

Controlo e Edição

SED - editar em uma linha

Sed é um commando poderoso que permite manipular texto dentro de um ficheiro.

sed [options] [filename]

O mais frequente é utiliza lo para substituir padroes. O formato é :

sed 's\[padrao a modificar]\[padrão de substituicao]\g' [nome do

```
MINGW64:/c/Users/bioin/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_s... — X

bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/wORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ cat my_file_list.txt
amostra_1.fastq
amostra_2.fastq
amostra_3.fastq
amostra_4.fastq
amostra_5.fastq
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/wORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ sed 's\amostra_\ficheiros_\g' my_file_list.txt
ficheiros_1.fastq
ficheiros_2.fastq
ficheiros_3.fastq
ficheiros_4.fastq
ficheiros_5.fastq
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ |
```

Agora vimos como modificar o que lemos de um ficheiro. mas notem que nao modificamos o seu conteudo! se abrirmos o ficheiro continua igual.

• com o argumento sed -i modificamos o ficheiro sem escrever para a shell.

Mas e entao e se, em vez de moficar o ficheiro, nós quisessemos escrever um ficheiro novo, com o resultado da nossa modificacao?

Pipes e redirecoes.

Duas das características mais poderosas da shell.

Primeiro precisamos de rever uns conceitos:

 Input : STDIN 0 até agora, vimos que o input de um comando da shell é o ficheiro que vem no fim. no problem!

- Output : STDOUT 1 até agora vimos o output a aparecer escrito na SHELL. Este é o **Standard Output**, e é o comportamento default, mas não o unico!
- Erro: STDERR 2 este nós ainda nao vimos, mas corresponde a msgs de erro quando o programa nao funciona.

Estes são os tres canais de mensagem que sao respeitados por todos os comandos UNIX.

exemplo:

```
### STDIN neste caso é o cadeado
### STDOUT é a SHELL!
echo "hello world"
```

um exemplo de STDERR:

ls oienrgvoiaenrg ## lista de elementos, mas a directoria que na

Controlar o Output

Em UNIX, controlamos a saída de um programa usando o simbolo 🔊

```
• STDOUT - > ou 1>
```

```
echo "hello world" > my_file.txt
```

• STERR - 2>

```
cat hello 2> my_error_output.txt
```

Se utilizarmos o simbolo > apenas uma vez, o nosso comando substitui qualquer conteudo do ficheiro de destino!

para addicionar linhas novas ao nosso ficheiro de destino, usamos >>>

O output de qualquer comando pode ser redirecionado desta maneira.

```
MINGW64:/c/Users/bioin/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_s... — X

bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ 11
total 1
-rw-r---- 1 bioin 197609 80 Nov 12 10:41 my_file_list.txt

bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ ls -l > my_list.txt

bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ cat my_list.txt
total 1
-rw-r---- 1 bioin 197609 80 Nov 12 10:41 my_file_list.txt
-rw-r----- 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:01 my_list.txt

bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ |
```

Pipes

Vimos como controlar o output de um programa. mas também é possivel controlar o input!

Todos os comandos de UNIX, e muitos programas em bioinformatica, estao preparados para que o INPUT seja passado "implicitamente". O que é que isto quer dizer?

Vamos ver um exemplo:

Imaginemos que a partir da minha lista de ficheiros, quero :

- apenas as amostras cujo nome acabe em "1", e
- para estas quero trocar "amostra" por "ficheiro".

Eu posso fazer os dois separadamente:

```
MINGW64:/c/Users/bioin/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_s... — 
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ grep "1.fastq" my_file_list.txt
amostra_1.fastq
amostra_1.fastq
amostra_1.fastq
amostra_21.fastq
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ sed 's\amostra_\ficheiros_\g' my_file_list.txt
ficheiros_1.fastq
ficheiros_2.fastq
ficheiros_3.fastq
ficheiros_4.fastq
ficheiros_5.fastq
ficheiros_5.fastq
```

Como é que os Junto? com um PIPE, representado pelo simbolo . Com PIPES, comandos UNIX deixam de precisar que o ficheiro de input seja explicito:

```
MINGW64:/c/Users/bioin/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_s... 

bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ grep "1.fastq" my_file_list.txt | sed 's\amostra\ficheiro\g'
ficheiro_1.fastq
ficheiro_1.fastq
ficheiro_11.fastq
ficheiro_21.fastq
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$
```

podemos juntar tantos PIPES quanto quisermos:

```
MINGW64:/c/Users/bioin/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ grep "1.fastq" my_file_list.txt | sed 's\amostra\ficheiro\g' | sed 's\fastq\fastq.gz\g'
ficheiro_1.fastq.gz
ficheiro_1.fastq.gz
ficheiro_21.fastq.gz
ficheiro_21.fastq.gz
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$
```

No final de um pipe, podemos redirecionar o nosso output para um ficheiro, assim combinando os dois:

```
MINGW64:/c/Users/bioin/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude

bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude

$ grep "1.fastq" my_file_list.txt | sed 's\amostra\ficheiro\g' | sed 's\fastq\fastq.gz\g' > output.txt

bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude

$ cat output.txt
ficheiro_1.fastq.gz
ficheiro_1.fastq.gz
ficheiro_21.fastq.gz
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude

$ bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
```

Exercício

Criar uma nova lista de ficheiros, em que os nomes de amostra aprecentao agora o código "amostra_UTC_" antes do numero atribuido.

Programação Bash

Vamos imaginar que temos uma operacao deste tipo que precisa de ser repetida muitas vezes. por exemplo. em vez de escrever muitas vezes o mesmo, devemos escrever um **script bash**.

- extensão .sh
- Para executar um programa a partir da linha de comando, usa se a forma
 [nome do ficheiro]

comecamos o script por indicar o programa que deve correr este script. este vais ser reconhecido pelo sistema operativo.

```
#!/usr/bin/env bash
#
echo "Hello World"
```

• #!/bin/bash tb é corrente, os dois sao indicativos do programa bash, que executa este script.

Loops

Muitas vezes, ao escrever um programa (ou na SHELL), é necessario repetir uma operacao para diversos ficheiros ou directorias. qualquer coisa do gênero: "para cada ficheiro"

A programação em bash permite este tipo de operações utilizando o formato for.

```
#!/bin/bash
# Basic for loop
names='Stan Kyle Cartman Kenny' # is one way to define lists
for name in $names
do
    echo $name
done
echo All done
```

- notem o do e o done que determinam o principio e o fim do conteudo da iteracao.
- notem a variavel names que guarda a lista de nomes. variáveis sao muito uteis em bash.
 - quando criamos uma variavel em bash, pdemos voltar a usar a variavel mediante o simbolo \$.

```
name="J0A0"
echo $name
```

Uma coisa muito frequente é querer criar numeros num faixa (i.e. de 1 a 20 por exemplo).

Neste script, utilizamos um loop para criar directorias de acordo com o padrão.

```
#!/bin/bash
# Basic range in for loop

for value in {1..5}
do
    mkdir "my_basic_directory_number_"$value
done
echo All done
```

num loop, é frequente termos varios ficheiros ou directorias, com padroes repetidos nos nomes, sobre as quais queremos trabalhar, nesse caso, a wildcard é muito util!

```
MINGW64:/c/Users/bioin/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca... — X

total 4
-rw-r--r-- 1 bioin 197609 581 Nov 12 11:11 my_file_list.txt
-rwxr-xr-x 1 bioin 197609 60 Nov 12 11:33 my_first_script.sh*
-rw-r--r-- 1 bioin 197609 121 Nov 12 11:01 my_list.txt
-rw-r--r-- 1 bioin 197609 82 Nov 12 11:20 output.txt
drwxr-xr-x 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:47 practice/
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ mv * practice
mv: cannot move 'practice' to a subdirectory of itself, 'practice/practice'
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ 11
total 0
drwxr-xr-x 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:47 practice/
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ mv practice/* ./
```

Vamos por exemplo, adicionar um ficheiro de results em cada uma das nossas directorias:

```
MINGW64:/c/Users/bioin/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
                                                                       total 0
drwxr-xr-x 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:48 my_basic_directory_number_1/
drwxr-xr-x 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:48 my_basic_directory_number_2/
drwxr-xr-x 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:48 my_basic_directory_number_3/
drwxr-xr-x 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:48 my_basic_directory_number_
drwxr-xr-x 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:48 my_basic_directory_number_
drwxr-xr-x 1 bioin 197609 0 Nov 12 11:48 practice/
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
 for dir in my_basic_directory_number_*;
 echo "my analysis" > $dir"/results.txt";
 done
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
$ 11 my_basic_directory_number_1/
total 1
-rw-r--r-- 1 bioin 197609 12 Nov 12 11:51 results.txt
bioin@artic2 MINGW64 ~/OneDrive/Desktop/WORK/INSA/Presentations/forca_saude
```

Exercicio 1

Escrever um loop para criar uma serie de nomes em série, com números de 1 a 10, segindo o padrão acima. A cada iteração, imprimir o nome do ficheiro usando "echo"

Exercício 2

entrar na pasta /unix/folders/. esta pasta contem várias sub-directorias com um ficheiro de resultados, results.txt, cada.

- 1. Escrever um loop para imprimir o nome de cada uma das pastas (ver acima)
- 2. Escrever um loop para encontrar qual pasta contem a amostra "amostra_23"