



ChEMBLActivityPipeline

`ChEMBLCommonPipeline`,
`ChEMBLPipelineContract`

`bioetl/pipelines/chembl/`
`activity/run.py`

Конкру
ChEMBL
контра
оркест
данны
трансф
сохран

Класс	Предок	Модуль	Назна
-------	--------	--------	-------

ChembIClient

ConfiguredHttpClient

[bioetl/clients/chembl/client.py](#)

Высок
ChEME
унифи
инкаст
ChEME
запрос
содер
"chem
Chemb

Класс	Предок	Модуль	Назначение
RequestsBackend	<code>HttpBackend</code> (протокол)	<code>bioetl/clients/chembl/factories.py</code>	Реализация библиотеки API ChEMBL, одно из двух, по запро
ChEMBLRequestBuilder	(<i>нет</i> ; <code>dataclass</code>)	<code>bioetl/clients/chembl/client.py</code>	Конструирование запросов к различным источникам

Класс	Предок	Модуль	Назначение
ActivityExtractor	(нет; <code>dataclass</code>)	<code>bioetl/pipelines/chembl/activity/stages.py</code>	Класс для извлечения активности из ChEMBL.
ActivityTransformer	(нет; <code>dataclass</code>)	<code>bioetl/pipelines/chembl/activity/stages.py</code>	Класс для трансформации нормализованных активностей.
ActivityWriter	(нет; <code>dataclass</code>)	<code>bioetl/pipelines/chembl/activity/stages.py</code>	Класс для записи активностей в файл.
ActivityParser	(нет)	<code>bioetl/pipelines/chembl/activity/parsers.py</code>	Утилиты для преобразования и обработки активностей.

Класс	Предок	Модуль	Назначение
ActivityNormalizer	(нет)	<code>bioetl/pipelines/chembl/activity/normalizers.py</code>	Утилиты для активации нормализации (BaseNormalizer). Настройка колонок и его код.
BaseChEMBLNormalizer	(нет явно; базовый класс для нормализации ChEMBL)	<code>bioetl/clients/chembl</code> (модуль нормализации данных)	Базовые схемы для настройки. Принципы нормализации.
ColumnNormalizationSpec	(нет; <code>dataclass</code>)	<code>bioetl/clients/chembl</code> (спецификации колонок)	Спецификации одной атрибутивной группы данных. Умолчания опции (функции значений). Использование BaseNormalizer, после каждого

Класс	Предок	Модуль	Назначение
ColumnMapping	(<i>hem</i> ; <code>dataclass</code>)	bioetl/clients/chembl/ (утилиты разбора JSON)	Структура для парсинга соответствующих результатов или исходных данных. Напри- ColumnMapping ("acti "activ означает колонки поля альтернативные активные API 52 Activ запись
ChEMBLExtractionDescriptor	(<i>hem</i> ; <code>dataclass</code>)	bioetl/pipelines/chembl/ common/descriptor.py	Описывает данные параметры извлечения идентификаторов IDs и параметров пагинации. режим содержит для управления числами 60 . И разбирает логику
BatchPlan	(<i>hem</i> ; <code>dataclass</code>)	bioetl/clients/chembl/ descriptor_factory.py	Простой пакет для размещения числа запросов (chunks) батчей. записывает влияющие данные на зап

Класс	Предок	Модуль	Назначение
ChEMBLActivitySchema	<code>pandera.pandas.DataFrameSchema</code>	<code>bioetl/schemas/chembl_activity_schema.py</code>	Валидация данных Описательный итоговый (строки) также поля. Использование соответствует ожиданиям настройки сортировки при соединении
ActivityArtifactPlanner	<code>ArtifactPlanner</code>	<code>bioetl/pipelines/chembl/activity/run.py</code>	Специальный планировщик для данного класса, как будто разместил реалистическую формулировку именования и методов файла. <code>activity/run.py</code> основной образец детерминированного каталога
ActivityWriteService	<code>WriteService</code>	<code>bioetl/pipelines/chembl/activity/run.py</code>	Специальный сервис записи активности. Метод <code>write()</code> интерпретируется в контексте использования данными, учитывая выходные данные. <code>activity/run.py</code> является основным образцом детерминированного каталога

Класс	Предок	Модуль	Назна
UnifiedOutputWriter	(нет)	bioetl/core/io/output.py	Унифи вывод атомар ДИСК в файла выполн по зар сортире детерм основн .расп файл, генера (мета выгруз (run_ размер создан 74 75
DefaultValidationService	(нет явно; реализация сервиса валидации)	bioetl/core/pipeline/ services	Сервис пайпл вокруг исполи соотве ожида пустог необход пайпл напри пустог извлеч либо д дрейф исклю

Класс	Предок	Модуль	Назна
SchemaRegistry	(None)	<code>bioetl/core/io/artifacts.py</code>	In-mer ETL. Хр зареги Pande различ вместе инфо эталон настро сортиру (busine регистр (CHEM реестр затем валид перед

1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 66 67 68 69 70 71 72

73 run.py

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/pipelines/chembl/activity/run.py

23 24 25 26 34 35 client.py

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/clients/chembl/client.py

27 28 29 30 31 32 33 factories.py

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/clients/chembl/factories.py

36 37 38 39 40 41 42 43 44 45 46 47 48 49 50 62 stages.py

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/pipelines/chembl/activity/stages.py

51 52 53 parsers.py

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/pipelines/chembl/activity/parsers.py

54 55 56 57 58 normalizers.py

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/pipelines/chembl/activity/normalizers.py

59 60 61 63 descriptor.py

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/pipelines/chembl/common/descriptor.py

64 65 chembl_activity_schema.py

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/schemas/chembl_activity_schema.py

74 75 76 **output.py**

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/core/io/output.py

77 78 **strategies.py**

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/pipelines/chembl/common/strategies.py

79 80 81 82 83 **artifacts.py**

https://github.com/SatoryKono/bioactivity_data_acquisition/blob/98f17f432532cddd56d0a07fd4796b37c54677ec/src/bioetl/core/io/artifacts.py