

GTTGCCCGGCAACGGCCAGGTCTGTGCCAAGTGTTTGCTGACGCAACCTCCACTG 1

AAAAGGTTCCACGCATGCGCTGATGGCCCATGACCAAGCCCCAGCCAGTGGAGGT 1

GTTGCCCGGCAACGGCCAGGTCTGTGCCAAGTGTTTGCTGACGCAACCTCCACTGGCTGGGGCTTGGTCATGGGCCATCAGCGCATGCGTGGAACCTTTT 100 1.9565217391304348 AAAAGGTTCCACGCATGCGCTGATGGCCCATGACCAAGCCCCAGCCAGTGGAGGTTGCGTCAGCAAACACTTGGCACAGACCTGGCCGTTGCCGGGCAAC 100 1.9565217391304348

ACCTCCACTGGCTGGGGCTTGGTCATGGGCCATCAGCGCATGCGTGGAACCTTTT 1

CAGTGGAGGTTGCGTCAGCAAACACTTGGCACAGACCTGGCCGTTGCCGGGCAAC 1