#### باسمه تعالى

### تکلیف سری چهارم داده کاوی

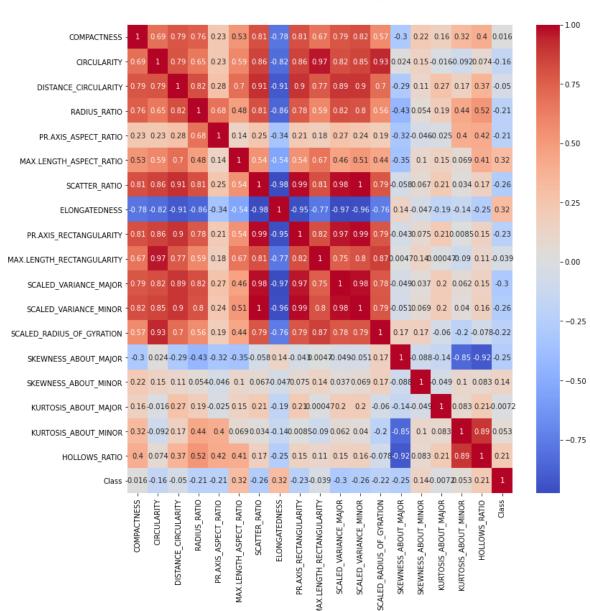
سارا برادران (شماره دانشجویی: ۹۶۲۴۱۹۳)

سوال ۱)

a) با استفاده از متد read\_csv دیتاست را خوانده و به دیتافریم تبدیل می کنیم.

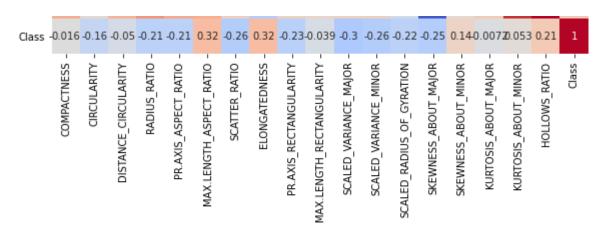
(b) ابتدا تمام missing value ها جستجو و با nan جایگذاری شده است. (البته به نظر دیتاست مربوطه فاقد missing value بوده است) سپس با استفاده از روش z\_score داده های پرت هر ستون را حذف کرده و نهایتا پس از value کردن ستون های دسته ای (فیلد class) از دیتافریم ایجاد شده برای انجام پردازش ها در قسمت بعدی استفاده می نماییم.

### c نمودار heatmap به صورت زیر رسم شده است :



تفسیر نمودار : با توجه به اینکه برخی از ستون های دیتاست correlation نسبتا زیادی با یکدیگر دارند لذا می توان برخی فیلد ها را نماینده برخی دیگر در نظر گرفته و به اصطلاح dimention\_reduction صورت دهیم. برای مثال فیلد PR.AXIS\_RECTANGULARITY و SCATTER\_RATIO دارای میزان SCALED\_VARIANCE\_MINOR و SCATTER\_RATIO که داری میزان میزان میزان دو فیلد SCATTER\_RATIO که داری میزان در حالت کلی فیلد SCATTER\_RATIO را نماینده دو فیلد در نظر گرفت.

ستون های موثر در فیلد class را با استفاده از این نمودار نمی توان بدست آورد چرا که هیچ از فیلد های داده شده به تنهای correlation چندانی با فیلد می بایست فیچر جدیدی ایجاد کرد که ارتباط نسبتا قوی با فیلد Class داشته باشد.



```
1 # 1-d
2 y = df_zscore[['Class']]
3 x = df_zscore.drop(['Class'], axis=1)
```

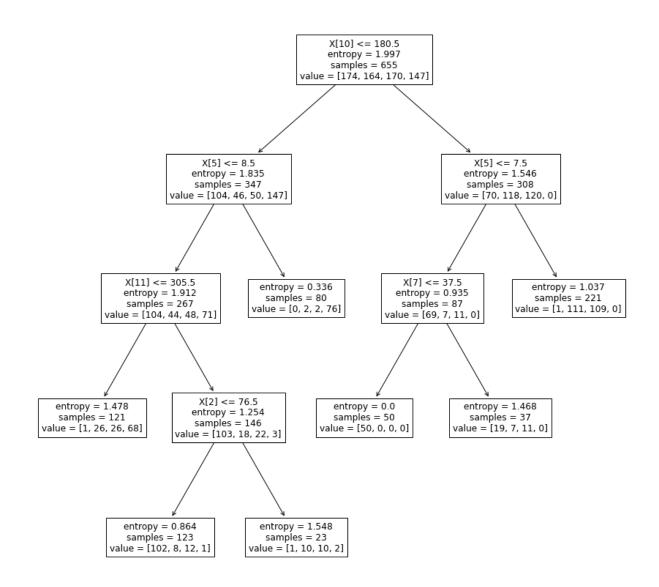
train\_test\_split و با نسبت 0.2 به 0.2 داده های 0.2 و train\_test\_split و پارامتر 0.3 برچسب گذاری می x (x, x, x) با استفاده از متد x

درصد توزیع هر یک از مقادیر فیلد Class را در دو بخش داده های یادگیری و تست بدست می آوریم :

(d

همانطور که مشخص است درصد توزیع مقادیر گوناگون فیلد Class در هر دو داده های تست و یادگیری حدودا یکسان می باشد.

max\_leaf\_nodes و پارامتر های DecisionTreeClassifier و پارامتر های DecisionTreeClassifier و پارامتر های T استفاده از متد T ایجاد کرده نمایش می دهیم. درخت تصمیم ایجاد شده به صورت زیر می باشد :



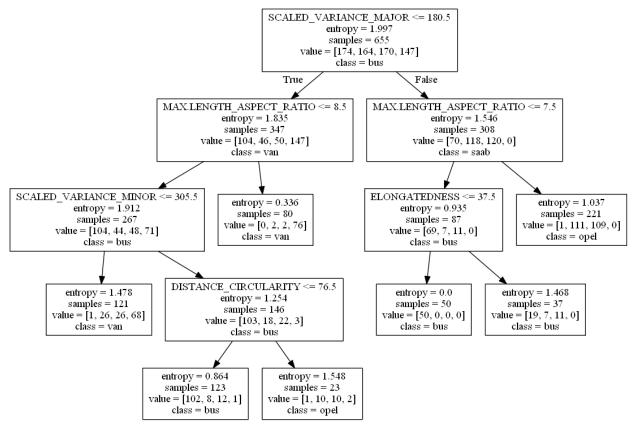
- g) ميزان دقت مدل بدست آمده حدود 0.64 (۶۴ درصد) مي باشد.
- h پارامتر های max\_leaf\_nodes, max\_features در کلاس (h

max\_leaf\_nodes : حداکثر تعداد گره های برگ می باشد با توجه به این موضوع می توان گفت تا یک میزانی هرچه این یارامتر بیشتر باشد گره های برگ بدست آمده تعداد بیشتری داشته و لذا هر گره می تواند خالص تر باشد.

max\_features : حداکثر تعداد فیلد ها و feature هایی که در ضمن split و جداسازی داده ها برای ساخت درخت مورد استفاده قرار می گیرد. تا حدودی می توان گفت هر چه میزان این پارامتر بزرگتر باشد و به نوعی تمام feature ها در جداسازی و ساخت درخت نقش داشته باشند مدل بدست آمده می تواند عملکرد بهتری داشته باشد.

گرچه افزایش هر دو پارامتر فوق می تواند منجر به کاهش سرعت تصمیم گیری مدل می شود چرا که در طول تست گره های بیشتر و feature های بیشتری باید تست و بررسی شود تا مدل نهایتا بتواند گره صحیح را برای یک رکورد بدست اورد.

i) خروجی تابع export\_graphviz بر روی مدل ایجاد شده به صورت زیر می باشد :



تفسیر درخت: در ریشه متغیر scaled\_variance\_major با آستانه 180.5 منجر به جداسازی داده ها شده و در صورتی که داده تست دارای میزان max\_length\_aspect\_ratio کمتر از 180.5 باشد در گام بعدی متغیر به عنوان جدا کننده ظاهر می شود و در صورتی که max\_length\_aspect\_ratio با آستانه 180.5 به عنوان جدا کننده ظاهر می شود و در صورتی که scaled\_variance\_major باشد این بار نیز متغیر scaled\_variance\_major باشد این بار نیز متغیر آست متغیر آستانه 7.5 به عنوان جدا کننده ظاهر می گردد. به همین ترتیب در عمق های بعدی در زیر درخت سمت راست متغیر elongatedness و در زیر درخت سمت چپ متغیر scaled\_variance\_minor به عنوان جدا کننده ظاهر می شود. در ادامه زیر درخت سمت راست به گره های برگ رسیده و در داده های زیر درخت سمت چپ آن دسته از داده ها که میزان scaled\_variance\_minor کمتر از 180.5 داشته اند به گره برگ رسیده و آن هایی که scaled\_variance\_minor کمتر از scaled\_variance\_major کمتر از scaled\_variance\_minor کمتر از scaled\_variance\_minor

یا مساوی 305.5 داشته اند با استفاده از بررسی متغیر distance\_circularity با آستانه 76.5 مجددا جدا سازی شده و به گره های برگ می رسند.

سوال ۲)

a) با استفاده از متد read\_csv و پارامتر ورودی names می توان برچسب ستون ها را تنظیم کرد.

missing value ابتدا تمام missing value ها جستجو و با nan جایگذاری شده است. (البته به نظر دیتاست مربوطه فاقد missing value بوده است) سپس با استفاده از روش  $z_score$  داده های پرت هر ستون را حذف کرده و به این سبب که رنج مقادیر داده های ستون های مختلف دیتاست بسیار متفاوت است عمل استاندارد سازی داده ها را با استفاده از  $z_score$  مقادیر داده های ستون های مختلف دیتاست بسیار متفاوت است عمل استاندارد سازی داده ها را با استفاده از  $z_score$  انجام می دهیم. (برای مثال رنج اعداد ستون Diabetes pedigree function در بازه  $z_score$  تا  $z_score$  اعداد ستون  $z_score$  تا  $z_score$  اعداد ستون  $z_score$  تا  $z_score$  استفاده از می باشد از بازه  $z_score$  تا  $z_score$  تا  $z_score$  استفاده ای در داخل دیتاست موجود نمی باشد لذا نیازی به  $z_score$  در نبوده و نهایتا از دیتافریم ایجاد شده برای انجام پردازش ها در قسمت بعدی استفاده می نماییم.

(c

```
# 2-c

y = df_zscore[['Class variable (0 or 1)']]

x = df_zscore.drop(['Class variable (0 or 1)'], axis=1)
```

درصد توزیع هر یک از مقادیر فیلد Class را در دو بخش داده های یادگیری و تست بدست می آوریم:

همانطور که مشخص است درصد توزیع مقادیر گوناگون فیلد Class در هر دو داده های تست و یادگیری حدودا یکسان می باشد.

criterion = "entropy" و n\_estimators = 100 و پارامتر ها RandomForestClassifier و استفاده از متد (e

و max\_depth = 3 درخت تصميم را ايجاد مي كنيم.

ميزان دقت مدل بدست آمده حدود 0.78 مي باشد.

(g) به طور کلی می توان گفت افزایش max\_depth و حداکثر عمق درخت تصمیم می تواند باعث شود دسته بندی و max\_depth جداسازی داده ها تا حد عمیق تری صورت گیرد و نهایتا گره های با خلوص بیشتری بدست آید. پس در حالت کلی تا یک آستانه ای افزایش max\_depth می تواند افزایش دقت مدل را به همراه داشته باشد. همانطور که در تصویر زیر مشخص است اگر از  $max_depth = 1$  آغاز کنیم تا رسیدن به  $max_depth = 7$  افزایش حداکثر عمق به طور واضح منجر به افزایش میزان دقت از حدود  $max_depth = 1$  تا حدود  $max_depth = 1$  به بعد تقریبا میزان دقت ثابت شده و یا تغییرات اندکی داشته و بهترین دقت بدست امده با  $max_depth = 13$  بوده است.

```
accuracy for max_depth 1 : 0.6715328467153284 accuracy for max_depth 2 : 0.7445255474452555 accuracy for max_depth 3 : 0.781021897810219 accuracy for max_depth 4 : 0.781021897810219 accuracy for max_depth 5 : 0.7956204379562044 accuracy for max_depth 6 : 0.781021897810219 accuracy for max_depth 7 : 0.8029197080291971 accuracy for max_depth 8 : 0.7956204379562044 accuracy for max_depth 9 : 0.7737226277372263 accuracy for max_depth 10 : 0.8029197080291971 accuracy for max_depth 11 : 0.8029197080291971 accuracy for max_depth 12 : 0.7956204379562044 accuracy for max_depth 13 : 0.8102189781021898 accuracy for max_depth 14 : 0.7956204379562044
```

# سوال ۳)

missing value ها جستجو و با nan جایگذاری شده است. (البته به نظر دیتاست مربوطه فاقد missing value بوده است) سپس با استفاده از روش z\_score داده های پرت هر ستون را حذف کرده و به این سبب که رنج مقادیر داده های ستون های مختلف دیتاست بسیار متفاوت است عمل استاندارد سازی داده ها را با استفاده از z\_score مقادیر داده های ستون های مختلف دیتاست بسیار متفاوت است عمل استاندارد سازی داده ها را با استفاده از انجام می دهیم. (برای مثال رنج اعداد ستون Diabetes pedigree function در بازه 2.42 تا عداد ستون Plasma glucose concentration a 2 hours in an oral glucose در حالی که رنج اعداد ستون tolerance test می باشد) هیچ متغیر دسته ای در داخل دیتاست موجود نمی باشد لذا نیازی به و دسته train و test استفاده کرده و نهایتا از دیتافریم ایجاد شده برای تقسیم بندی داده ها به دو دسته train و test استفاده کرده و استفاده تا و n\_estimators = 100, criterion = entropy و حداکثر عمق n\_estimators = 100, criterion = entropy و دیجاد می کنیم.

b) داده های تست را به مدل داده و نتایج بدست آمده برای ستون (Class variable (0 or 1) را در متغیر پرون (یا کنیم.

```
1 # 3_b
2 y_pred = rf01.predict(x_test)
```

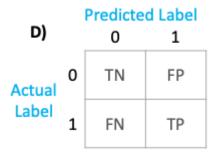
confusion بدست آمده مطابق زیر است: (c

این ماتریس حاوی تعداد نتایج true positive, true negative, false positive, false negative بدست آمده  $y_t$  با نتایج واقعی موجود در  $y_t$  می باشد.

برای اینکه به شکل واضح این امر نشان داده شود با استفاده از یک حلقه می توانیم با صورت دستی تعداد ، TN , TP , عا را محاسبه کنیم :

```
1 TN = 0; TP = 0; FN = 0; FP = 0
 2 d = y_test.to_numpy()
 3 row_num = y_test.shape[0]
 5 for i in range(0, row_num):
 6
       if (d[i][0] == y_pred[i]) and (y_pred[i] == 0):
        elif (d[i][0] == y_pred[i]) and (y_pred[i] == 1):
 8
 9
10
        elif (d[i][0] != y_pred[i]) and (y_pred[i] == 0):
11
        elif (d[i][0] != y_pred[i]) and (y_pred[i] == 1):
12
13
           FP += 1
14
15 print("TN =",TN, "\tTP =", TP,"\tFN =", FN,"\tFP =", FP)
              TP = 32
                              FN = 13
                                               FP = 16
TN = 76
```

همانطور که از نتایج بدست آمده مشخص است ماتریس confusion به صورت زیر می باشد :



(d

Precision – What percent of your predictions were correct?

Recall – What percent of the positive cases did you catch?

F1 score – What percent of positive predictions were correct?

Support \_ actual number of each value

## 1 print(classification\_report(y\_test, y\_pred))

	precision	recall	f1-score	support
0	0.85	0.83	0.84	92
1	0.67	0.71	0.69	45
accuracy			0.79	137
macro avg	0.76	0.77	0.76	137
weighted avg	0.79	0.79	0.79	137

Precision of 
$$0 = TN / TPN = 76 / 89 = 0.85$$

Precision of 
$$1 = TP / TPP = 32 / 48 = 0.66$$

Recall of 
$$0 = TN / TAN = 76 / 92 = 0.83$$

Recall of 
$$1 = TP / TAP = 32 / 45 = 0.71$$

F1-score of 0 = (2 \* Precision of 0 \* Recall of 0) / (Precision of 0 + Recall of 0)

$$= (2*0.85*0.83) / (0.85+0.83) = 1.411 / 1.67 = 0.84$$

F1-score of 1 = (2 \* Precision of 1 \* Recall of 1) / (Precision of 1 + Recall of 1)

$$=(2*0.67*0.71) / (0.67+0.71) = 0.9514 / 1.38 = 0.69$$

سوال ۴)

$$X = (fever = yes, cough = no, headache = yes)$$

$$P\left(cold = yes \mid X\right) = \frac{P\left(cold = yes \mid X\right)}{P(X)} = \frac{P(cold = yes) * P\left(X \mid cold = yes\right)}{P(X)}$$

$$P(X | cold = yes) = P(fever = yes | cold = yes) * P(cough = no | cold = yes) * P(headache = yes | cold = yes)$$

P (fever = yes | cold = yes) = 
$$\frac{3}{5}$$

P (cough = no | cold = yes) = 
$$\frac{1}{5}$$

P (headache = yes | cold = yes) = 
$$\frac{2}{5}$$

$$P (cold = yes) = \frac{5}{10}$$

P (cold = yes | X) = 
$$\frac{\frac{5}{10} * \frac{2}{5} * \frac{1}{5} * \frac{3}{5}}{P(X)} = \frac{\frac{3}{125}}{P(X)}$$

$$P\left(cold = no \mid X\right) = \frac{P\left(cold = no \cdot X\right)}{P(X)} = \frac{P(cold = no) * P\left(X \mid cold = no\right)}{P(X)}$$

 $P(X \mid cold = no) = P(fever = yes \mid cold = no) * P(cough = no \mid cold = no) * P(headache = yes \mid cold = no)$ 

P (fever = yes | cold = no) = 
$$\frac{2}{5}$$

P (cough = no | cold = no) = 
$$\frac{3}{5}$$

P (headache = yes | cold = no) = 
$$\frac{3}{5}$$

$$P (cold = no) = \frac{5}{10}$$

P (cold = no | X) = 
$$\frac{\frac{5}{10} * \frac{3}{5} * \frac{2}{5} * \frac{3}{5}}{P(X)} = \frac{\frac{9}{125}}{P(X)}$$

$$P\left(cold = no . X\right) > P\left(cold = yes . X\right) \rightarrow P\left(cold = no \mid X\right) > P\left(cold = yes \mid X\right)$$

با توجه به اینکه  $P(cold = no \mid X)$  مقدار بزرگتری بدست آمده است لذا کسی دارای تب و عدم سرفه و دارای سردرد است پیش بینی می شود سرماخوردگی ندارد.