - 2,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,306	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,306	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,298	0,50 - 4,00	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,140	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,136	1,00 - 8,00	neutral
Alistipes communis	Bacteroidota	0,081	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,073	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,070	0,50 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,066	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,065	0,25 - 2,80	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,057	0,10 - 0,50	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,048	0,07 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,041	0,30 - 2,00	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,040	0,10 - 2,80	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,030	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,028	0,50 - 4,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,027	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,027	0,50 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,023	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,022	1,00 - 5,00	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,016	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,015	0,10 - 5,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,014	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,014	0,50 - 2,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Veillonella atypica	Bacillota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,011	0,10 - 1,00	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,011	0,00 - 0,10	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,010	0,01 - 1,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,006	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,005	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,005	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,005	0,20 - 1,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,005	0,01 - 0,74	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,003	0,10 - 1,00	confiable

Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,003	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,002	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	neutral
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Weissella confusa	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	posible

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 12,866

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	4,848	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	2,349	0,50 - 1,00	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	1,585	0,20 - 1,40	confiable
Enterocloster boltea	[p] Bacillota	1,377	0,00 - 0,07	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	1,249	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,962	0,01 - 0,04	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,320	0,01 - 0,50	neutral
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,223	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,081	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,065	0,25 - 2,80	confiable
Clostridium	Bacillota	0,054	0,20 - 1,00	neutral
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,034	0,00 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,020	0,10 - 0,50	neutral
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella michiganensis	Pseudomonadota	0,012	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,006	0,10 - 0,50	neutral
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,006	0,01 - 0,05	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,005	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable
Lancefieldella	Actinomycetota	0,003	0,00 - 0,01	neutral
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,002	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,002	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella oxytoca	[F] Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Cronobacter sakazakii	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	[F] Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Duodenibacillus massiliensis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,30	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Shouchella clausii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 19,585

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	5,132	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,848	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,349	0,50 - 1,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	2,055	0,30 - 2,00	confiable
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	2,055	0,30 - 2,00	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	1,377	0,00 - 0,07	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,962	0,01 - 0,04	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,457	0,03 - 0,30	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,092	0,20 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,066	0,07 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,048	0,07 - 0,80	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,039	0,70 - 2,70	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	0,035	0,02 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,019	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,014	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,012	0,20 - 1,30	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,002	0,10 - 0,70	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 1,263

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,249	0,10 - 0,50	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,006	0,10 - 0,50	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Raoultella planticola	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,006

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,160	0,00 - 0,10	neutral
Prevotella	Bacteroidota	0,136	1,00 - 8,00	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Raoultella terrigena	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium formicaceticum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,000	0,01 - 1,00	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 12,953

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	5,132	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	4,848	0,50 - 4,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	1,457	0,50 - 2,30	confiable
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	0,536	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,355	5,00 - 15,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	0,306	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	0,306	1,00 - 5,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,081	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,065	0,25 - 2,80	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,028	0,50 - 4,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,027	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,027	0,50 - 5,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,013	2,00 - 5,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,013	0,30 - 2,70	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,012	0,10 - 1,00	confiable
Megamonas funiformis	Bacillota	0,010	0,01 - 1,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,008	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,005	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,005	0,00 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,003	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,002	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,001	1,00 - 7,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	neutral
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,000	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,307*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,298	0,50 - 4,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,006	0,01 - 0,05	confiable
Dialister hominis	Bacillota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,000	0,00 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,000	0,01 - 1,50	neutral
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,000	0,01 - 1,50	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 4,402

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,349	0,50 - 1,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,962	0,01 - 0,04	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,672	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,313	0,00 - 0,05	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,048	0,07 - 0,80	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,038	0,00 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,011	0,01 - 0,30	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,006	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,004	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 3,025

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,762	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,262	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 15,945

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	5,132	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	3,420	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,762	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,349	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,249	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,457	0,03 - 0,30	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,355	5,00 - 15,00	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,092	0,20 - 1,00	confiable
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	0,070	0,50 - 5,00	confiable
Clostridium	Bacillota	0,054	0,20 - 1,00	neutral
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,039	0,70 - 2,70	confiable
Shigella	Pseudomonadota	0,030	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,017	0,00 - 0,10	neutral
Lachnospira eligens	Bacillota	0,011	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,008	0,50 - 1,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 15,486

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	5,132	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	3,420	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	2,762	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	2,349	0,50 - 1,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,249	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,298	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,081	0,25 - 2,00	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,078	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,028	0,50 - 4,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,021	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,013	0,30 - 2,70	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,009	0,00 - 0,10	neutral
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,006	1,00 - 10,00	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,006	1,00 - 2,00	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,005	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	0,005	0,20 - 1,00	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,005	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,002	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,002	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Fusobacterium animalis	Fusobacteriota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 0,575

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,457	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,054	0,20 - 1,00	neutral
Blautia hansenii	Bacillota	0,041	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,041	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,020	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,014	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,012	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,002	0,10 - 0,70	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 1,249*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,249	0,10 - 0,50	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,002

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,160	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,009	0,00 - 0,10	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Yokenella regensburgei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus equinus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Proteus penneri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae subsp. cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,000

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Bacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Streptococcus equinus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Proteus penneri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Shouchella clausii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,262

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,249	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,014	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,012	0,20 - 1,30	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,002	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 22,164

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides fragilis	¹ Bacteroidota	5,132	0,10 - 0,50	confiable
Phocaeicola vulgatus	³ Bacteroidota	4,848	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	3,420	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	³ Bacteroidota	2,762	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides ovatus	¹ Bacteroidota	2,349	0,50 - 1,00	confiable
Parabacteroides distasonis	³ Bacteroidota	1,457	0,50 - 2,30	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,672	0,10 - 0,50	confiable
Dorea longicatena	Bacillota	0,381	0,00 - 0,10	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,313	0,00 - 0,05	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	¹ Bacteroidota	0,298	0,50 - 4,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,269	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,091	0,01 - 0,50	confiable
Phocaeicola dorei	² Bacteroidota	0,070	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caccae	³ Bacteroidota	0,065	0,25 - 2,80	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,011	0,01 - 0,05	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,008	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,002	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Bifidobacterium dentium	Actinomycetota	0,000	0,02 - 0,70	confiable
Lactococcus lactis subsp. lactis	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,000*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,50	neutral
Staphylococcus	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	neutral
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Shouchella clausii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 1,085

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,672	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,313	0,00 - 0,05	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,091	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum subsp. infantis	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium bifidum	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 1,835

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	1,249	0,10 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,355	0,08 - 2,45	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,140	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,036	0,00 - 0,10	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,034	0,00 - 0,50	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Bacillus methanolicus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 0,809

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,368	0,01 - 0,50	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,355	0,08 - 2,45	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,040	0,10 - 2,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,017	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,013	0,00 - 0,01	neutral
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,008	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,005	0,08 - 0,30	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,002	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,002	0,18 - 0,80	confiable
Campylobacter	Campylobacterota	0,002	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,001	0,10 - 0,80	confiable
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,001	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter pasteurii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Oleidesulfovibrio alaskensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Citrobacter youngae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 0,06

Porcentaje relativo de archaea: 0,24

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	0,081	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. AbM4	Euryarchaeota	0,081	0,00 - 0,07	posible
Candidatus Methanomassiliicoccus intestinali	Euryarchaeota	0,081	0,00 - 0,07	confiable

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.

INFORME DE MICROBIOTA INTESTINAL FUNCIONAL

MBI012403254415

PACIENTE:

Nº PACIENTE: MBI012403254415

CENTRO:

FACULTATIVO PRESCRIPTOR:

CÓDIGO XENOGENE:

MUESTRA: HECES

ÍNDICE FUNCIONAL

FUNCION ESTRUCTURAL	[%]	Referencia
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	8,581	20 - 50
Microbiota reguladora de moco intestinal*	0,639	2.5 - 10
Microbiota consumidora de moco intestinal	3,577	3 - 25
Microbiota protectora y de contención*	2,419	6 - 25
SISTEMA INMUNE	[%]	Referencia
Microbiota inmunomoduladora	8,911	8 - 25
METABOLISMO	[%]	Referencia
Microbiota metabólicas/energéticas	30,743	20 - 55
Microbiota con función proteolítica*	6,648	7 - 25
Microbiota metabolizadora de las sales biliares	6,378	4 - 25
Microbiota productora de aminas biogénicas (Histamina)	0,573	0 - 2
Microbiota metabólicas de la Trimetilamina	0,265	0 - 6
Microbiota productora de Succinato	16,208	11 - 40
Microbiota consumidora de Succinato*	0,622	1 - 10
HORMONAL	[%]	Referencia
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Productoras*	0,753	1 - 10
Metabolismo de las isoflavonas (S-equol). M. Consumidoras	1,363	1 - 6
Microbiota formadora de Estroboloma	17,579	6 - 20
NEUROMODULADORA	[%]	Referencia
Microbiota productoras de Indol	10,427	0 - 24
Microbiota productora de Triptamina	1,103	0 - 20
Microbiota productora de ácido indol propiónico (IPA)	0,453	0 - 1
Microbiota productora de ácido indol acético (IAA)	0,048	0 - 1
Microbiota productora de Quinurenina	0,170	0 - 3
Microbiota productora de Quinolinato	1,349	0 - 5
Microbiota muconutritiva productora de butirato*	8,581	20 - 50
Microbiota productora de GABA	21,316	5 - 31
Microbiota consumidora de GABA*	0,171	1.3 - 4
Metabolismo de la Serotonina por la Microbiota intestinal*	0,326	0.5 - 4
METABOLITOS TÓXICOS	[%]	Referencia
Microbiota productora de etanol	1,045	0 - 4
Microbiota productora de sulfuro de hidrógeno	3,084	0 - 5
Microbiota dominio archaea productora de metano*	1,108	0 - 0.4

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA MUCONUTRITIVA PRODUCTORA DE BUTIRATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 50) : 8,581*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Lachnospira eligens	Bacillota	1,857	0,50 - 5,00	confiable
Simiaoa sunii	Bacillota	1,097	0,00 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,901	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,878	0,20 - 1,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,799	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,799	0,50 - 2,00	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,418	5,00 - 15,00	confiable
Anaerostipes hadrus	Bacillota	0,409	0,20 - 1,40	confiable
Anaerobutyricum hallii	Bacillota	0,337	1,00 - 3,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,308	0,10 - 0,50	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,281	0,20 - 1,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,262	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,249	0,20 - 1,00	confiable
Butyricimonas virosa	Bacteroidota	0,140	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,073	0,10 - 5,00	confiable
Anaerostipes caccae	Bacillota	0,073	0,01 - 0,10	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,063	0,10 - 1,00	confiable
Dysosmobacter welbionis	Bacillota	0,060	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,055	0,10 - 1,00	confiable
Gordonibacter urolithinfaciens	Actinomycetota	0,048	0,00 - 0,01	confiable
Faecalibacterium sp. I4-1-79	Bacillota	0,045	0,10 - 5,00	confiable
Lawsonibacter asaccharolyticus	Bacillota	0,044	0,10 - 1,00	confiable
Wujia chipingensis	Bacillota	0,038	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,032	0,10 - 1,00	confiable
Faecalibacterium sp. IP-3-29	Bacillota	0,030	0,10 - 1,00	confiable
Butyricimonas faecalis	Bacteroidota	0,028	0,25 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Intestinimonas butyriciproducens	Bacillota	0,021	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,019	0,10 - 0,70	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Pusillibacter faecalis	Bacillota	0,014	0,00 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-89	Bacillota	0,010	0,00 - 0,10	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,010	0,50 - 1,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens	Bacillota	0,009	1,00 - 5,00	confiable
Marvinbryantia formatexigens DSM 14469	Bacillota	0,009	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,008	1,00 - 10,00	confiable
Bacteroides humanifacis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,004	0,50 - 5,00	confiable
Butyrivibrio fibrisolvens	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	confiable
Thomasclavelia spiroformis	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Thomasclavelia spiroformis DSM 1552	Bacillota	0,001	1,00 - 5,00	confiable
Anaerostipes rhamnosivorans	Bacillota	0,001	0,00 - 0,50	confiable
Butyrivibrio proteoclasticus B316	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Butyrivibrio hungatei	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Olsenella uli DSM 7084	Actinomycetota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Megasphaera stantonii	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable

Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Clostridium drakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA REGULADORA DEL MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 2.5 - 10): 0,639*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,581	0,50 - 4,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,058	2,00 - 5,00	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE MOCO INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 3 - 25): 3,577

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,607	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,081	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,581	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,120	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,105	0,10 - 0,50	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,068	0,03 - 0,30	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,014	0,25 - 2,80	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

FUNCION ESTRUCTURAL

MICROBIOTA PROTECTORA Y DE CONTENCIÓN

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 25): 2,419*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,581	0,50 - 4,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,459	0,01 - 0,04	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,388	0,10 - 0,50	neutral
Blautia obeum	Bacillota	0,367	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,367	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,308	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,232	0,01 - 0,50	neutral
Enterococcus durans	Bacillota	0,194	0,00 - 0,01	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,127	0,08 - 2,45	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,097	0,01 - 0,50	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,073	0,10 - 5,00	confiable
Bifidobacterium	Actinomycetota	0,034	0,50 - 1,00	neutral
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,032	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,020	0,01 - 0,05	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,016	0,01 - 0,10	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,015	0,01 - 0,10	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,012	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Wansuia hejianensis	Bacillota	0,010	0,50 - 1,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Lactococcus	Bacillota	0,007	0,10 - 1,00	neutral
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,006	0,00 - 1,00	confiable
Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,004	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,004	0,01 - 0,74	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Lactococcus lactis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,05	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Lactobacillus	Bacillota	0,000	0,50 - 1,00	neutral
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	neutral
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Limosilactobacillus reuteri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Lactobacillus amylovorus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,75	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

SISTEMA INMUNE

MICROBIOTA INMUNOMODULADORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 8 - 25): 8,911

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Blautia wexlerae	Bacillota	2,447	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,447	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	2,147	0,50 - 2,30	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,799	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,799	0,50 - 2,00	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,459	0,01 - 0,04	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,452	0,10 - 0,50	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,388	0,10 - 0,50	neutral
Blautia obeum	Bacillota	0,367	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,367	0,30 - 2,00	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,308	0,10 - 0,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,262	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,249	0,20 - 1,00	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,127	0,08 - 2,45	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,105	0,10 - 0,50	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,082	0,07 - 0,80	confiable
Faecalibacterium sp. I4-3-84	Bacillota	0,073	0,10 - 5,00	confiable
Faecalibacterium sp. HTF-F	Bacillota	0,032	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,031	0,10 - 1,00	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,10	confiable
Faecalibacterium sp. I3-3-33	Bacillota	0,018	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,016	0,01 - 0,10	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,014	0,01 - 0,30	confiable
Blautia pseudococcoides	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,012	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,010	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,010	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium adolescentis	Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,006	0,00 - 1,00	confiable
Ligilactobacillus ruminis	Bacillota	0,004	0,06 - 0,10	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,004	0,50 - 5,00	confiable
Bifidobacterium breve	Actinomycetota	0,003	0,10 - 0,50	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Streptococcus salivarius	Bacillota	0,000	0,01 - 0,50	neutral
Lactobacillus amylovorus	Bacillota	0,000	0,01 - 0,75	neutral

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICAS/ENERGETICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 20 - 55): 30,743

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	12,136	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	4,292	0,20 - 1,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,447	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,447	1,00 - 5,00	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,607	0,50 - 4,00	confiable
Ruminococcus bicirculans (ex Wegman et al.	Bacillota	1,606	0,50 - 2,50	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,081	0,50 - 5,00	confiable
Ruthenibacterium lactatiformans	Bacillota	0,938	0,10 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris	Bacillota	0,799	0,50 - 2,00	confiable
[Ruminococcus] lactaris ATCC 29176	Bacillota	0,799	0,50 - 2,00	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,581	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,567	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,514	0,50 - 5,00	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,367	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,367	0,30 - 2,00	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Dorea formicigenerans	Bacillota	0,308	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,227	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,199	0,08 - 0,30	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,176	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,145	0,08 - 0,30	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,140	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,140	1,00 - 7,01	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,120	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,105	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,090	0,18 - 0,80	confiable
Vescimonas coprocola	Bacillota	0,083	0,10 - 5,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,082	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,073	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,069	0,05 - 0,50	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,063	0,10 - 1,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,061	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,061	0,50 - 5,00	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,048	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,042	1,00 - 8,00	neutral
Wujia chipingensis	Bacillota	0,038	0,10 - 1,00	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,031	0,10 - 1,00	confiable
Eubacterium ventriosum	Bacillota	0,022	0,01 - 0,10	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,020	0,01 - 0,05	confiable
Catenibacterium mitsuokai	Bacillota	0,015	0,01 - 0,10	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,015	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,014	0,25 - 2,80	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,014	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Subdoligranulum variabile	Bacillota	0,012	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,010	0,30 - 2,00	confiable
Massilistercora timonensis	Bacillota	0,008	0,00 - 0,10	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,006	0,00 - 1,00	confiable

Bacteroides humanifaecis	Bacteroidota	0,005	1,00 - 5,00	confiable
Bacteroides sp. A1C1	Bacteroidota	0,004	0,10 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,004	0,02 - 0,20	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Qiania dongpingensis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Parabacteroides goldsteinii	Bacteroidota	0,004	0,01 - 0,74	confiable
Sellimonas intestinalis	Bacillota	0,004	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides caecimuris	Bacteroidota	0,003	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Phocaeicola salanitronis	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Phocaeicola salanitronis DSM 18170	Bacteroidota	0,002	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus gauvreauii	Bacillota	0,002	0,10 - 0,50	confiable
Parabacteroides johnsonii	Bacteroidota	0,002	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Peptacetobacter hiranonis	Bacillota	0,001	0,10 - 5,00	confiable
Romboutsia sp. CE17	Bacillota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Cloacibacillus porcorum	Synergistota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides faecium	Bacteroidota	0,000	0,10 - 5,00	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Weissella	Bacillota	0,000	0,01 - 5,00	neutral
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PROTEOLITICAS

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 7 - 25): 6,648*

Especies / Subspecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	[f][p] Bacteroidota	1,607	0,50 - 4,00	confiable
Enterocloster bolteae	[p] Bacillota	0,671	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,567	0,18 - 0,80	confiable
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,468	0,00 - 0,50	neutral
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,459	0,01 - 0,04	confiable
Escherichia coli	[p] Pseudomonadota	0,452	0,10 - 0,50	confiable
Anaerostipes hadrus	[f][p] Bacillota	0,409	0,20 - 1,40	confiable
Enterococcus	Bacillota	0,388	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Streptococcus	Bacillota	0,232	0,01 - 0,50	neutral
Alistipes communis	Bacteroidota	0,227	0,25 - 2,00	confiable
[Clostridium] innocuum	Bacillota	0,209	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,199	0,08 - 0,30	confiable
Enterococcus durans	Bacillota	0,194	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,150	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,145	0,08 - 0,30	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,123	0,00 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	[F] Pseudomonadota	0,112	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,090	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	[f][p] Bacteroidota	0,073	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,069	0,05 - 0,50	confiable
Clostridioides difficile	[p] Bacillota	0,044	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter freundii	[F][p] Pseudomonadota	0,044	0,00 - 0,02	confiable
Clostridium	Bacillota	0,030	0,20 - 1,00	neutral
Campylobacter	Campylobacterota	0,024	0,00 - 0,01	neutral
Veillonella parvula	[f][p] Bacillota	0,020	0,01 - 0,05	confiable
Enterococcus faecalis	Bacillota	0,018	0,01 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,016	0,01 - 0,10	confiable
Pseudomonas sp. TMW 2.1634	Pseudomonadota	0,016	0,00 - 0,01	confiable
Bacteroides caccae	[f][p] Bacteroidota	0,014	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Lacrimispora saccharolytica	[F][p] Bacillota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,006	0,10 - 0,50	neutral
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,004	0,02 - 0,20	confiable
Pseudomonas psychrophila	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Klebsiella aerogenes	[F] Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter hormaechei	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

Selenomonas ruminantium		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Olsenella uli	[F][p]	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Enterobacter cloacae	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Cronobacter sakazakii	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Acidaminococcus fermentans		Bacillota	0,000	0,00 - 0,04	neutral
Megasphaera stantonii		Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	confiable
Propionibacterium		Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella michiganensis		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Morganella morganii	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus		Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella oxytoca	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	[F]	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624		Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Bacillus cereus		Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium varium	[F][p]	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

[p].- Productoras de p-cresol. [f].- Productoras de fenol. [F].- Grandes productoras de fenol. [f]+[p].- Productoras de ambas sustancias. [F]+[p].- Productoras de ambas sustancias

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLIZADORA DE SALES BILIARES

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 4 - 25): 6,378

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,607	0,50 - 4,00	confiable
Hungatella hathewayi	Bacillota	1,176	0,02 - 1,00	confiable
Coprococcus	Bacillota	0,901	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,878	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster bolteae	Bacillota	0,671	0,00 - 0,07	confiable
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,459	0,01 - 0,04	confiable
Blautia obeum	Bacillota	0,367	0,30 - 2,00	neutral
Blautia obeum ATCC 29174	Bacillota	0,367	0,30 - 2,00	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,262	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,249	0,20 - 1,00	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,114	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,114	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,105	0,10 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,097	0,10 - 1,00	confiable
Blautia sp. SC05B48	Bacillota	0,082	0,07 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,073	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,068	0,03 - 0,30	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,055	0,10 - 1,00	confiable
Clostridioides difficile	Bacillota	0,044	0,00 - 0,01	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,019	0,10 - 0,70	confiable
[Clostridium] hylemonae	Bacillota	0,015	0,01 - 0,50	confiable
Blautia argi	Bacillota	0,014	0,01 - 0,30	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Hungatella hathewayi WAL-18680	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium perfringens	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Anaerocolumna sedimenticola	Bacillota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Eubacterium limosum	Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Turicibacter bilis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Filifactor alocis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE AMINAS BIOGÉNICAS (HISTAMINA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 2): 0,573

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,452	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,112	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter	Pseudomonadota	0,006	0,10 - 0,50	neutral
Clostridium perfringens	Bacillota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella aerogenes	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Lactococcus lactis	Bacillota	0,001	0,01 - 0,05	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tetragenococcus halophilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Limosilactobacillus reuteri	Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable
Latilactobacillus sakei	Bacillota	0,000	0,01 - 0,05	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA METABOLICA DE TRIMETILAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 6): 0,265

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,568	0,00 - 0,10	neutral
Segatella copri	Bacteroidota	0,140	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,140	1,00 - 7,01	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,112	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella	Bacteroidota	0,042	1,00 - 8,00	neutral
Streptococcus sanguinis	Bacillota	0,004	0,01 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella variicola	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Serratia marcescens	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Emergencia timonensis	Bacillota	0,001	0,01 - 1,00	confiable
Clostridium baratii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Tissierella	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Gottschalkia	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Raoultella terrigena	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Sinorhizobium meliloti	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobact	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 11 - 40): 16,208

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Thomasclavelia ramosa	Bacillota	5,509	0,10 - 1,00	confiable
Blautia wexlerae	Bacillota	2,447	1,00 - 5,00	neutral
Blautia wexlerae DSM 19850	Bacillota	2,447	1,00 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	Bacteroidota	2,147	0,50 - 2,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	Bacteroidota	1,607	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,765	0,30 - 2,70	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,567	0,18 - 0,80	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,418	5,00 - 15,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,365	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Paraprevotella clara	Bacteroidota	0,307	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,227	0,25 - 2,00	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,199	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,145	0,08 - 0,30	confiable
Segatella copri	Bacteroidota	0,140	1,00 - 7,01	neutral
Prevotella copri DSM 18205	Bacteroidota	0,140	1,00 - 7,01	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,120	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,105	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,090	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,069	0,05 - 0,50	confiable
Paraprevotella xylaniphila	Bacteroidota	0,061	0,50 - 5,00	confiable
Paraprevotella xylaniphila YIT 11841	Bacteroidota	0,061	0,50 - 5,00	confiable
Akkermansia muciniphila	Verrucomicrobiota	0,058	2,00 - 5,00	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,044	0,00 - 0,02	confiable
Roseburia rectibacter	Bacillota	0,031	0,10 - 1,00	confiable
Bacteroides caccae	Bacteroidota	0,014	0,25 - 2,80	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Solibaculum mannosilyticum	Bacillota	0,006	0,00 - 1,00	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,004	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
uncultured Alistipes sp.	Bacteroidota	0,001	0,01 - 0,20	confiable
Coprobacter secundus	Bacteroidota	0,001	0,10 - 1,00	confiable
Coprobacter secundus subsp. similis	Bacteroidota	0,001	0,00 - 0,10	confiable
Ruminococcus albus	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Ruminococcus albus 7 = DSM 20455	Bacillota	0,001	0,00 - 0,05	confiable
Alistipes ihumii	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable

METABOLISMO

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE SUCCINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,622*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,581	0,50 - 4,00	confiable
Veillonella parvula	Bacillota	0,020	0,01 - 0,05	confiable
Phascolarctobacterium faecium	Bacillota	0,012	0,00 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola	Bacteroidota	0,004	0,01 - 1,50	confiable
Barnesiella viscericola DSM 18177	Bacteroidota	0,004	0,01 - 1,50	confiable
Dialister succinatiphilus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA PRODUCTORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 10): 0,753*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Eggerthella lenta	Actinomycetota	0,459	0,01 - 0,04	confiable
Adlercreutzia hattorii	Actinomycetota	0,117	0,01 - 0,10	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,073	0,50 - 1,00	confiable
Finegoldia magna	Bacillota	0,052	0,00 - 0,10	confiable
Enterococcus faecium	Bacillota	0,016	0,01 - 0,10	confiable
Blautia producta	Bacillota	0,012	0,07 - 0,80	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Adlercreutzia equolifaciens	Actinomycetota	0,008	0,01 - 0,30	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Eggerthella sp. YY7918	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Adlercreutzia equolifaciens subsp. celatus	Actinomycetota	0,001	0,01 - 0,10	confiable

HORMONAL

METABOLISMO DE LAS ISOFLAVONAS (S-EQUOL). MICROBIOTA CONSUMIDORA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1 - 6): 1,363

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,081	0,50 - 5,00	confiable
Flavonifractor plautii	Bacillota	0,281	0,20 - 1,00	confiable

HORMONAL

MICROBIOTA FORMADORA DEL ESTROBOLOMA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 6 - 20): 17,579

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	Bacteroidota	12,136	0,50 - 5,00	confiable
Lachnospira eligens	Bacillota	1,857	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,081	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,514	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,452	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacterium prausnitzii	Bacillota	0,418	5,00 - 15,00	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,365	0,50 - 1,50	confiable
Roseburia intestinalis	Bacillota	0,262	0,70 - 2,70	confiable
Roseburia hominis	Bacillota	0,249	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,105	0,10 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,073	0,50 - 1,00	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,068	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,030	0,20 - 1,00	neutral
Shigella	Pseudomonadota	0,021	0,00 - 0,01	neutral
Salmonella	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORAS DE INDOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 24): 10,427

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Bacteroides intestinalis	Bacteroidota	4,292	0,20 - 1,00	confiable
Bacteroides uniformis	Bacteroidota	1,081	0,50 - 5,00	confiable
Bacteroides stercoris	Bacteroidota	0,765	0,30 - 2,70	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	Bacteroidota	0,581	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,567	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens	Bacteroidota	0,514	0,50 - 5,00	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,452	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Anaerotruncus colihominis	Bacillota	0,254	0,00 - 0,10	confiable
Alistipes communis	Bacteroidota	0,227	0,25 - 2,00	confiable
Citrobacter	Pseudomonadota	0,210	0,00 - 0,10	neutral
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,199	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,145	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides cellulosilyticus	Bacteroidota	0,120	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides fragilis	Bacteroidota	0,105	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,090	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides ovatus	Bacteroidota	0,073	0,50 - 1,00	confiable
Alistipes dispar	Bacteroidota	0,069	0,05 - 0,50	confiable
Acidaminococcus intestini	Bacillota	0,063	0,10 - 1,00	confiable
Butyrivibrio crossotus	Bacillota	0,055	0,10 - 1,00	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,044	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Bacteroides eggerthii	Bacteroidota	0,009	1,00 - 2,00	confiable
Bacteroides salyersiae	Bacteroidota	0,008	1,00 - 10,00	confiable
Fusobacterium animalis	Fusobacteriota	0,006	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes megaguti	Bacteroidota	0,004	0,02 - 0,20	confiable
Bacteroides sp. D2	Bacteroidota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Prevotella intermedia	Bacteroidota	0,003	0,00 - 0,07	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Clostridium cadaveris	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Paeniclostridium sordellii	Bacillota	0,000	0,05 - 0,50	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Fusobacterium ulcerans	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Tannerella	Bacteroidota	0,000	0,10 - 0,60	neutral
Propionibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Fusobacterium ulcerans ATCC 49185	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium tetani	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Porphyromonas asaccharolytica	Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,10	neutral
Fusobacterium varium	Fusobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Paraclostridium bifermentans	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Escherichia coli SE11	Pseudomonadota	0,000	0,10 - 0,60	confiable

Edwardsiella tarda	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
--------------------	----------------	-------	-------------	---------

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE TRIPTAMINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 20): 1,103

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,901	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,878	0,20 - 1,30	confiable
Enterocloster asparagiformis	Bacillota	0,114	0,00 - 0,10	neutral
[Clostridium] asparagiforme DSM 15981	Bacillota	0,114	0,00 - 0,10	confiable
[Ruminococcus] gnavus	Bacillota	0,068	0,03 - 0,30	confiable
Clostridium	Bacillota	0,030	0,20 - 1,00	neutral
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,019	0,10 - 0,70	confiable
Blautia hansenii	Bacillota	0,010	0,30 - 2,00	confiable
Blautia hansenii DSM 20583	Bacillota	0,010	0,30 - 2,00	confiable
Bifidobacterium catenulatum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL PROPIÓNICO (IPA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,453

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,452	0,10 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Clostridium sporogenes	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ÁCIDO INDOL ACÉTICO (IAA)

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 1): 0,048

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella	Pseudomonadota	0,568	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter	Pseudomonadota	0,210	0,00 - 0,10	neutral
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,044	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Yokenella regensburgei	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Proteus mirabilis	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Providencia rettgeri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible
Edwardsiella tarda	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	posible

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINURENINA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 3): 0,170

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,468	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,150	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas sp. TMW 2.1634	Pseudomonadota	0,016	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas psychrophila	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Pseudomonas oleovorans	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	confiable
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE QUINOLINATO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 1,349

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Coprococcus	Bacillota	0,901	0,40 - 3,00	neutral
Coprococcus comes	Bacillota	0,878	0,20 - 1,30	confiable
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,452	0,10 - 0,50	confiable
Coprococcus eutactus	Bacillota	0,019	0,10 - 0,70	confiable
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Enterobacter cancerogenus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA PRODUCTORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 5 - 31): 21,316

Especies / Subespecies		Filo	[%]	Ref	Inferencia
Phocaeicola dorei	2	Bacteroidota	12,136	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides distasonis	3	Bacteroidota	2,147	0,50 - 2,30	confiable
Phocaeicola vulgatus	3	Bacteroidota	1,607	0,50 - 4,00	confiable
Bacteroides uniformis	3	Bacteroidota	1,081	0,50 - 5,00	confiable
Dorea longicatena		Bacillota	0,951	0,00 - 0,10	confiable
Bacteroides thetaiotaomicron	1	Bacteroidota	0,581	0,50 - 4,00	confiable
Alistipes onderdonkii		Bacteroidota	0,567	0,18 - 0,80	confiable
Bacteroides xylanisolvens		Bacteroidota	0,514	0,50 - 5,00	confiable
Parabacteroides merdae		Bacteroidota	0,365	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes shahii		Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301		Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii		Bacteroidota	0,199	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242		Bacteroidota	0,145	0,08 - 0,30	confiable
Bacteroides fragilis	1	Bacteroidota	0,105	0,10 - 0,50	confiable
Streptococcus thermophilus		Bacillota	0,097	0,01 - 0,50	confiable
Bacteroides ovatus	1	Bacteroidota	0,073	0,50 - 1,00	confiable
Bacteroides caccae	3	Bacteroidota	0,014	0,25 - 2,80	confiable
Lactacaseibacillus paracasei		Bacillota	0,014	0,06 - 0,10	confiable
Alistipes senegalensis		Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum		Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium adolescentis		Actinomycetota	0,009	0,10 - 0,50	confiable
Bifidobacterium longum		Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Alistipes indistinctus		Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Lactiplantibacillus plantarum		Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Lactococcus lactis		Bacillota	0,001	0,01 - 0,05	confiable
Eubacterium limosum		Bacillota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Alistipes ihumii		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	neutral
Alistipes ihumii AP11		Bacteroidota	0,000	0,01 - 0,30	confiable
Limosilactobacillus reuteri		Bacillota	0,000	0,06 - 0,10	confiable

1.- Tasa de producción de GABA alta. 2.- Tasa de producción de GABA moderada. 3.- Tasa de producción de GABA baja.

GABA Production by Human Intestinal Bacteroides spp.: Prevalence, Regulation, and Role in Acid Stress Tolerance.

Nize Otaru, Kun Ye, Denisa Mujezinovic¹, LaurBerchtold, Florentin Constancias¹, Fabián A. Cornejo, Adam Krzystek, Tomas de Wouters, Christian Braegger, Christophe Lacroix and Benoit Pugin

NEUROMODULADORA

MICROBIOTA CONSUMIDORA DE GABA

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 1.3 - 4): 0,171*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Pseudomonas	Pseudomonadota	0,468	0,00 - 0,50	neutral
Pseudomonas fragi	Pseudomonadota	0,150	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas sp. TMW 2.1634	Pseudomonadota	0,016	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas psychrophila	Pseudomonadota	0,004	0,00 - 0,01	confiable
Staphylococcus	Bacillota	0,002	0,01 - 0,10	neutral
Bacillus	Bacillota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Streptomyces	Actinomycetota	0,001	0,50 - 1,00	neutral
Corynebacterium	Actinomycetota	0,001	0,00 - 0,10	neutral
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	confiable
Pseudomonas putida	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Acinetobacter	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,10	neutral
Bacillus smithii	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Bacillus infantis	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Bacillus cereus	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Brevibacterium	Actinomycetota	0,000	0,00 - 0,10	neutral

NEUROMODULADORA

METABOLISMO DE LA SEROTONINA POR LA MICROBIOTA INTESTINAL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0.5 - 4): 0,326*

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,112	0,00 - 0,01	confiable
Streptococcus thermophilus	Bacillota	0,097	0,01 - 0,50	confiable
Christensenella minuta	Bacillota	0,097	0,10 - 1,00	confiable
Bifidobacterium pseudocatenulatum	Actinomycetota	0,010	0,00 - 0,05	confiable
Bifidobacterium longum	Actinomycetota	0,004	0,10 - 0,50	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Lactiplantibacillus plantarum	Bacillota	0,001	0,06 - 0,10	confiable
Escherichia coli K-12	Pseudomonadota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Morganella morganii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE ETANOL

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 4): 1,045

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Escherichia coli	Pseudomonadota	0,452	0,10 - 0,50	confiable
Faecalibacillus intestinalis	Bacillota	0,176	0,00 - 0,01	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,127	0,08 - 2,45	confiable
[Clostridium] scindens	Bacillota	0,123	0,00 - 0,50	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,112	0,00 - 0,01	confiable
Gordonibacter urolithinifaciens	Actinomycetota	0,048	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium sp. C1	Bacillota	0,006	0,00 - 0,10	confiable
Clostridium pasteurianum	Bacillota	0,001	0,01 - 0,10	confiable
Clostridium saccharobutylicum	Bacillota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Klebsiella oxytoca	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Clostridium butyricum	Bacillota	0,000	0,01 - 0,10	posible

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA PRODUCTORA DE SULFURO DE HIDRÓGENO

Porcentaje relativo de la microbiota Bacteriana (ref 0 - 5): 3,084

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Odoribacter splanchnicus	Bacteroidota	0,725	0,01 - 0,50	confiable
Alistipes onderdonkii	Bacteroidota	0,567	0,18 - 0,80	confiable
Parabacteroides merdae	Bacteroidota	0,365	0,50 - 1,50	confiable
Alistipes shahii	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes shahii WAL 8301	Bacteroidota	0,340	0,18 - 0,80	confiable
Alistipes finegoldii	Bacteroidota	0,199	0,08 - 0,30	confiable
Alistipes finegoldii DSM 17242	Bacteroidota	0,145	0,08 - 0,30	confiable
Collinsella aerofaciens	Actinomycetota	0,127	0,08 - 2,45	confiable
Klebsiella pneumoniae	Pseudomonadota	0,112	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes onderdonkii subsp. vulgaris	Bacteroidota	0,090	0,18 - 0,80	confiable
Citrobacter freundii	Pseudomonadota	0,044	0,00 - 0,02	confiable
Fusobacterium	Fusobacteriota	0,026	0,00 - 0,01	neutral
Campylobacter	Campylobacterota	0,024	0,00 - 0,01	neutral
Alistipes senegalensis	Bacteroidota	0,011	0,10 - 0,80	confiable
Amedibacterium intestinale	Bacillota	0,004	0,10 - 2,80	confiable
Salmonella enterica	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Klebsiella quasipneumoniae	Pseudomonadota	0,003	0,00 - 0,01	confiable
Alistipes indistinctus	Bacteroidota	0,003	0,05 - 0,50	confiable
Desulfovibrio piger	Thermodesulfobacteriota	0,002	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter portucalensis	Pseudomonadota	0,002	0,00 - 0,02	confiable
Treponema	Spirochaetota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Shewanella	Pseudomonadota	0,001	0,00 - 0,01	neutral
Desulfovibrio vulgaris	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter amalonaticus	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Enterobacter cloacae	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfuromonas soudanensis	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Citrobacter braakii	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Desulfovibrio desulfuricans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	confiable
Desulfosudis oleivorans	Thermodesulfobacteriota	0,000	0,00 - 0,01	neutral
Citrobacter koseri	Pseudomonadota	0,000	0,00 - 0,02	confiable
Alistipes sp. dk3624	Bacteroidota	0,000	0,02 - 0,20	confiable
Desulfosporosinus meridiei	Bacillota	0,000	0,00 - 0,01	neutral

METABOLITOS TÓXICOS

MICROBIOTA DOMINIO ARCHAEA PRODUCTORA DE METANO

Porcentaje relativo de la microbiota intestinal (ref 0 - 0.4) : 1,11*

Porcentaje relativo de archaea: 79,65

Especies / Subespecies	Filo	[%]	Ref	Inferencia
Methanobrevibacter smithii	Euryarchaeota	47,424	0,00 - 0,07	confiable
Methanosphaera stadtmanae	Euryarchaeota	31,831	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter sp. TLL-48-HuF1	Euryarchaeota	0,353	0,00 - 0,07	confiable
Methanomassiliicoccaceae archaeon DOK	Euryarchaeota	0,007	0,00 - 0,01	confiable
Methanobrevibacter ruminantium M1	Euryarchaeota	0,007	0,00 - 0,07	confiable
Methanobrevibacter olleyae	Euryarchaeota	0,007	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans	Euryarchaeota	0,007	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina acetivorans C2A	Euryarchaeota	0,007	0,00 - 0,07	posible
Methanosarcina barkeri	Euryarchaeota	0,007	0,00 - 0,07	posible

TÉCNICA USADA EN ESTE ANÁLISIS

Análisis metagenómico clínico de datos masivos in-silico de alta resolución, a partir de secuenciación de ácidos nucleicos con nanotecnología de última generación sobre muestras biológicas de la Microbiota Intestinal humana, y clasificación inteligente de especies y subespecies con Machine Learning y una base propia de conocimiento, entrenada a escala de Terabases de nucleótidos.

MICROORGANISMOS DETECTABLES CON ESTA TÉCNICA

Las tablas que contiene este informe describen los microorganismos que han sido detectados en la muestra del paciente y que están referenciadas bibliográficamente. Estas tablas se actualizan de forma continua en función de los avances de conocimiento de evidencia médica y las correspondientes publicaciones de la comunidad científica.

A la fecha de realización de este informe, el laboratorio tiene la capacidad potencial de detectar 75.083 microorganismos:

Arqueas:	728	Hongos:	49.015
Bacterias:	20.709	Virus:	4.631

VALIDACIÓN DE LA TÉCNICA

La validación de nuestras pruebas ya está cubierta por una agencia independiente. De acuerdo con los criterios UNE-EN ISO / IEC 17043:2010 estándar para la realización de pruebas, ENAC otorga acreditación a la entidad técnica SEIMC (Sociedad Española de Enfermedades infecciosas y Microbiología clínica), que verifica mensualmente al Laboratorio Xenogene.

DERECHOS DE USO

Los resultados de este informe pueden ser usados por profesionales de salud únicamente para poder tratar individualmente al paciente.

El diseño, imágenes, nombre comercial, marcas, logos, servicios y contenidos relacionados con este informe se encuentran protegidos por la Ley de Propiedad industrial o intelectual y son propiedad del Laboratorio Xenogene, sin que pueda entenderse que el uso atribuya al Usuario derecho alguno.

El Usuario reconoce y acepta que su uso indebido queda terminantemente prohibido, así como su reproducción, comunicación y/o distribución, modificación, alteración o descompilación, parcial o completa, sin autorización del autor, ya sea con finalidades de uso personal, privado y no lucrativo o con fines comerciales o lucrativos.

El Laboratorio Xenogene se reserva la posibilidad de ejercer las acciones judiciales que correspondan contra los Usuarios que violen o infrinjan los derechos de propiedad intelectual e industrial.

PROTECCIÓN DE DATOS

Laboratorio Xenogene es el responsable del tratamiento de los datos personales proporcionados bajo su consentimiento y le informa que éstos serán tratados de conformidad con lo dispuesto en las normativas vigentes en protección de datos personales, el reglamento (UE) 2016/679 de 27 de abril de 2016 (GDPR), con la finalidad de gestionar los resultados de las pruebas clínicas solicitadas. Los datos se conservarán mientras exista una obligación legal, y cuando ya no sean necesarias se suprimirán con medidas de seguridad adecuadas, para garantizar una adecuada asistencia, así como para cumplir con la normativa vigente aplicable. Sus datos no serán cedidos, salvo en los casos obligados por Ley. Podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, supresión, oposición, limitación del tratamiento de datos y portabilidad, en la medida que sean aplicables, a través de comunicación escrita al responsable del tratamiento de datos, en calle Tampa, 2 (29007) Málaga, concretando su solicitud junto con DNI o documento equivalente. Asimismo, le informamos de la posibilidad de presentar una reclamación ante la Agencia de Protección de Datos www.agpd.es <<http://www.agpd.es>>.

Más información en XENOGENE

ANEXO

Este anexo describe la columna inferencia del informe de análisis metagenómico

Dada la naturaleza estocástica de la clasificación de organismos y estimación de su abundancia en la muestra obtenida de pacientes que suelen presentar clínicas complejas, hemos incorporado una columna adicional dónde se expone la valoración de un procedimiento de inteligencia artificial como apoyo en la toma de decisiones del facultativo prescriptor del ensayo.

Esta valoración puede presentar las siguientes etiquetas:

- confiable :

Indica la presencia, en el momento actual, del organismo encontrado. Un procedimiento de ensamblaje de las secuencias genéticas presentes en la muestra podría permitir la recuperación de su genoma de forma total o parcial e incluso, si el organismo es cultivable (según la disponibilidad de la tecnología actual) podría cultivarse.

- neutral :

En este caso, la inteligencia artificial se inhibe de valorar la clasificación obtenida; esto sucede porque la línea del informe está mostrando algún rango de la clasificación taxonómica distinta de especie o cepa. También sucede cuando la clasificación y la estimación de la abundancia, en esa línea, no presenta ninguna característica más allá de su clasificación y un cálculo de su abundancia dentro de los límites de precisión adecuados.

- posible :

Nos encontramos con detecciones en las que no es posible recuperar su genoma completo, aunque se hayan clasificado correctamente; o bien su estimación de la abundancia no concuerda con los rigurosos controles de precisión exigidos en nuestros análisis.

RECOMENDAMOS, en este caso, que sea la **VALORACIÓN de la CLÍNICA** que presenta el paciente la que determine la aceptación de estas detecciones como responsables de la patología que presenta el paciente. En el caso de que **NO CONCUERDE**, simplemente, puede ser descartado.