Analyse en Composantes Principales

Serigne Fallou Mbacke NGOM

2023-09-18

L'objectif d'une Analyse en Composantes Principales (ACP) est de résumer et visualiser un tableau de données individus × variables. L'ACP permet d'étudier les ressemblances entre individus du point de vue de l'ensemble des variables et dégage des profils d'individus. Elle permet également de réaliser un bilan des liaisons linéaires entre variables à partir des coefficients de corrélations.

Nous avons utilisé des données fournies par notre professeur de technologie aquacole. Ces données sont issues d'une expérimentation menée dans des fermes aquacoles au Sénégal et sont reparties sur quarte fichiers Excel. Les données contiennent des information sur l'alimentation (Ratio alimentaire, Taux de conversion alimentaire, ...) et la croissances des poissons (Biomasse, Taux de croissance, Taux de survie, ...) pendant la période d'élevage. Nous voulons dresser un bilan des relations entre les parametres zootechniques et comparer les performences des trois aliments testes.

1. Importer le jeu de données

library(readxl)

Aqua_data = read_xlsx("C:/@Bioiformatique mini-projets/ANALYSE AQUACULTURE/JEUX DE_DONNEES_AQUA_CORR.xlsx") head(Aqua_data)

```
## # A tibble: 6 × 15
## Bacs Date
                       Aliment `Nombre d'individu controlé`
                        <chr>
## <chr> <dttm>
## 1 BAC1 2021-09-22 00:00:00 Local 0
                                                       20
## 2 BAC4 2021-09-22 00:00:00 Local_0
                                                       20
## 3 BAC7 2021-09-22 00:00:00 Local 0
                                                       20
## 4 BAC2 2021-09-22 00:00:00 Local 10
                                                       20
## 5 BAC5 2021-09-22 00:00:00 Local 10
                                                       20
## 6 BAC8 2021-09-22 00:00:00 Local 10
## # i 11 more variables: `Biomasse controlée (g)` <dbl>,
## # `Poids moyen controlé (g)` <dbl>, Ration_g <dbl>,
## # `Gain Pm absolu (g)` <dbl>, `Gain Pm relatif (%)` <dbl>,
## # `Croissance journalière (g/j)` <dbl>,
## # Taux_croissance_spécifique_en_j <dbl>, Taux_de_survie <dbl>, TCA <dbl>,
## # ration <dbl>, ration_ind <dbl>
```

Aqua_data\$Aliment = factor(Aqua_data\$Aliment)
Aqua_data\$Bacs = factor(Aqua_data\$Bacs)
summary(Aqua_data)

```
##
      Bacs
               Date
                                Aliment
## BAC3 : 6 Min. :2021-09-22 00:00:00 Local 10:15
## BAC2 : 5 1st Qu.:2021-09-22 00:00:00 Local 25:15
## BAC4 : 5 Median :2021-11-17 00:00:00 Local 0 :15
## BAC5 : 5 Mean :2021-11-09 04:48:00
## BAC6 : 5 3rd Qu.:2021-12-16 00:00:00
## BAC7 : 5 Max. :2021-12-31 00:00:00
## (Other):14
## Nombre d'individu controlé Biomasse controlée (g) Poids moyen controlé (g)
## Min. :15.00
                  Min. : 51.50
                                   Min. :3.450
                    1st Qu.: 70.00
## 1st Qu.:16.00
                                       1st Qu.:3.750
## Median :19.00
                      Median: 79.50
                                        Median :4.469
## Mean :18.04
                      Mean : 81.17
                                        Mean :4.539
## 3rd Qu.:20.00
                      3rd Qu.: 86.00
                                        3rd Qu.:5.267
## Max. :20.00
                     Max. :115.80
                                       Max. :6.095
##
##
    Ration g Gain Pm absolu (g) Gain Pm relatif (%)
## Min. :1.360 Min. :-0.2284 Min. :-4.979
## 1st Qu.: 2.000 1st Qu.: 0.1417 1st Qu.: 2.764
## Median: 2.700 Median: 0.7053 Median: 19.968
## Mean :3.101 Mean : 0.9509 Mean :27.369
## 3rd Qu.:2.700 3rd Qu.: 1.6088 3rd Qu.:46.633
## Max. :6.790 Max. : 2.6447 Max. :76.659
##
## Croissance journalière (g/j) Taux_croissance_spécifique_en_j Taux_de_survie
## Min. :-0.01632
                    Min. :-0.3470
                                         Min. : 0.00
## 1st Qu.: 0.01012
                       1st Qu.: 0.1948
                                             1st Qu.: 80.00
## Median: 0.04325
                        Median: 1.0072
                                               Median: 95.00
## Mean : 0.04864
                                             Mean : 75.94
                       Mean : 1.1506
## 3rd Qu.: 0.05620
                        3rd Qu.: 1.3903
                                              3rd Qu.:100.00
## Max. : 0.18891
                        Max.: 4.0647
                                            Max. :100.00
##
     TCA
                 ration
                          ration_ind
## Min. :-7.5909 Min. :0.000 Min. :0.00000
## 1st Qu.: 0.6394 1st Qu.:1.326 1st Qu.:0.07524
## Median: 2.3883 Median: 2.145 Median: 0.12000
## Mean : 3.0010 Mean :2.155 Mean :0.12368
## 3rd Qu.: 3.9194 3rd Qu.: 2.691 3rd Qu.: 0.13606
## Max. :16.8600 Max. :5.260 Max. :0.35066
##
```

Analyse en Composantes Principales (ACP):

```
library(FactoMineR)
res.pca <- PCA(Aqua_data[4:15], quali.sup=3, graph = FALSE)
```

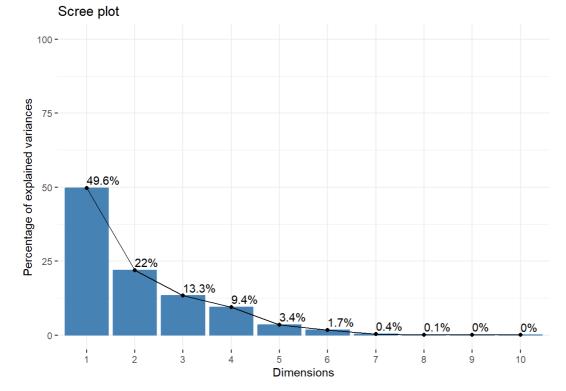
• Variance expliquée:

```
library("factoextra")
```

Le chargement a nécessité le package : ggplot2

Welcome! Want to learn more? See two factoextra-related books at https://goo.gl/ve3WBa

 $fviz_eig(res.pca, addlabels = TRUE, ylim = c(0, 100))$



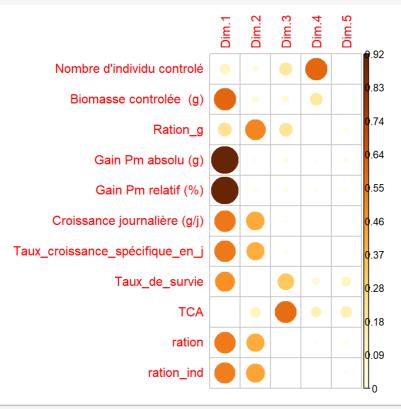
• Cercle de corrélation:

library("corrplot")

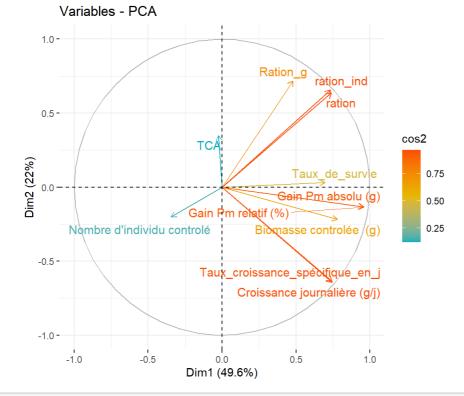
Warning: le package 'corrplot' a été compilé avec la version R 4.2.3

corrplot 0.92 loaded

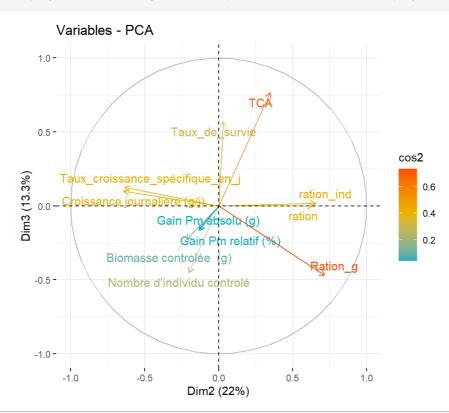
var <- get_pca_var(res.pca)
corrplot(var\$cos2, is.corr=FALSE)</pre>



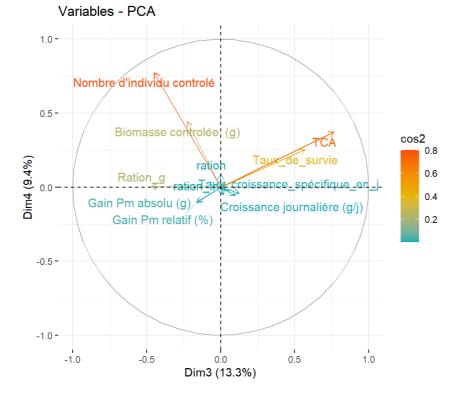
 $fviz_pca_var(res.pca, col.var = "cos2", gradient.cols = c("\#00AFBB", "\#E7B800", "\#FC4E07"), repel = TRUE)$



 $fviz_pca_var(res.pca, col.var = "cos2", gradient.cols = c("#00AFBB", "#E7B800", "#FC4E07"), repel = TRUE, axes = 2:3)$

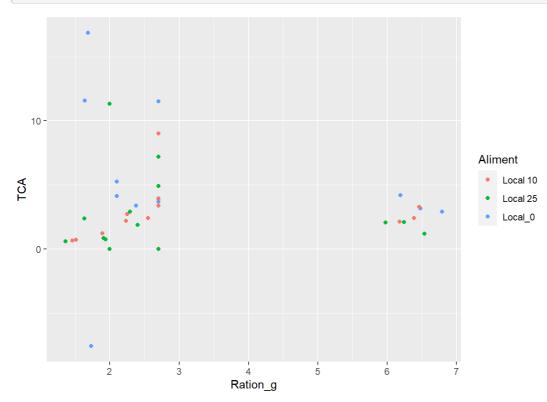


fviz_pca_var(res.pca, col.var = "cos2", gradient.cols = c("#00AFBB", "#E7B800", "#FC4E07"), repel = TRUE, axes = 3:4)

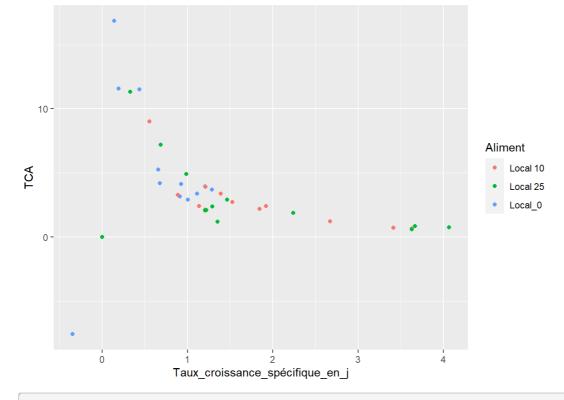


Comparaison des performences des trois (3) aliments:

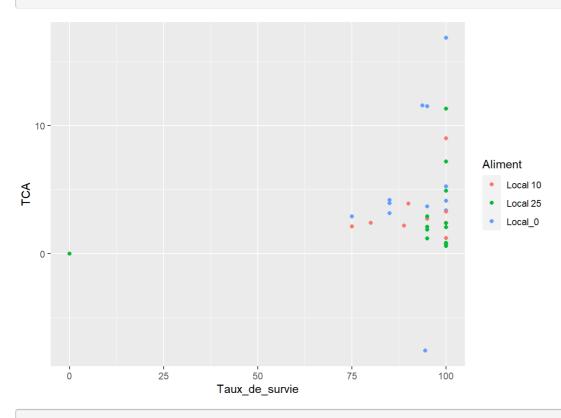




 $ggplot(Aqua_data) + aes(x=Taux_croissance_sp\'{e}cifique_en_j, y=TCA, color=Aliment) + geom_point()$



ggplot(Aqua_data) + aes(x=Taux_de_survie, y=TCA,color=Aliment) + geom_point()



 $ggplot(Aqua_data) + aes(x=Aliment, y=TCA) + geom_point()$

