





DOCUMENTO

Procesamiento de Datos

Nombre del Alumno

Sara del Carmen Sanches de la Rosa

Materia

Ingeniería del Conocimiento

Docente

Flores Gallegos Eduardo

Fecha

28/05/2024







Código

```
# Instalar y cargar librerías
if (!require("readr")) install.packages("readr")
if (!require("dplyr")) install.packages("dplyr")
if (!require("ggplot2")) install.packages("ggplot2")
library(readr)
library(dplyr)
library(ggplot2)
# Leer el archivo CSV
covid data <- read csv("C:/Users/E1 M1/OneDrive/Imágenes/COVID19MEXICO.csv")
# Verificar nombres de columnas
print(colnames(covid_data))
print(unique(covid data$CLASIFICACION FINAL))
print(unique(covid_data$SEXO))
#¿Cuál es la edad media de mujeres que enfermaron de COVID?
edad media mujeres <- covid data %>%
 filter(SEXO == 2 & CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>%
summarize(edad_media = mean(EDAD, na.rm = TRUE))
print(edad media mujeres)
#¿Cuál es la edad media de hombres que enfermaron de COVID?
edad media hombres <- covid data %>%
 filter(SEXO == 1 & CLASIFICACION FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>%
summarize(edad_media = mean(EDAD, na.rm = TRUE))
print(edad media hombres)
#¿Cuántos hombres enfermaron en el municipio de Pabellón de Arteaga?
hombres_pabellon <- covid_data %>%
filter(SEXO == 1 & MUNICIPIO_RES == "Pabellón de Arteaga" & CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2,
3)) %>%
```







```
tally()
print(hombres pabellon)
#¿Cuál fue el municipio de Aguascalientes que tuvo la mayor cantidad de mujeres enfermas de
mayor municipio mujeres <- covid data %>%
filter(SEXO == 2 & ENTIDAD_RES == 1 & CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>% # Suponiendo
que '1' es Aguascalientes en ENTIDAD_RES
group_by(MUNICIPIO_RES) %>%
tally() %>%
 arrange(desc(n)) %>%
slice(1)
print(mayor municipio mujeres)
#¿Cuántos pacientes ambulatorios hubo en el país?
pacientes_ambulatorios <- covid_data %>%
filter(TIPO PACIENTE == 1 & CLASIFICACION FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>% # Suponiendo que '1' es
AMBULATORIO en TIPO_PACIENTE
tally()
print(pacientes_ambulatorios)
# Graficar con ggplot una gráfica con los pacientes de cada sector
ggplot(covid_data %>% filter(CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)), aes(x = as.factor(SECTOR))) +
geom_bar() +
labs(title = "Número de pacientes por sector",
   x = "Sector",
   y = "Número de pacientes") +
theme_minimal()
#¿Cuál es la edad máxima en la que se presenta una persona infectada?
edad maxima <- covid data %>%
filter(CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>%
 summarize(edad_maxima = max(EDAD, na.rm = TRUE))
print(edad_maxima)
```



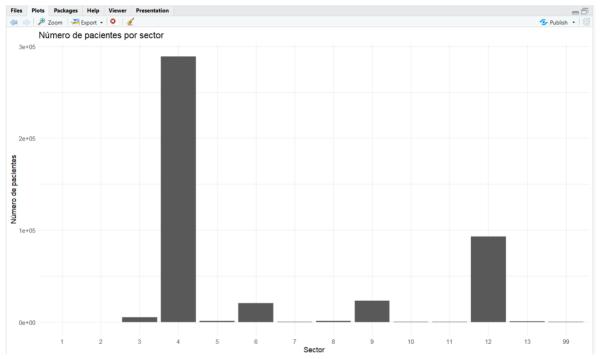




- 1. ¿Cuál es la edad media de mujeres que enfermaron de covid? es aproximadamente 40.7 años
- 2. ¿Cuál es la edad media de hombres que enfermaron de covid? es aproximadamente 42.5 años
- 3. ¿Cuántos hombres enfermaron en el municipio de Pabellón de Arteaga? No se encontraron en la base, o bien no hubo
- 4. ¿Cuál fue el municipio de Aguascalientes que tuvo la mayor cantidad de mujeres enfermas de covid?

No se encontraron en la base, o bien no hubo

- 5. ¿Cuántos pacientes ambulatorios hubo en el país? Hubo 413,461 pacientes ambulatorios en el país.
- 6. Grafique con ggplot una gráfica con los pacientes de cada sector.



7. ¿Cuál es la edad máxima en la que se presenta una persona infectada?

La edad máxima en la que se presenta una persona infectada es de 123 años







```
> if (!require("ggplot2")) install.packages("ggplot2")
Cargando paquete requerido: ggplot2
> library(readr)
> library(dplyr)
> library(ggplot2)
> # Leer el archivo CSV
> covid_data <- read_csv("C:/Users/E1_M1/OneDrive/Imágenes/COVID19MEXICO.csv")</pre>
Rows: 1296717 Columns: 40
  - Column specification
Delimiter: ","
chr (7): ID_REGISTRO, ENTIDAD_UM, ENTIDAD_NAC, ENTIDAD_RES, MUNICIPIO_RES, PAIS_NACIONALI...
dbl (29): ORIGEN, SECTOR, SEXO, TIPO_PACIENTE, INTUBADO, NEUMONIA, EDAD, NACIONALIDAD, EMB...
date (4): FECHA_ACTUALIZACION, FECHA_INGRESO, FECHA_SINTOMAS, FECHA_DEF
i Use `spec()` to retrieve the full column specification for this data.
i Specify the column types or set `show_col_types = FALSE` to quiet this message.
One or more parsing issues, call `problems()` on your data frame for details, e.g.:
  dat <- vroom(...)</pre>
  problems(dat)
> # Verificar nombres de columnas
> print(colnames(covid_data))
 [1] "FECHA_ACTUALIZACION"
[4] "SECTOR"
                                 "ID_REGISTRO"
                                                             "ORTGEN"
                                 "ENTIDAD_UM"
                                                             "SEXO"
 [7] "ENTIDAD_NAC"
                                 "ENTIDAD_RES"
                                                             "MUNICIPIO_RES"
[10] "TIPO_PACIENTE"
[13] "FECHA_DEF"
                                 "FECHA_INGRESO"
                                                             "FECHA_SINTOMAS"
                                 "INTUBADO"
                                                             "NEUMONIA"
[16] "EDAD"
                                 "NACIONALIDAD"
                                                             "EMBARAZO"
[19] "HABLA_LENGUA_INDIG"
[22] "EPOC"
                                 "INDIGENA"
                                                             "DIABETES"
                                 "ASMA"
                                                             "INMUSUPR"
[25] "HIPERTENSION"
                                                             "CARDIOVASCULAR"
                                 "OTRA_COM"
[28] "OBESIDAD"
[31] "OTRO_CASO"
                                  "RENAL_CRONICA"
                                                             "TABAQUISMO"
                                 "TOMA_MUESTRA_LAB"
                                                             "RESULTADO_LAB"
[34] "TOMA_MUESTRA_ANTIGENO" "RESULTADO_ANTIGENO"
                                                             "CLASIFICACION_FINAL"
[37] "MIGRANTE"
                                 "PAIS NACIONALIDAD"
                                                             "PAIS ORIGEN"
```







```
[34] "TOMA_MUESTRA_ANTIGENO" "RESULTADO_ANTIGENO" [37] "MIGRANTE" "PAIS_NACIONALIDAD"
                                                        "CLASIFICACION_FINAL"
                                                        "PAIS ORIGEN"
[40] "UCI"
> # Verificar valores únicos en CLASIFICACION_FINAL
> print(unique(covid_data$CLASIFICACION_FINAL))
[1] 7 3 6 1 5 2 4
> # Verificar valores únicos en SEXO
> print(unique(covid_data$SEXO))
[1] 2 1
> # ¿Cuál es la edad media de mujeres que enfermaron de COVID?
> edad_media_mujeres <- covid_data %>%
   filter(SEXO == 2 & CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>%
    summarize(edad_media = mean(EDAD, na.rm = TRUE))
> print(edad_media_mujeres)
# A tibble: 1 \times 1
  edad_media
       \langle db 1 \rangle
        40.7
 # ¿Cuál es la edad media de hombres que enfermaron de COVID?
> edad_media_hombres <- covid_data %>%
    filter(SEXO == 1 & CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>%
    summarize(edad_media = mean(EDAD, na.rm = TRUE))
> print(edad_media_hombres)
# A tibble: 1 \times 1
  edad_media
       <db1>
        42.5
> # ¿Cuántos hombres enfermaron en el municipio de Pabellón de Arteaga?
> hombres_pabellon <- covid_data %>%
    filter(SEXO == 1 & MUNICIPIO_RES == "Pabellón de Arteaga" & CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2,
3)) %>%
   tally()
> print(hombres pabellon)
```







```
group_by(MUNICIPIO_RES) %>%
   tally() %>%
arrange(desc(n)) %>%
   slice(1)
> print(mayor_municipio_mujeres)
f A tibble: 0 \times 2
# i 2 variables: MUNICIPIO_RES <chr>, n <int>
# ¿Cuántos pacientes ambulatorios hubo en el país?
pacientes_ambulatorios <- covid_data %>%
   filter(TIPO_PACIENTE == 1 & CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>% # Suponiendo que '1' es AMBULATORIO e
1 TIPO_PACIENTE
   tally()
print(pacientes_ambulatorios)
f A tibble: 1 \times 1
     n
   ~int>
 <u>413</u>461

ightarrow # Graficar con ggplot una gráfica con los pacientes de cada sector
pgplot(covid_data %>% filter(CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)), aes(x = as.factor(SECTOR))) +
   geom_bar() +
   labs(title = "Número de pacientes por sector",

x = "Sector",

y = "Número de pacientes") +
   theme_minimal()
→ # ¿Cuál es la edad máxima en la que se presenta una persona infectada?
→ edad_maxima <- covid_data %>%
   filter(CLASIFICACION_FINAL %in% c(1, 2, 3)) %>%
   summarize(edad_maxima = max(EDAD, na.rm = TRUE))
print(edad_maxima)
 A tibble: 1 \times 1
 edad_maxima
        \langle db 1 \rangle
          123
                          covid data ×
                                                   edad_maxima ×
             edad maxima
          1
              123
```









