# Introducción a los Modelos Bayesianos con R

**R-Ladies** 

Carolina Montoya Rivera

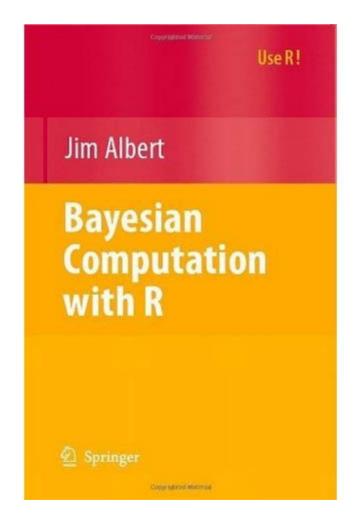
Actuaria, Instituto Nacional de Seguros

22/05/2019

Stio web: R-LADIES GLOBAL

Rladies xaringan theme





# Índice

•	Capítulo 1: Introducción a R.
•	Capítulo 2: Introducción al pensamiento bayesiano.
•	Capítulo 3: Modelos Univariados.
•	Capítulo 4: Modelos Multivariados.
•	Capítulo 5: Introducción a la computación bayesiana.
•	Capítulo 6: Métodos MCMC
•	Capítulo 7: Modelos Jerárquicos.
•	Capítulo 8: Comparación de modelos.
•	Capítulo 9: Modelos de regresión.
•	Capítulo 10: Muestreo de Gibbs.
•	Capítulo 11: R como interfaz de WinBUGS

# Capítulo 2

# Introducción al pensamiento Bayesiano

- La distribución de probabilidad de una variable aleatoria X, es una función que asigna la probabilidad de ocurrencia a cada realización de X.
- La idea básica de la estadística bayesiana, consiste en considerar tanto los datos X como los parámetros (p) asociados a su distribución como variables aleatorias.
- Supongamos que g(p) contiene la información sobre el parámetro p. Suponga que tenemos un vector de n observaciones  $\bar{x}=(x_1,x_2,\cdots,x_n)^T$ . La verosimilitud se denota como  $f(\bar{x}|p)$  y describe la probabilidad de obtener los valores de  $\bar{x}$  dado que p es el parámetro verdadero. Por el teorema de Bayes, la distribución posterior de p es:

$$g(p|ar{x}) = rac{f(ar{x}|p)g(p)}{f(ar{x})}$$

ullet g(p) es la distribución previa y  $g(p|ar{x})$  es la distribución posterior del parámetro p

#### Ejemplo: Estimación de una proporción.

• A una persona se le asigna un estudio donde tiene que determinar:

¿Qué proporción de estudiantes universitarios duerme al menos ocho horas?

- Supongamos que la persona cree que la proporción es igualmente probable que sea menor o mayor que p=0.3. Además, tiene una confianza del 90% de que p es menor que 0.5.
- La distribución beta es útil para modelar proporciones puesto que su dominio está en el intervalo (0,1).

$$g(p) = rac{\Gamma(lpha + eta)}{\Gamma(lpha)\Gamma(eta)} p^{lpha - 1} (1-p)^{eta - 1} \implies g(p) \propto p^{lpha - 1} (1-p)^{eta - 1}$$

• ¿Cómo podemos modelar este conocimiento previo del parámetro mediante una distribución beta en R?

#### Ajuste de la previa

• Ocupamos una distribución beta cuyo cuantil al 50% sea 0.3 y al 90% sea 0.5:

```
Param_previa<- function(q,p,init, dist) {
   previa_optim <- function(param) {
      (dist(p[1],param[1],param[2])-q[1])^2 + (dist(p[2],param[1],param[2])-q[2])^2
   }
   r <- optim(init,previa_optim)
   r <- unlist(r)
   r <- c(r[1],r[2])
   return(data.frame(r))
}

res <- Param_previa(c(0.3,0.5), c(0.5,0.9),c(1,1), qbeta)
kable(res, format='html')</pre>
```

```
par1 3.262585
par2 7.183773
```

De aquí vemos que la previa de la distribución es Beta(lpha=3.26, eta=7.18).

- Se toma una muestra de 27 estudiantes universitarios, de los cuales se observa que 11 reportaron haber dormido al menos 8 horas la noche anterior. ¿Cómo podemos incorporar esta información con nuestro conocimiento previo?
- La distribución binomial modela eventos de acierto-desacierto en un experimentos independientes. Supongamos que vemos como éxito el dormir al menos 8 horas. Tomamos una muestra aleatoria de estudiantes con s éxitos y f fallos, entonces la verosimilitud es:

$$p^s(1-p)^f$$

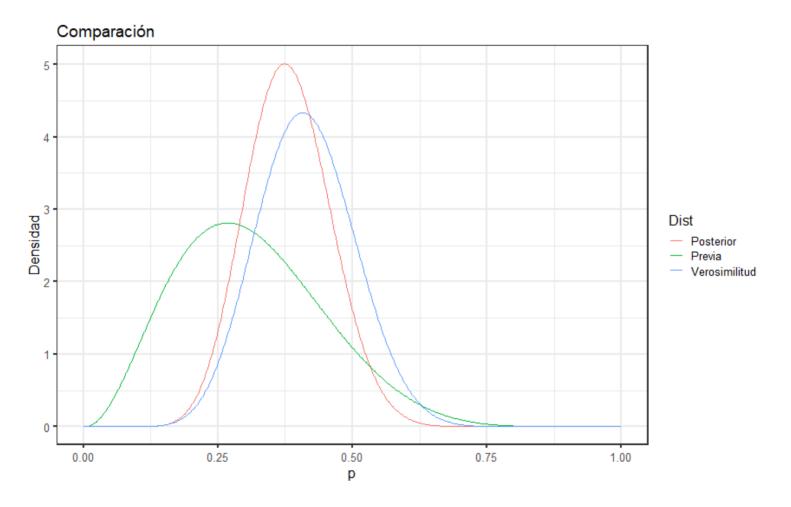
ullet Recordemos que  $g(p|ar{x})=rac{f(ar{x}|p)g(p)}{f(ar{x})}$  y  $g(p)\propto p^{lpha-1}(1-p)^{eta-1}$  luego:

$$g(p|ar{x}) \propto p^{lpha + s - 1} (1 - p)^{b + f - 1}, ext{ donde: } 0$$

• Es decir,  $g(p|\bar{x}) \sim Beta(\hat{\alpha} = \alpha + s, \hat{\beta} = \beta + f)$ . Este es un ejemplo de un análisis conjugado, donde la distribución previa y posterior del parámetro, tienen la misma forma funcional.

```
p < - seq(0, 1, length = 500)
   a \leftarrow res r[1]
   b <- res$r[2]
   s = 11
   f = 16
   df \leftarrow data.frame(p = seg(0, 1, length = 500),
   Previa= dbeta(p,a,b),
   Verosimilitud= dbeta(p,s+1,f+1),
   Posterior= dbeta(p,a+s,b+f))
  df[1:3,]
##
                 Previa Verosimilitud Posterior
## 1 0.00000000 0.000000000 0.000000e+00 0.000000e+00
## 2 0.002004008 0.0002956486 7.401509e-22 1.186151e-25
## 3 0.004008016 0.0014011469 1.467854e-18 1.114834e-21
   df <- gather(df,</pre>
   key = "Dist",
   value = "Densidad", -p)
 df[1:3,]
               p Dist Densidad
##
## 1 0.00000000 Previa 0.0000000000
## 2 0.002004008 Previa 0.0002956486
## 3 0.004008016 Previa 0.0014011469
```

```
ggplot(data=df, aes(x=p,y=Densidad,colour=Dist))+
  geom_line()+
  theme_bw(base_size=16)+
  ggtitle("Comparación")
```



# Inferencia sobre el parámetro

• P(p >= 0.5)?

```
#Usando la distribución teórica
1-pbeta(0.5, a+s, b+f)
```

## [1] 0.0692092

```
#Usando simulaciones
ps <- rbeta(1000,a+s,b+f)
sum(ps>=0.5)/1000
```

## [1] 0.06

```
#Aumentando el número de simulaciones ps0 <- rbeta(100000,a+s,b+f) sum(ps0>=0.5)/100000
```

## [1] 0.06751

• ¿Intervalo de confianza?

```
#Usando la distribución teórica
gbeta(c(0.05, 0.95), a + s, b + f)
## [1] 0.2556166 0.5134772
 #Usando simulaciones
quantile(ps, c(0.05, 0.95))
##
         5%
                  95%
## 0.2482984 0.5075222
 #Aumentando el número de simulaciones
quantile(ps0, c(0.05, 0.95))
##
         5% 95%
## 0.2556319 0.5121198
```

# Inferencia sobre el parámetro

¿Media?

```
#Usando la distribución teórica
(a+s)/((a+s)+(b+f))

## [1] 0.3808804

#Usando simulaciones
sum(ps)/length(ps)

## [1] 0.3779749

#Aumentando el número de simulaciones
sum(ps0)/length(ps0)

## [1] 0.3809634
```

• ¿Varianza?

```
#Usando la distribución teórica
(a+s)*(b+f)/(((a+s)+(b+f))^2*((a+s)+(b

## [1] 0.006133495

#Usando simulaciones
var(ps)

## [1] 0.006384494

#Aumentando el número de simulaciones
var(ps0)

## [1] 0.006099881
```

# Inferencia sobre una función del parámetro

• Monte Carlo. Queremos calcular:

$$E(h(p)|x) = \int h(p)g(p|x)dp$$

Suponga que se tiene simulada una muestra  $p^1, p^2, \dots, p^m$ . Entonces:

$$ar{h} = rac{\sum_{j=1}^m h(p^j)}{m}$$

• ¿Media de  $p^2$ ?

est=mean(ps0^2) est

## [1] 0.1512329

El error estándar asociado a este parámetro es:

$$se_{ar{h}} = \sqrt{rac{\sum_{j=1}^m (h(p^j) - ar{h})}{m(m-1)}}$$

• ¿Varianza?

```
se=sd(ps0^2)/sqrt(1000)
se
```

## [1] 0.00192995

#### Predicción

• También nos interesa conocer la cantidad de estudiantes dormilones en una muestra futura. La densidad predictiva de  $\tilde{y}$  está dada por:

$$f( ilde{x}) = \int f( ilde{x}|p)g(p)dp$$

Si g es la dist. previa, entonces nos referimos a f como la densidad predictiva previa, mientras que si g es la dist. posterior, f es la densidad predictiva posterior.

• En este caso particular, se puede calcular analíticamente la siguiente expresión cerrada para la densidad posterior:

$$f( ilde{x}) = \int f_B( ilde{y}|m,p)g(p)dp = inom{m}{ ilde{x}} rac{B(a+ ilde{x},b+m- ilde{x})}{B(a,b)}$$

Donde  $g \sim Beta(3.26,7.18)$ ,  $f \sim Binomial(m,p)$  y  $ilde{x} = 0, \cdots, m$ .

```
ab=c(a, b)
m=20; xs=0:20
pred=pbetap(ab, m, xs)
kable(data.frame(xs=0:9,pred=pred[1:10])
```

XS	pred
0	0.0180389
1	0.0449541
2	0.0722845
3	0.0943781
4	0.1083502
5	0.1135104
6	0.1106848
7	0.1015893
8	0.0883129
9	0.0729318

pred	XS
0.0572497	10
0.0426510	11
0.0300475	12
0.0198972	13
0.0122719	14
0.0069550	15
0.0035491	16
0.0015796	17
0.0005808	18
0.0001589	19
0.0000246	20

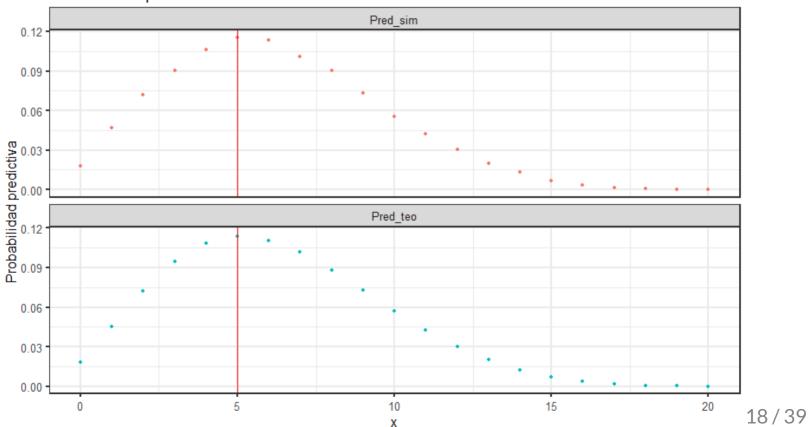
• De acuerdo a esta distribución predictiva, lo más probable es que al tomar una muestra de 20 estudiantes, hayan 5 o 6 dormilones.

### Usando simulaciones

```
p=rbeta(10000,a, b)
 x = rbinom(10000, 20, p)
 table(x)
## x
##
      0
                                     6
                                                     9 10
                                                                              14
    177
         468
              721
                   906 1059 1154 1135 1007 904 734 552 420
                                                                  306
                                                                       200
                                                                            134
##
     15
          16
               17
                    18
                               20
##
     65
          33
              16
                     5
                          2
 freq=table(x)
 xs=c(0:max(x))
 predprob=freq/sum(freq)
 predprob
## x
## 0.0177 0.0468 0.0721 0.0906 0.1059 0.1154 0.1135 0.1007 0.0904 0.0734
                                    14
                                           15
                                                  16
## 0.0552 0.0420 0.0306 0.0200 0.0134 0.0065 0.0033 0.0016 0.0005 0.0002
##
       20
## 0.0002
 df <- data.frame(x=0:(length(predprob)-1),Pred_sim=as.vector(predprob), Pred_teo=p</pre>
 df <- gather(df, "Densidad", "Probabilidad_predictiva", -x)</pre>
                                                                                     17/39
```

```
ggplot(data=df, aes(x=x, y=Probabilidad_predictiva, color=Densidad))+
  geom_point(lwd=1.5)+
  labs(x="x", y="Probabilidad predictiva",title=("Probabilidad predictiva del núme
  geom_vline(xintercept = 5, colour="red")+
  facet_wrap(~ Densidad,dir = "v")+
  theme_bw(base_size=16)+
  theme(legend.position="none")
```

#### Probabilidad predictiva del número de dormilones



## Links de interés (teórico)

Familias exponenciales

Tabla con previas conjugadas

# Capítulo 3

## Modelos univariados:

• Distribución Normal con media conocida y varianza desconocida:

```
data(footballscores)
DT::datatable(
  head(footballscores, 20),
  fillContainer = FALSE, options = list(pageLength = 3, scrollX = TRUE)
)
```

Show 3 • entries			Search:				
	year 🖣	home 🖣	favorite	underdog	spread	favorite.name	under
1	1981	1	21	13	2	ТВ	MIN
2	1981	1	27	0	9.5	ATL	NO
3	1981	1	31	0	4	BUF	NYJ
4							<b>&gt;</b>

Showing 1 to 3 of 20 entries

Previous 1 2 3 4 5 6 7 Next

Estamos interesados en estimar la diferencia

$$d = favorite - underdog - spread$$

Si se asume que estas diferencias son  $N(0,\sigma^2)$ , entonces la verosimilitud de d está dada por:

$$(\sigma^2)^{rac{-n}{2}} exp\{-\sum_{i=1}^n d_i^2/(2\sigma^2)\}, ~~\sigma^2>0$$

• Suponemos la previa no informativa:  $p(\sigma^2) = \frac{1}{\sigma^2}$ . Entonces:

$$g(\sigma^2|data) \propto (\sigma^2)^{-n/2-1} exp\{-v/(2\sigma^2)\}$$

Donde  $v = \sum_{i=1}^n d_i^2$ .

• Si definimos  $P=1/\sigma^2$  se puede mostrar que:

$$P\sim ilde{\chi}^n/v$$

```
attach(footballscores)

d <- favorite - underdog - spread
n <- length(d)
v <- sum(d^2)</pre>
```

Para hacer inferencia sobre  $\sigma$  usamos la transformación  $\sigma=\sqrt{1/P}$ :

```
P <- rchisq(1000, n)/v
s <- sqrt(1/P)

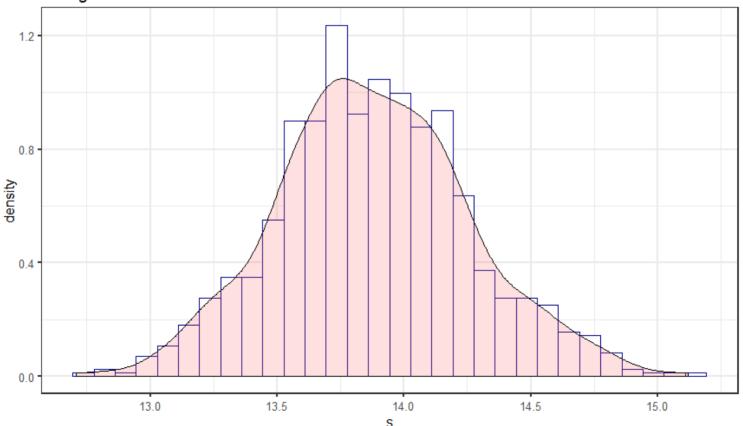
kable(quantile(s, probs = c(0.025, 0.5, 0.975)), col.names=c("Cuantil"), format='h</pre>
```

	Cuantil
2.5%	13.16493
50%	13.86854
97.5%	14.67879

Los percentiles al 2.5% y 97.5% forman un intervalo de confianza al 95% para  $\sigma$ .

```
ggplot(data.frame(s), aes(x=s))+
geom_histogram(aes(y=..density..),color="darkblue", fill="white")+
geom_density(alpha=.2, fill="#FF6666")+
theme_bw(base_size=16)+
labs(title="Histograma de las simulaciones de la desviación estándar")
```

#### Histograma de las simulaciones de la desviación estándar



# Estimación de la tasa de mortalidad por transplantes de corazón.

- n: Cantidad de cirugías de transplante cardíaco en el hospital X.
- y: Número de muertes observadas.
- *e*: Exposición.

$$y \sim Poisson(e\lambda)$$

Donde  $\lambda$  es la tasa de mortalidad por unidad de exposición. El objetivo es estimar  $\lambda$ .

- El estimador estándar de MLE para  $\lambda$  es  $\hat{\lambda}=y/e$ . Problema: cuando y es cercano a 0, no es un buen estimador.
- Bajo este contexto, intentaremos una ajuste bayesiano.

• Una escogencia conveniente para la distribución de la previa es una distribución miembro de la familia  $gamma(\alpha, \beta)$  de la forma:

$$p(\lambda) \propto \lambda^{lpha-1} exp(-eta \lambda), \qquad \quad \lambda > 0$$

• Se observan  $z_j$  muertes, con exposición  $o_j, j=1,\cdots,10$  (son 10 hospitales). Donde:

$$z_j \sim Poisson(o_j \lambda)$$

Tomando la previa no informativa  $p(\lambda)=\lambda^{-1}$ , la dist. actualizada de  $\lambda$  dada esta data es:

$$p(\lambda) \propto \lambda^{\sum_{j=1}^{10} z_j - 1} exp \Bigg( - \Big(\sum_{j=1}^{10} o_j\Big) \lambda \Bigg)$$

• Recordemos que para un v.a Z Poisson:

$$f(k,\lambda) = P(Z=k) = rac{e^{-\lambda}\lambda^k}{k!}$$

ullet Luego  $\lambda \sim Gamma(lpha = \sum_{j=1}^{10} z_j = 16, eta = \sum_{j=1}^{10} o_j = 15174).$ 

• Si el número de muertes observado de un hospital  $y_{obs}$  par aun hospital con exposición e, es  $Poisson(e\lambda)$  y se asigna la previa  $\lambda \sim Gamma(\alpha, \beta)$ , entonces la distribución posterior tiene la forma:

$$p(\lambda) \propto \lambda^{\sum_{j=1}^{10} z_j} expigg(-ig(\sum_{j=1}^{10} o_jig)\lambdaigg) \cdot \lambda^{lpha-1} exp(-eta\lambda)$$

$$p(\lambda) \propto \lambda^{\sum_{j=1}^{10} z_j + lpha - 1} expigg(-ig(\sum_{j=1}^{10} o_j + etaig)\lambdaigg)$$

Es decir, es una  $Gamma(\alpha+y_{obs}, \beta+e)$ 

• También podemos calcular la distribución predictiva de y:

$$f(y) = rac{f(y|\lambda)g(\lambda)}{g(\lambda|y)}$$

```
alpha<-16; beta<-15174
yobs<-1; ex<-66; y<-0:10; lam<-alpha/beta
py<-dpois(y, lam*ex)*dgamma(lam, shape = alpha, rate = beta)/dgamma(lam, shape= alp
kable(cbind(y, round(py, 3)), format='html')</pre>
```

```
У
0 0.933
 1 0.065
2 0.002
3 0.000
4 0.000
 5 0.000
 6 0.000
 7 0.000
8 0.000
 9 0.000
10 0.000
```

lambdaA <- rgamma(1000, shape = alpha + yobs, rate = beta + ex)</pre>

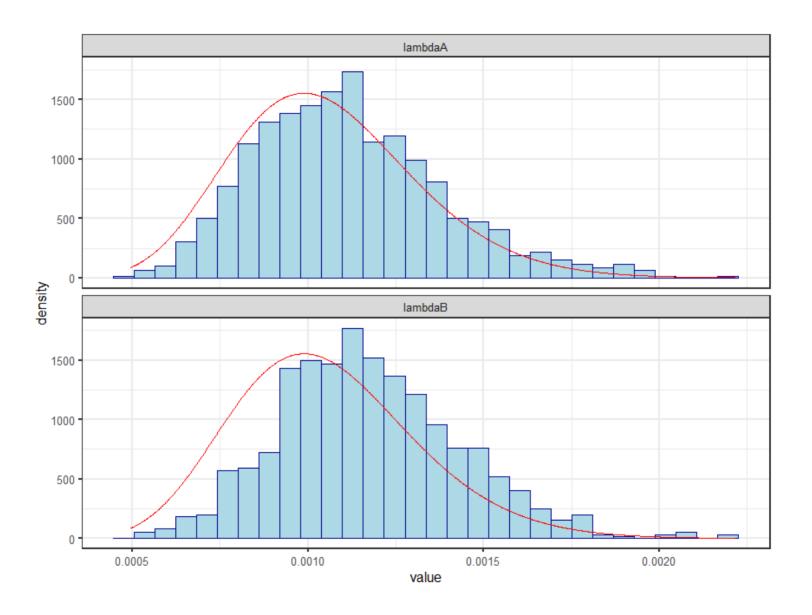
```
ex <- 1767; yobs<-4
y <- 0:10
py <- dpois(y, lam * ex) * dgamma(lam, shape = alpha, rate = beta)/dgamma(lam, shape kable(cbind(y, round(py, 3)), format='html')</pre>
```

```
У
0 0.172
 1 0.286
2 0.254
3 0.159
4 0.079
5 0.033
6 0.012
7 0.004
8 0.001
 9 0.000
10 0.000
```

lambdaB <- rgamma(1000, shape = alpha + yobs, rate = beta + ex)</pre>

```
lambda <- data.frame(lambdaA, lambdaB)
lambda <- gather(lambda)
grid <- with(lambda, seq(min(value), max(value), length = 1000))
gammad <- lambda %>%group_by(key) %>% mutate(
    value = grid,
    density = dgamma(grid, alpha, beta))

ggplot(lambda, aes(x=value)) +
    geom_histogram(aes(y=..density..), color="darkblue", fill="lightblue") +
    geom_line(aes(y = density),data=gammad, colour = "red") +
    facet_wrap(~ key,dir = "v")+
    theme_bw()
```



#### Robustez bayesiana

- Hay muchas distribuciones previas que podrían calzar con nuestra información inicial.
- Un análisis bayesiano se dice robusto si la inferencia es insensible a la elección de la previa.
- Supongamos que queremos estimar el IQ de una persona llamada Joe. Creemos que Joe tiene una inteligecia promedio, la media de nuestra previa será 100. Además estamos 90% seguros que su IQ caerá entre 80 y 120.

```
res <- Param_previa(c(80,120),c(0.05,0.95),c(1,1),qnorm);kable(res,format='html')
```

```
par1 100.00364
par2 12.15611
```

Luego  $heta \sim N(100, 12.16)$ 

• Joe toma 4 tests. Sus notas son  $y_1,y_2,y_3,y_4$ . Asumiendo que  $y\sim N(\theta,\sigma)$  con sd conocida  $\sigma=15$ , la nota promedio  $\bar{y}\sim N(\theta,\sigma/\sqrt{4})$ .

• Tomando la previa normal, la posterior también será normal con los siguientes parámetros:

$$au_1 = 1/\sqrt{4/\sigma^2 + 1/ au^2} \hspace{1.5cm} \mu_1 = rac{ar{y}(4/\sigma^2) + \mu(1/ au^2)}{4/\sigma^2 + 1/ au^2}$$

Vamos a calcular la distribución posterior bajo 3 escenarios de nota promedio observada:  $\bar{y}=110, \bar{y}=125, \bar{y}=140.$ 

```
mu <- res$r[1]; tau <- res$r[2]
sigma <- 15
n<-4
se <- sigma/sqrt(4)
ybar <- c(110, 125, 140)
tau1 <- 1/sqrt(1/se^2 + 1/tau^2)
mu1 <- (ybar/se^2 + mu/tau^2)*tau1^2
summ1 <- cbind(ybar, mu1, tau1)
kable(summ1, format='html')</pre>
```

ybar	mu1	tau1
110	107.2439	6.382905
125	118.1083	6.382905
140	128.9727	6.382905

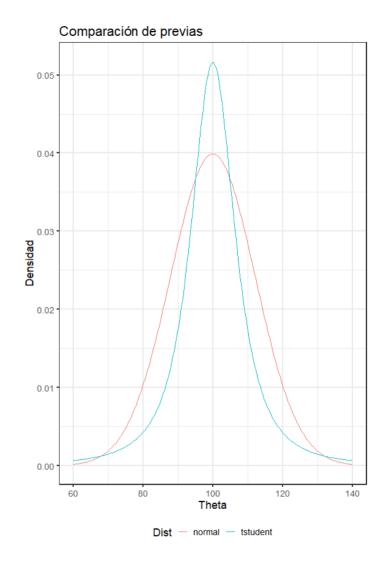
• Consideremos ahora otra previa. Una t-student con parámetro de localización y escala  $(\mu, \tau)$ 

$$p( heta|v,\mu, au) = rac{\Gamma\Bigl(rac{v+1}{2}\Bigr)}{\Gamma\Bigl(rac{v}{2}\Bigr)\cdot\sqrt{\pi v au}}iggl(1+rac{1}{v}iggl(rac{ heta-\mu}{ au}iggr)^2iggr)^{-(v+1)/2}$$

```
Param_previa_ts <- function(q,p,init) {
    previa_optim <- function(param) {
        (qst(p=p[1],mu=param[1],sigma=param[2],nu=2)-q[1])^2 + (qst(p=p[2],mu=param[1]) }
    r <- optim(init,previa_optim)
    r <- unlist(r)
    r <- c(r[1],r[2])
    return(data.frame(r))
}

rest <- Param_previa_ts(c(80,120),c(0.05,0.95),c(1,1))
kable(rest, format='html')</pre>
```

par1 99.993578
par2 6.850288



# Cálculo de la distribución posterior

• Haremos el cálculo de la posterior usando las dos previas:

$$g( heta|data) \propto \phi(ar{y}| heta,\sigma/\sqrt{n})g_T( heta|v,
u, au)$$

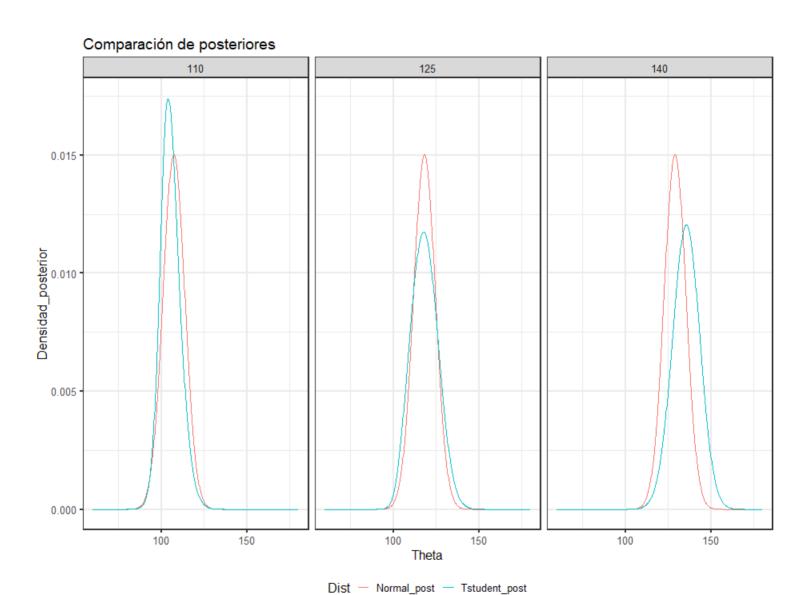
```
summ2 = c()
postts <- matrix(nrow=500,ncol=3)</pre>
for(i in 1:3){
  theta = seg(60, 180, length = 500)
  like = dnorm((theta - vbar[i])/7.5)
  prior = dt((theta - mu)/tscale, 2)
  post = prior * like
  post = post/sum(post)
  postts[,i] <-post
  m = sum(theta * post)
  s = sqrt(sum(theta^2 * post) - m^2)
  summ2 = rbind(summ2, c(vbar[i], m, s))
postts <- cbind(c(rep(110.500), rep(125.500), rep(140.500)), c(postts[.1:3])
normpost = matrix(nrow=500,ncol=3)
normpost = sapply(1:3, function(i) normpost[,i] = dnorm(theta, mu1[i], tau1)/sum(d
normpost <- cbind(c(rep(110,500),rep(125,500),rep(140,500)),c(normpost[,1:3]))
```

```
moments <- data.frame(round(summ1,2),round(summ2[,-1],2))
names(moments) <- c("y","E_n", "Sd_n", "E_ts","Sd_ts")
kable(moments,format='html')</pre>
```

у	E_n	Sd_n	E_ts	Sd_ts
110	107.24	6.38	105.29	5.84
125	118.11	6.38	118.09	7.89
140	128.97	6.38	135.41	7.97

```
df <- data.frame(Theta=rep(seq(60, 180, length = 500),6), Tstudent_post=postts[,2]
df <- gather(df, "Dist", "Densidad_posterior", -Theta,-y)

ggplot(data=df, aes(x=Theta, y=Densidad_posterior, colour=Dist))+
    geom_line()+
    theme_bw(base_size=14)+
    ggtitle("Comparación de posteriores")+
    theme(legend.position = "bottom")+
    facet_wrap(~ y,dir = "h")</pre>
```



# ¡Gracias!

Esta presentación fue creada mediante xaringan.