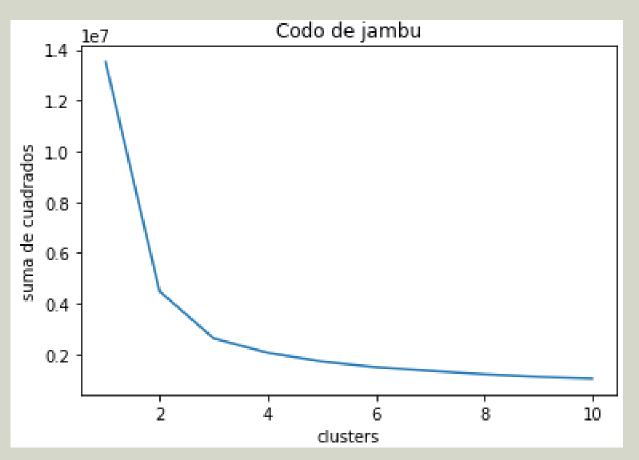


Aprendizaje No

Supervisado

Equipo: Luis Lagunes, Yair Ramírez y Sophia Valencia

K-Means





Preparación de los datos

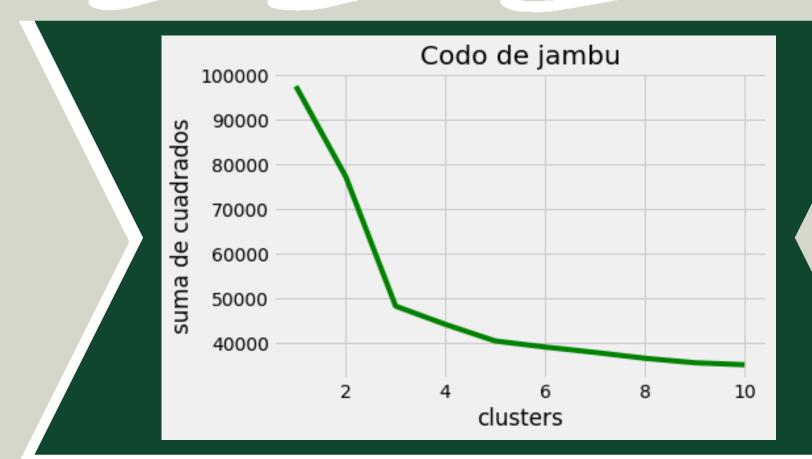
- Librerías
- .info()
- Remover última columna
- .describe()

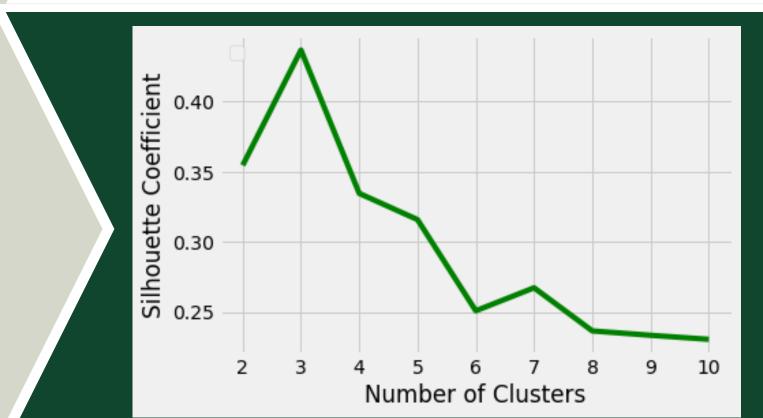
Implementación

- Codo de jambu
- KMeans()
- Añadir columna al dataframe

Evaluación

K-mediods





Preparación de los datos

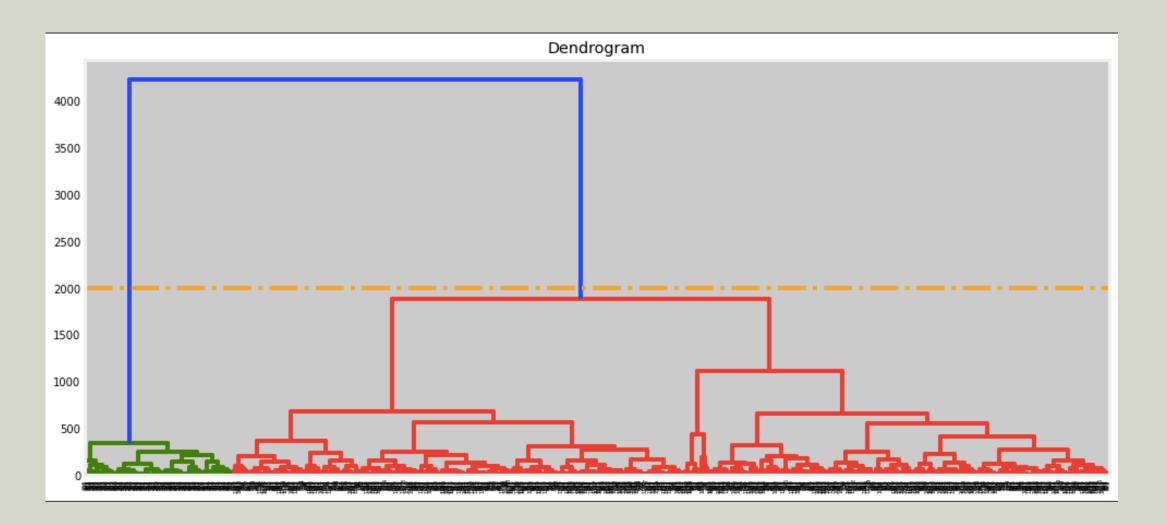
- Librerías
- .info()
- Remover última y primera columna
- .describe()

Implementación

- Codo de jambu
- KMedoids()
- Cluster.fit(dt)
- Añadir columna al dataframe

Evaluación

Hierarchical Clustering



Preparación de los datos

- Librerías
- .isna.sum()
- Remover última columna

Implementación

- linkage() y 'ward'
- sch.dendrogram()
- fcluster()
- Añadir columna al dataframe

Evaluación

Hierarchical Clustering



Preparación de los datos

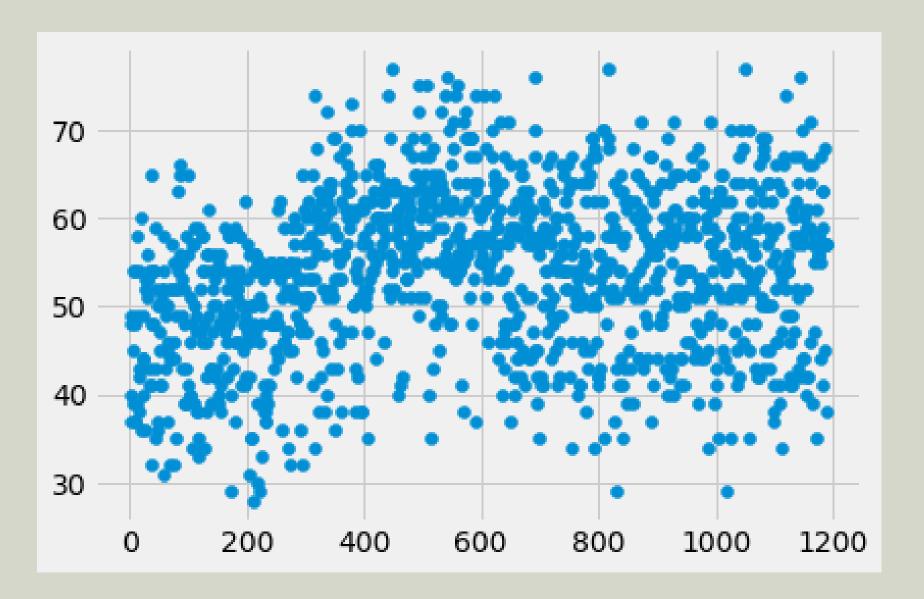
- Librerías
- .isna.sum()
- Remover última columna

Implementación

- linkage() y 'ward'
- sch.dendrogram()
- fcluster()
- Añadir columna al dataframe

Evaluación

Gaussian Mixture Model



Preparación de los datos

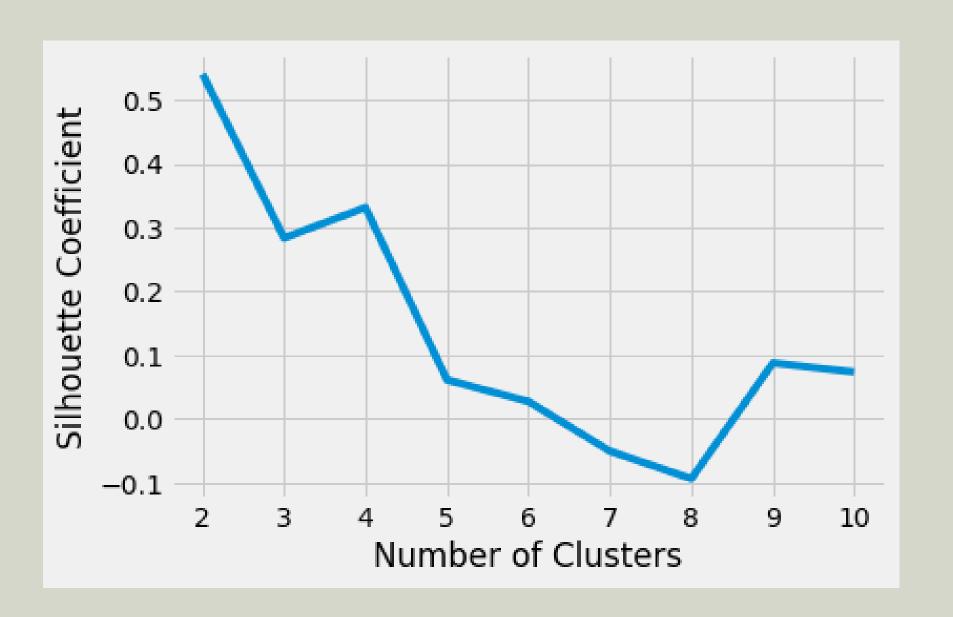
- Librerías
- .isna.sum()
- Remover última y primera columna
- .head()

Implementación

- gmm = GaussianMixture(n_components = 2)
- gmm.fit(d)gmm.fit(d)
- labels = gmm.predict(d)
- gmm.n_iter_

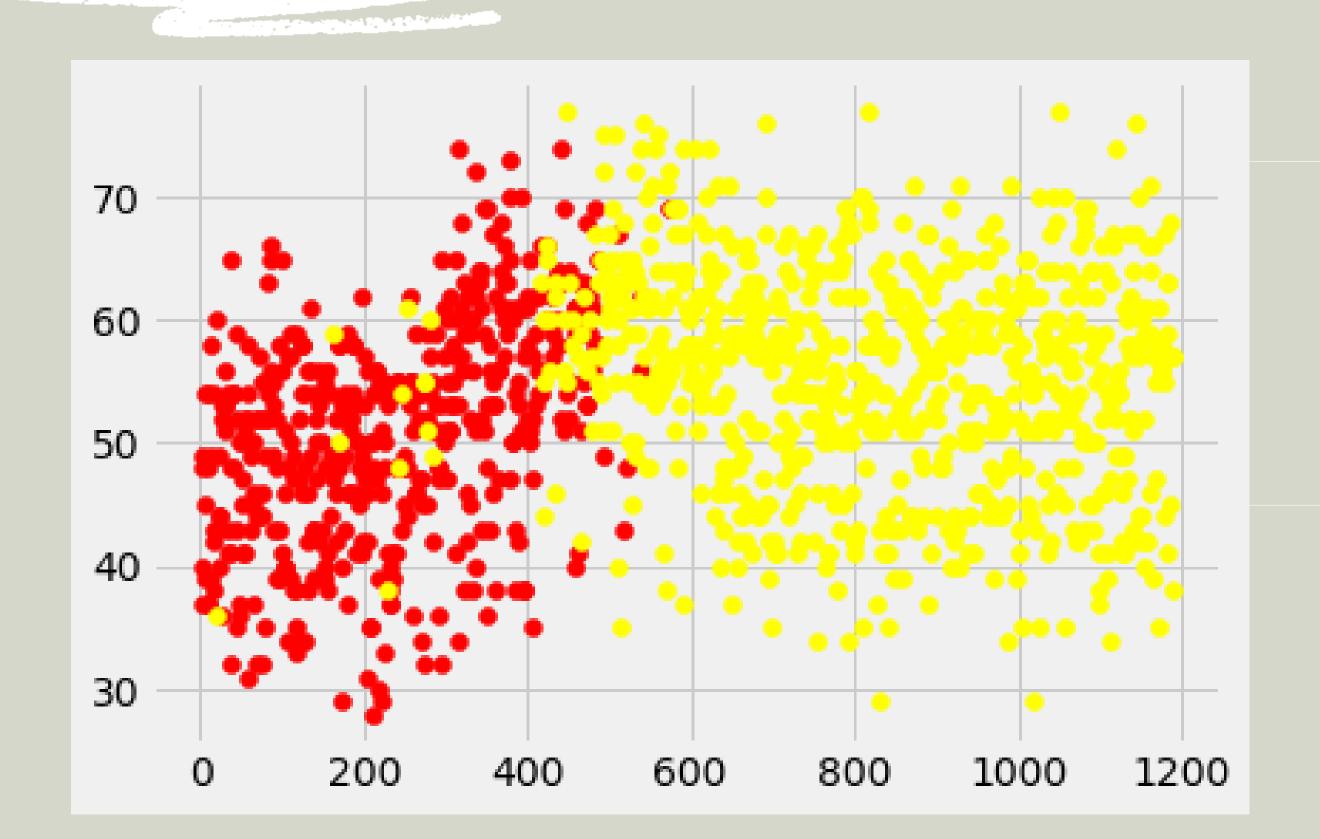
Evaluación

Gaussian Mixture Model

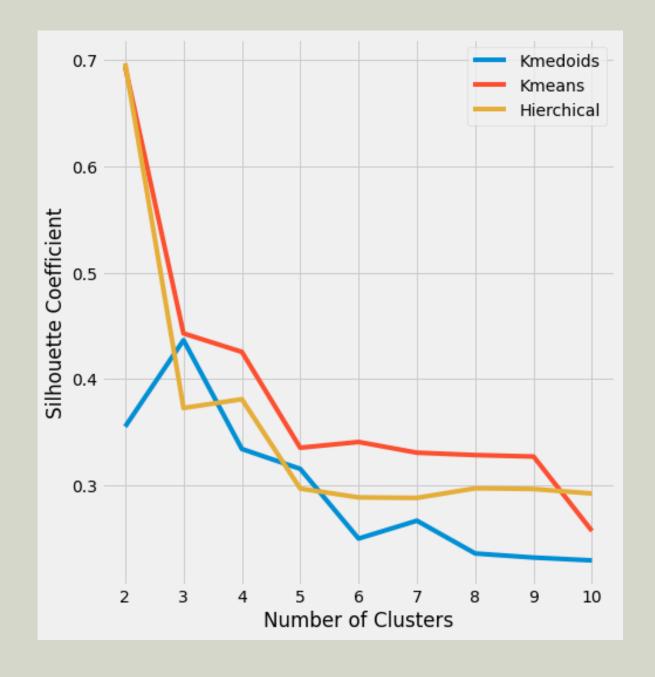


```
[0.5404404429515254,
0.28362797154473934,
0.33139215122957616,
0.06113995310082713,
0.027347373794344543,
-0.050514633113216044,
-0.09364760734282597,
0.08761384383686555,
0.07354048561311215]
```

Gaussian Mixture Model



Comparación de los métodos



Alianzas

Colaboración con empresas de salud prestigiosas Patrocinios

Patrocinio de iniciativas de salud pública Eventos

Participación en conferencias y exposiciones

Comparación de los métodos

