LAPORAN PRAKTIKUM DATA MINING WEKA

(Waikato Environtment for Knowledge Analysis)



Disusun oleh:

Nama: Sevty Ayu Saputry

NPM :1808107010093

JURUSAN INFORMATIKA
FAKULTAS MIPA
UNIVERSITAS SYIAH KUALA
2020

Mengubah abalone dan wdbc ke format ARFF

 Mengunduh aplikasi WEKA 3.8 https://www.cs.waikato.ac.nz/ml/weka/



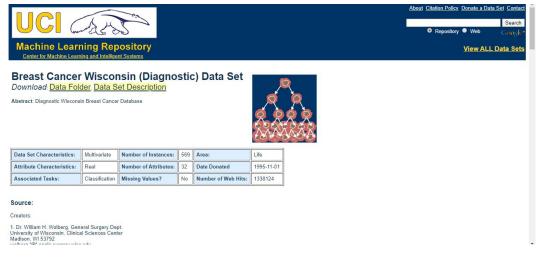
Klik "Download"



- Pilih stable version disesuaikan dengan sistem operasi yang ada di laptop
- WEKA 3.8 berhasil diunduh
- 2. Mengunduh datasets http://archive.ics.uci.edu/ml/index.php



- Pilih Breast Cance Wisconsin (Diagnostic) dan Abalone





- Pilih "Data Folder"

Index of /ml/machine-learning-databases/breast-cancer-wisconsin

- Parent Directory
 Index
 breast-cancer-wisconsin data
 breast-cancer-wisconsin names
 unformatted-data
 wdbc.data
- wdbc.names
- wpbc.data

Apache/2.4.6 (CentOS) OpenSSL/1.0.2k-fips SVN/1.7.14 Phusion Passenger/4.0.53 mod perl/2.0.11 Perl/v5.16.3 Server at archive.ics.uci.edu Port 80

Index of /ml/machine-learning-databases/abalone

- Parent Directory.
 Index
 abalone.data
 abalone.names

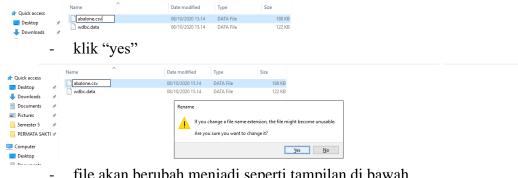
Apache/2.4.6 (CentOS) OpenSSL/1.0.2k-fips SVN/1.7.14 Phusion_Passenger/4.0.53 mod_perl/2.0.11 Perl/v5.16.3 Server at archive.ics.uci.edu Port 80

Pilih "wdbc.data" dan "abalone.data" untuk mengunduh



3. Mengubah ke format .csv

rename file dengan format .csv

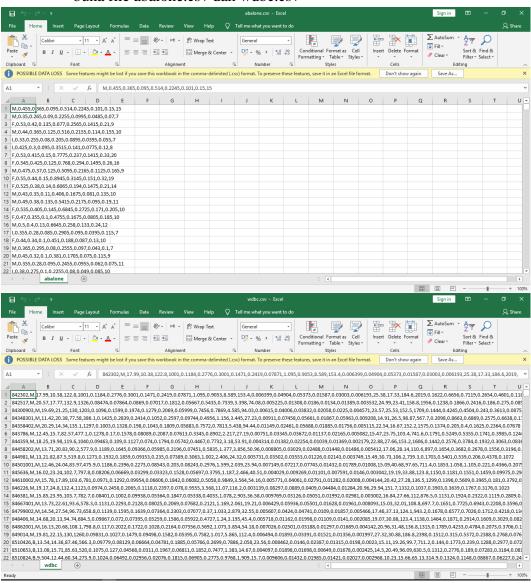


file akan berubah menjadi seperti tampilan di bawah

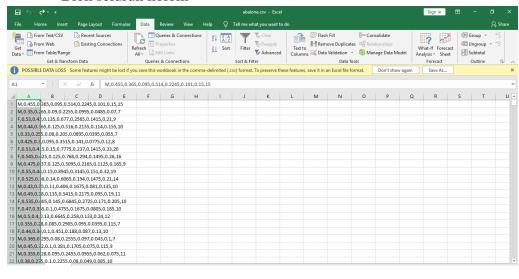


4. Edit file format .csv

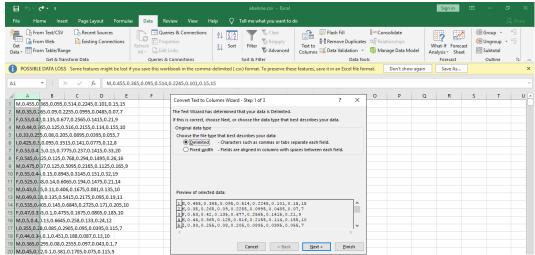
- buka file abalone.csv dan wdbc.csv



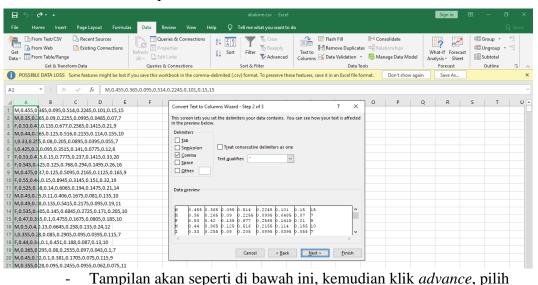
Blok seluruh kolom



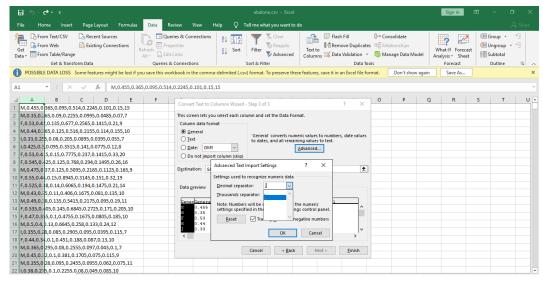
- Klik Data>Text to Column



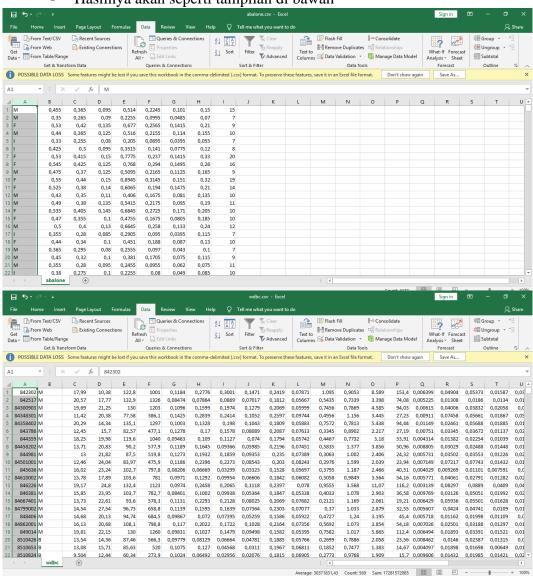
- Klik next, pilih "comma", klik next



Tampilan akan seperti di bawah ini, kemudian klik *advance*, pilih *decimal separate* tanda ".", klik oke, dan *finish*



- Hasilnya akan seperti tampilan di bawah



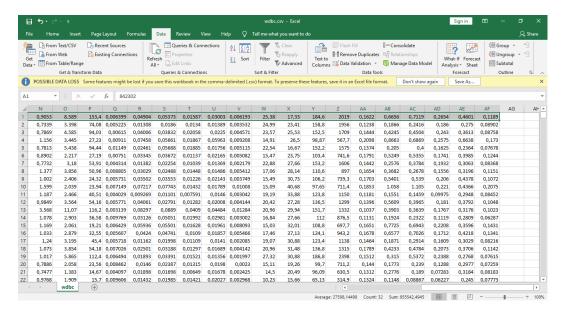
5. Mengedit kolom berdasarkan soal

a. WDBC

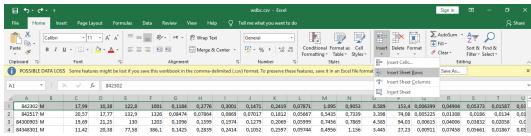
Secara garis besar, dataset WSDL terdiri atas 569 sampel. Setiap sampel memiliki 32 atribut (ID, diagnosis, 30 fitur nilai real). Atribut **Diagnosis** adalah class label dari dataset WDBC dengan nilai (M = malignant, B = benign). Sepuluh atribut pertama (kolom 3 sd 12) merupakan nilai "mean" dari setiap pengamatan pada sel nucleus, sepuluh atribut yang kedua (kolom 13 sd 22) merupakan nilai "standard error" (SE) dari setiap pengamatan pada sel nucleus, dan sepuluh atribut yang terakhir (kolom 23 sd 32) merupakan nilai "worth" dari setiap pengamatan pada sel nucleus.

Dataset WDBC

- Hilangkan atribut ID sehingga tidak menjadi atribut dalam file ARFF (dalam dataset asli berada pada kolom 1).
- Letakkan class label (M atau B) pada kolom terakhir.
- Susun atribut dalam file ARFF sesuai urutan atribut pada data asli, hanya saja dalam file ARFF attribut ID dihilangkan dan atribut class label berada pada kolom terakhir.
- Blok baris pertama



- Klik Insert Sheet Rows

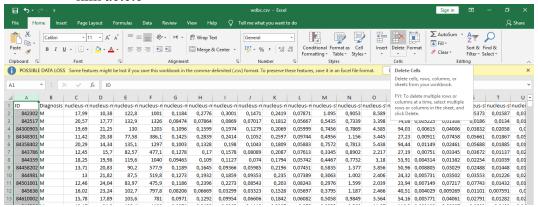


- Isi baris pertama sesuai nama setiap kolom

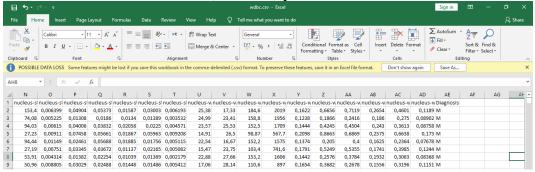
A B C D E F G H I J K L M N O P Q R S T U

1 ID Diagnosis nucleus-n nucleus-n nucleus-n nucleus-n nucleus-n nucleus-n nucleus-n nucleus-n nucleus-n nucleus-s nucleus-

Hilangkan atribut ID sehingga tidak menjadi atribut dalam file ARFF (dalam dataset asli berada pada kolom 1). Dengan cara blok kolom ID klik *delete*



Letakkan class label (M atau B) pada kolom terakhir.



- Simpan file yang sudah diubah
- Kemudian buka dengan aplikasi *notepad*

klik edit>replace



ketik di find what: (;) dan replace with: (,)>Replace All



wdbccsv - Notepad File Edit Format View Help Hucleus-mean, nucleus-mean,

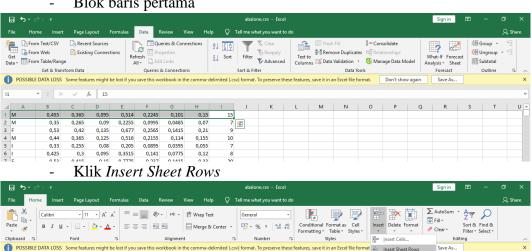
mydbc.csv - Notepad o × File Edit Format View Help @relation wdbc @attribute nucleus-mean numeric gattribute nucleus-mean numeric dattribute nucleus-mean numeric gattribute nucleus-mean numeric Battribute nucleus-mean numeric
Battribute nucleus-mean numeric
Battribute nucleus-standard-error numeric
Battribute nucleus-worth numeric Wattribute nucleus-worth numeric Battribute nucleus-worth numeric @attribute Diagnosis {M, B}

b. Abalone

Dataset Abalone memiliki 4177 sampel dan terdiri dari 8 atribut. Tidak ditemukan "missing value" pada dataset ini. Detail tentang dataset ini juga dapat dilihat pada tautan

Data Set Description.

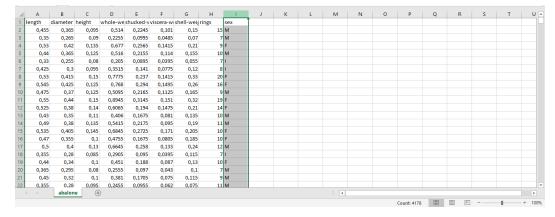
- Letakkan atribut nomimal (jenis kelamin) pada kolom terakhir.
- Selanjutnya, susun atribut dalam file ARFF dalam urutan sebagai berikut: Diameter, Rings, Height, Length, Shell weight, Shucked weight, Whole weight, Viscera weight.
- Blok baris pertama



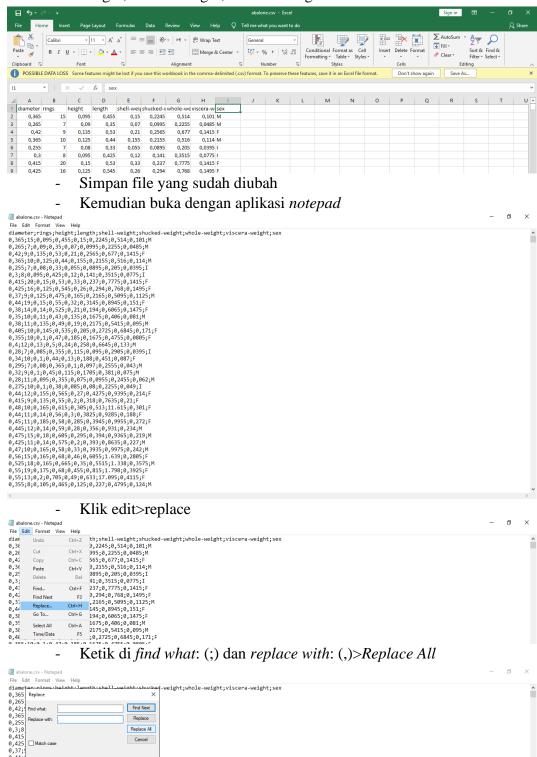
Isi baris pertama sesuai nama setiap kolom



Letakkan atribut nomimal (jenis kelamin) pada kolom terakhir.



- Susun atribut dalam file ARFF dalam urutan sebagai berikut: Diameter, Rings, Height, Length, Shell weight, Shucked weight, Whole weight, Viscera weight.



0,38;14;0,14;0,525;0,21;0,194;0,6065;0,1475;F 0,35;10;0,11;0,43;0,135;0,1675;0,406;0,081;M 38:11:0,135:0,49:0,19:0,2175:0,5415:0,895:M

Hasil akhirnya akan terlihat seperti tampilan di bawah ini

