

● Mock-infected ● C. difficile-infected

Porphyromonadaceae (OTU32)

n.s.

Prevotella (OTU24)

*

Olsenella (OTU20)

n.s.

Enterococcus (OTU68)

n.s.

Porphyromonadaceae (OTU5)

n.s.

Barnesiella (OTU147)

*

Pyramidobacter (OTU145)

*

Bacteroides (OTU3)

n.s.

Fusobacterium (OTU100)

*

Parabacteroides (OTU69)

n.s.

Faecalibacterium (OTU49)

*

Allobaculum (OTU40)

n.s.

Collinsella (OTU173)

n.s.

Oscillibacter (OTU38)

*

Bifidobacterium (OTU41)

n.s.

Arthrobacter (OTU17)

n.s.

Enterorhabdus (OTU167)

n.s.

Escherichia Shigella (OTU2)

n.s.

Blautia (OTU37)

n.s.

Clostridium XIVa (OTU91)

n.s.

Ruminococcaceae (OTU99)

n.s.

Clostridium XIVa (OTU142)

n.s.

Porphyromonadaceae (OTU13)

n.s.

Enterobacteriaceae (OTU86)

n.s.

Ruminococcaceae (OTU171)

n.s.

Clostridiales unclassified (OTU243)

n.s.

Veillonella (OTU182)

n.s.

Porphyromonadaceae (OTU9)

n.s.

Lachnospiraceae (OTU197)

n.s.

Prevotella (OTU157)

n.s.

Ruminococcus (OTU172)

n.s.

Bacteroides (OTU27)

n.s.

Lachnospiraceae (OTU106)

n.s.

Clostridium XVIII (OTU181)

n.s.

Relative Abundance (\log_{10}) OOB Error = 13.21%