

# Sergio Peignier

# Curriculum Vitae

### Formation

- 2015 Advanced Lecture Course on Computational Systems Biology, *COMPSYSBIO spring school*, Aussois, France.
- 2015–2016 **2éme année de doctorat en Informatique**, École doctorale Infomath, INSA, INRIA LIRIS, Lyon, France.

  Actuellement
- 2014–2015 **1ère année de doctorat en Informatique**, École doctorale Infomath, INSA, INRIA LIRIS, Lyon, France.
- 2013–2014 **Ingénieur en Biosciences**, *Institut National de Sciences Appliquées (INSA)*, Lyon, France, spécialité Bio-Informatique et Modélisation. Félicitations du jury
- 2013–2014 **Master Informatique fondamentale**, *École Normale Supérieure*, Lyon, France, Mention Systèmes Complexes.
  - Seminaire de logique formelle et histoire de la logique formelle, Universidad Catolica Boliviana La Paz, La Paz, Bolivie.
     Diplôme de participation.
  - 2008 Premier Semestre d'Ingénierie en Télécommunications, Universidad Franz Tamayo,
     La Paz, Bolivie.
     En attendant le début des cours à l'INSA de Lyon.
  - 2008 Baccalaureat scientifique, Lycée Franco-Bolivien Alcides d'Orbigny, La Paz, Bolivie, spécialité Physique.
    Mention Très Bien, félicitations du jury

#### Expériences

#### Enseignement

- 2014–2016 **Cours de modélisation en biologie**, *modélisation et MATLAB*, INSA, Lyon. 3éme année département de Bio-Informatique et modélisation (BIM) (6 heures)
- 2014–2016 **Cours d'informatique**, *Bases de données et SQL*, INSA, Lyon. 3éme année département de Bio-Informatique et modélisation (BIM) (26 heures)
- 2014–2016 **Cours de programation**, *Python*, INSA, Lyon. 3éme année département de Bio-Informatique et modélisation (BIM) (24 heures)

2012–2014 Cours de tutorat, programme Passerelle, INSA, Lyon.

cours de soutien en mathématique et informatique à plusieurs groupes d'éléves de première et deuxième année de l'INSA de lyon.

#### **Stages**

- 2016 **Séjour de collaboration de 8 semaines**, Facultad de Ciencias Puras y Naturales, Universidad Mayor de San Andrés (UMSA), La Paz, collaboration avec le Professeur Heriberto Castañeta Maroni.
  - Application de Chameleoclust, programme développé dans le cadre du doctorat, pour appliquer des techniques de subspace clustering à l'étude de données décrivant des molécules chimiques.
- 2014 **Stage de 6 mois**, équipe "Artificial Evolution and Computational Biology" (BEAGLE) dépendant de l'Institut National de Recherche en Informatique et Automatique (INRIA) et du Laboratoire d'InfoRmatique en Image et Systèmes d'information (LIRIS), Lyon, sous la supervision de Guillaume Beslon et Christophe Rigotti.
  - Implémentation d'un modèle evolutif pour étudier des mécanismes propres à l'évolution de l'évolution
  - o Application de ces mécanismes pour des tâches d'apprentissage non supervisé.
- 2013 **Stage de 4 semaines**, Laboratoire de Chimie théorique, Universidad mayor de San Andres (UMSA), La Paz, sous la supervision de Heriberto Castañeta.
  - Implémentation d'un programme de Q-SAR basé sur des réseaux de neurones et des algorithmes génétiques.
- 2013 **Stage de 4 mois**, équipe "Genetic of Intra-Species Variations" au Laboratoire de Biologie Moléculaire de la Cellule (LBMC) de l'ENS, Lyon, sous la supervision de Gael Yvert.
  - Implémentation d'un programme pour détecter des régions géniques impliquées dans un avantage selectif pour des populations de levures sous sélection.
  - Études de données en prestation pour l'entreprise Lesaffre
- 2012 **Stage de 5 semaines**, Laboratoire de Chimie théorique, Universidad mayor de San Andres (UMSA), La Paz, Sous la supervision de Heriberto Castañeta.
  - Implémentation d'un programme de prédiction de structures secondaires de molécules de ARN grâce à des réseaux de neurones.
  - Publication d'un article dans la revue "Bolivian Journal of Chemistry".

# Compétences en informatique

Bases Hardware informatique, HTML, PASCAL

Avancées Linux, Microsoft Windows, Internet, PYTHON, C, C++, R, MYSQL, SQLITE, MATLAB, JAVA,  $\LaTeX$ 

#### **Publications**

Paper Peignier, S., and Castañeta, H. (2015). Analysis of subspace clustering of molecules using accepted Chameleoclust, an evolutionary algorith. Revista Boliviana de Química, 32(5), 110-120.

#### Conférences

Paper Abernot, J., Beslon, G., Peignier, S. and Rigotti, C.: A commensal architecture for evolving accepted living instruments. In Conference on Computer Simulation of Musical Creativity

Long abstract Peignier, S., Rigotti, C., and Beslon, G. Subspace Clustering for all Seasons. In EvoEvo accepted Workshop (satellite workshop of ECAL 2015)

Long paper Peignier, S., Rigotti, C., and Beslon, G. Subspace clustering using evolvable genome accepted structure. In Proceedings of the 2015 on Genetic and Evolutionary Computation Conference (pp. 575-582). ACM.

#### **Séminaires**

Présentation Événement BeyondLab maths-info : EvoEvo (Evolution of Evolution)(2016)

Séminaire Équipe DM2L: Subspace Clustering Using Evolvable Genome Structure (2016)

Présentation Journée des Thèses du LIRIS: Subspace Clustering Using Evolvable Genome Structure d'un poster (2016)

#### Prix et Distinctions

2015 Best Paper Award, Evolutionary Machine Learning, International ACM conference on Genetic and Evolutionary Computation Conference, Madrid. GECCO-2015

## Langues étrangères:

Anglais TOEIC

Portugais Niveau B1

Italien Niveau B1

Français Langue Maternelle

Espagnol Langue Maternelle

Validé en 2013

Validé en 2013

Validé en 2013

Bilingue

Bilingue

#### Divers

- **Sciences et Art:** Création et participation dans le projet *Informatique Sensorielle*. Participation aux quatrièmes rencontres RADART (2014).
- **Musique** : Pratique régulière de flûte traversière et de guitarre. Validation du premier cycle au Conservatoire National de Musique (CNM) de La Paz Bolivie.
- o Dessin: Pratique régulière.
- **Sport**: Pratique régulière d'escalade et de course en endurance (participation à diverses courses et semi marathon).
- Philosophie: Participation a divers cours de philosophie et epistemologie en auditeur libre.