

# MATEMATIKOS IR INFORMATIKOS FAKULTETAS

## **BINARIS ATSAKO MODELIS**

Laboratorinis darbas

Atliko: Simona Gelžinytė, Ugnė Kniukštaitė, Laineda Morkytė, Austėja Valeikaitė, duomenų mokslas 3 k. 2gr.

### **TURINYS**

1. ĮV	VADAS	3
1.1	TYRIMO TIKSLAI	3
1.2	TYRIMO UŽDAVINIAI	3
1.3	DUOMENYS IR PROGRAMINĖ ĮRANGA	3
2. BI	INARINIO ATSAKO MODELIS	4
2.1	BINARINIO ATSAKO MODELIS NAUDOJANT SAS	4
2.2	BINARINIO ATSAKO MODELIS NAUDOJANT R	12
2.3	BINARINIO ATSAKO MODELIS NAUDOJANT PYTHON	21
3. IŠ	SVADOS	27
3.1 S	SAS išvados, kai duomenys nebuvo išfiltruoti	27
3.2	R IR PYTHON IŠVADOS, KAI DUOMENYS BUVO IŠFILTRUOTI	27

# 1. ĮVADAS

### 1.1 Tyrimo tikslai

Parinkti tinkamą regresijos modelį.

įranga: "SAS", "R" ir "Python".

	1.2 Tyrimo uždaviniai
	Atlikti pirminę duomenų analizę;
	Patikrinti modelio prielaidas;
	Sukonstruoti modelį;
	Modelio tinkamumo įvertinimas;
	Apibendrinti gautus rezultatus, pateikti išvadas.
	1.3 Duomenys ir programinė įranga
Pa	sirinktas duomenų rinkinys apie diabetą. Pateikti įvairūs medicininiai požymiai, kurie
prognozuo	ja, ar pacientas serga diabetu, ar ne. Buvo tirtos tik moterys, jaunesnės nei 21 metų.
Priklausom	nas kintamasis – rezultatas, rodantis ar pacientas serga diabetu (1 – serga, 0 – neserga)
ir 8 kovaria	antės:
	Nėštumas – nėštumų skaičius;
	Gliukozė – gliukozės koncentracija plazmoje;
	Kraujo spaudimas – diastolinis kraujo spaudimas (mm Hg);
	Odos storis – tricepso odos raukšlės storis (mm);
	Insulinas – 2 valandų serumo insulinas (mU/ml);
	KMI – kūno masės indeksas;
	Diabeto kilmės funkcija;
	Amžius.
Iš	viso yra 768 stebėjimų, praleistų reikšmių nėra. Tyrimo metu naudota programinė

#### 2. BINARINIO ATSAKO MODELIS

Parinkus binarinio atsako modeli pereiname visus modelio parinkimo etapus:

- 1. Pradinė analizė vizualiai patikriname, ar nėra išskirčių. Jų nustatymui naudojame Kuko matą;
- 2. Prielaidų tikrinimas paklaidų nepriklausomumas, multikolinearumas;
- 3. Reikšmingų kovariančių atranka;
- 4. Parametrų įvertinimas;
- 5. Modelio tinkamumo analizė;
- 6. Ryšių tarp kintamųjų interpretavimas.

#### 2.1 Binarinio atsako modelis naudojant SAS

Prieš atliekant analizę, svarbu pabrėžti, jog duomenyse nebuvo pašalinti kintamieji, kurie lygūs 0.

Pirmiausia patikriname logistinio modelio prielaidas. Tikriname, ar nėra multikolinerumo. Tam naudojame VIF (dispersijos mažėjimo daugikliu) kriterijų.

**Parameter Estimates Parameter** Standard Variance Variable Label DF Error t Value | Pr > |t| Inflation **Estimate** 0.02264 0.00625 3.62 0.0003 3.26533 **Pregnancies** Pregnancies 1 Glucose 1 0.00355 0.00058347 16.22928 Glucose 6.08 <.0001 **BloodPressure** 1 -0.00472 0.00094534 14.10565 BloodPressure -4.99 <.0001 SkinThickness 1 0.00041445 0.00137 3.92282 SkinThickness 0.30 0.7619 0.00006917 0.00019083 Insulin Insulin 1 0.36 0.7171 2.05316 **BMI** BMI 1 0.00514 0.00229 17.34631 2.25 0.0251 0.05683 **DiabetesPedigreeFunction** DiabetesPedigreeFunction 1 0.09266 1.63 0.1036 3.24311 0.00184 1 -0.00136 -0.74 | 0.4584 | 13.27403

1 lentelė. Parametrų įvertinių lentelė

Kaip galime matyti, daugumos regresorių VIF yra didesnis už 4, t. y. jie stipriai koreliuoja tarpusavyje. Regresoriai kaip nėštumas, odos storis, insulinas ir diabeto kilmės funkcija nekoreliuoja. Atlikus pažingsninę regresiją ir vėl patikrinus VIF galime pastebėti, jog tai – problemos neišsprendė.

2 lentelė. Parametrų įvertinių lentelė po pažingsninės regresijos

Parameter Estimates								
Variable Label Parameter Standard Variable Pr >   Variable Pr >   t Value Pr >   t   Infl								
Pregnancies	Pregnancies	1	0.01532	0.00540	2.84	0.0047	2.32267	
Glucose	Glucose	1	0.00247	0.00050205	4.93	<.0001	11.45502	
ВМІ	BMI	1	-0.00076418	0.00188	-0.41	0.6850	11.19550	
DiabetesPedigreeFunction	DiabetesPedigreeFunction	1	0.08704	0.05724	1.52	0.1289	3.13669	

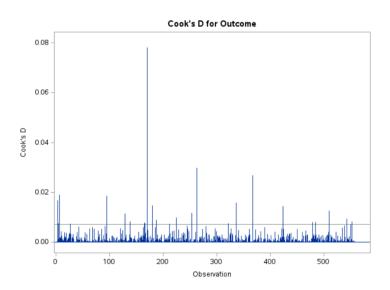
Toliau tikriname ar paklaidos yra nepriklausomos. Tam naudosime Durbino-Watsono statistiką.

3 lentelė. Durbin-Watson lentelė

<b>Durbin-Watson Statistics</b>							
Order DW Pr < DW Pr >							
1	2.1058	0.8932	0.1068				

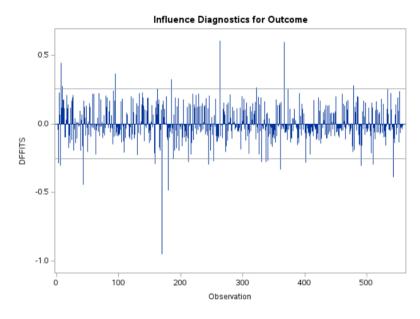
Kaip matome iš lentelės, p - reikšmė yra didesnė už reikšmingumo lygmenį 0.05, o tai reiškia, jog duomenyse nėra autokoreliacijos – paklaidos yra nepriklausomos.

Išskirčių analizei naudojame Kuko matą. Iš grafiko galime matyti, jog imtis išskirčių neturi (neviršija 1).



1 pav. Kuko matas

Pasitikrinimui, galime taikyti ir DFBetų statistiką.



2 pav. DFBety statistika

Kaip matome iš grafiko, nei vienas stebėjimas neviršija 1, o tai dar kartą patvirtina, jog imtis neturi išskirčių.

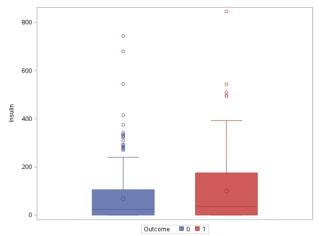
Pažiūrėkime kaip atrodo klasifikavimo lentelė.

4 lentelė. Klasifikavimo lentelė

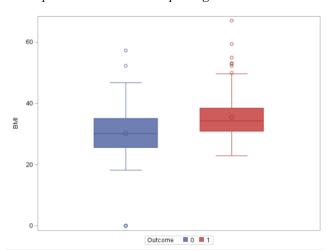
Outcome							
Outcome	Frequency	Percent	Cumulative Frequency	Cumulative Percent			
0	133	63.33	133	63.33			
1	77	36.67	210	100.00			

Iš lentelės matome, jog vyrauja abi y reikšmės. Stebimų įvykių yra daugiau nei 20%. Sergančiųjų yra 37 %, o nesergančių – 63 %.

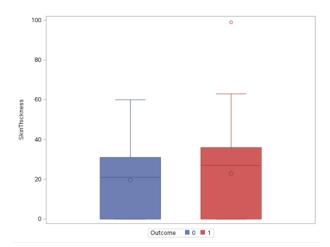
Pradinei analizei nubrėšime keletą grafikų pažiūrėsime kaip skiriasi rodikliai sergant ir nesergant diabetu.



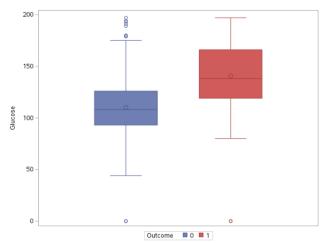
3 pav. Insulino stačiakampė diagrama



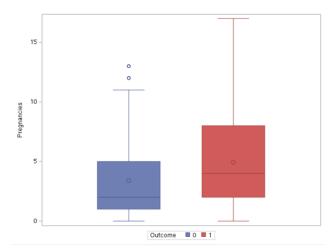
5 pav. KMI stačiakampė diagrama



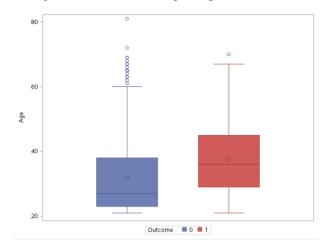
7 pav. Odos storio stačiakampė diagrama



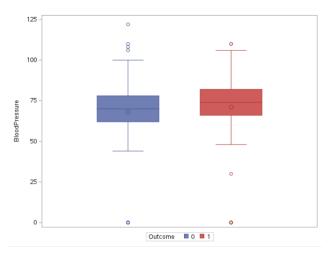
4 pav. Gliukozės stačiakampė diagrama

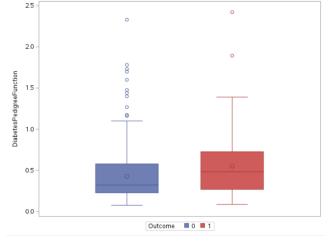


6 pav. Nėštumo stačiakampė diagrama



8 pav. Amžiaus stačiakampė diagrama





9 pav. Kraujo spaudimo stačiakampė diagrama

10 pav. Diabeto atsiradimo funkcijos stačiakampė diagrama

Kaip galime pastebėti, sergant diabetu, beveik visada rodikliai didesni nei tų, kurių neserga.

#### Logit modelis

Pritaikius logistinę pažingsninę regresiją, galime patikrinti ar modelis statistiškai reikšmingas.

Testing Global Null Hypothesis: BETA=0							
Test Chi-Square DF Pr > ChiSq							
Likelihood Ratio	124.1546	1	<.0001				
Score	112.5799	1	<.0001				
Wald	92.4613	1	<.0001				

5 lentelė. Hipotezės tikrinimas

Iš Chi-kvadrato reikšmės (tikėtinumų santykio kriterijaus) ir Valdo kriterijaus galime pamatyti, jog modelis - statistikai reikšmingas (abi reikšmės < 0.0001), o tai rodo, kad modelyje yra bent vienas reikšmingas regresorius. Tai taip pat galime patikrinti ir su Hosmerio-Lemešou kriterijumi.

6 lentelė. Hosmerio\_Lemešou kriterijus

<b>Hosmer and Lemeshow Goodness-of-Fit Test</b>					
Chi-Square DF Pr > Ch					
5.3229	8	0.7226			

Kaip matome, jis taip pat parodo, jog duomenys gerai suderinti su modeliu (0.7226).

Kadangi jau buvo taikyta pažingsninė regresija, nereikšmingi regresoriai buvo išmesti, bet tuos kuriuos liko, galime patikrinti dar kartą su Valdo kriterijumi.

7 lentelė. Valdo kriterijus

Analysis of Maximum Likelihood Estimates										
Parameter	Pr > ChiSq	xp(Est)								
Intercept	1	-8.9560	0.8163	120.3710	<.0001	0.000				
Pregnancies	1	0.1262	0.0313	16.3034	<.0001	1.135				
Glucose	1	0.0325	0.00389	69.6664	<.0001	1.033				
BMI	1	0.0992	0.0171	33.6715	<.0001	1.104				
DiabetesPedigreeFunc	1	0.9590	0.3472	7.6281	0.0057	2.609				

Iš Valdo kriterijaus matome, jog yra likę keturi reikšmingi regresoriai: nėštumas, gliukozė, BMI ir diabeto kilmės funkcija.

Tada galime patikrinti determinacijos koeficientus ( $R^2$  ir Nagelkerkės determinacijos koeficientą).

8 lentelė. Determinacijos koeficientai

<b>R-Square</b> 0.2881	Max-rescaled R-Square	0.3982
------------------------	-----------------------	--------

Abu koeficientus gavome gan mažus, o tai rodo, jog logistines regresijos modelis duomenims nelabai tinka, tačiau svarbu suprasti, jog šie rodmenys atlieka tik pagalbinį vaidmenį.

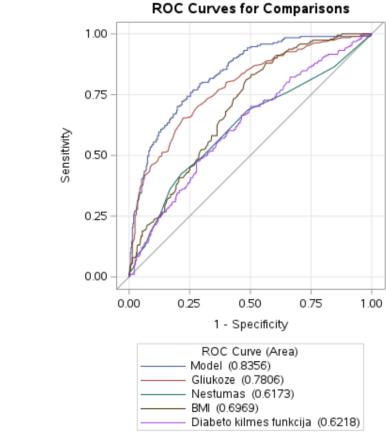
Porų suderinamumą galime patikrinti su Somerso D koeficientu.

9 lentelė. Somerso D koeficientas

Association of Predicted Probabilities and Observed Responses						
Percent Concordant	83.6	Somers' D	0.671			

Matome, jog suderintų porų yra 83.6%, o Somerso D=0.671, abu rodmenys, rodo pakankamai gera modelio tinkamumą duomenims.

Dabar galime palyginti ROC kreives.



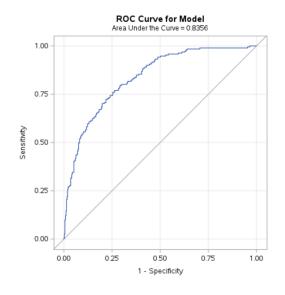
Kaip matome, didžiausią plotą turi gliukozės kreivė, o mažiausią – diabeto kilmės funkcija.

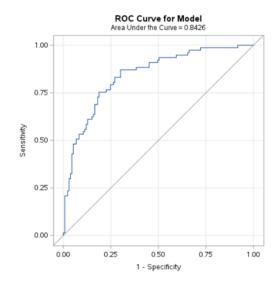
Sudarytas modelis atrodo taip:

11 pav. Palyginamosios ROC kreivės

$$\ln\left(\frac{\frac{P(pacientas\,serga)}{P(pacientas\,neserga)}}\right) = -8.9560 + 0.1262 * Nėštumas + 0.0325 * Gliukozė + 0.0992 * BMI + 0.9590 * Diabeto atsiradimo funkcija.$$

Gautos ROC kreivės mokymų ir testinėje aibėje.



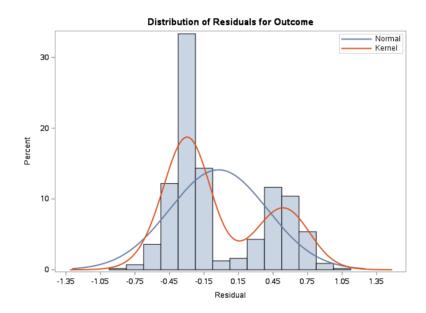


12 pav. Mokymosi aibės ROC kreivė

13 pav. Testavimo aibės ROC kreivė

#### **Probit modelis**

Dabar patikrinsime probit modelio prielaidas. Kadangi visos prielaidos identiškos kaip ir logit modelyje, tik prisideda viena papildoma – paklaidų normalumas, todėl tikrinsime tik šią vieną prielaidą.



14 pav. Histograma

Iš histogramos galime matyti, jog paklaidos nėra normalios, kad dar kartą įsitikinti, taikysime Shapiro-Wilk testą.

Tests for Normality								
Test	St	ue						
Shapiro-Wilk	W	0.962788	Pr < W	<0.0001				
Kolmogorov-Smirnov	D	0.107695	Pr > D	<0.0100				
Cramer-von Mises	W-Sq	1.596869	Pr > W-Sq	<0.0050				
Anderson-Darling	A-Sq	8.645683	Pr > A-Sq	<0.0050				

15 pav. Normalumo testo statistika

Šis testas taip pat patvirtina, jog paklaidos nėra normalios, o tai reiškia, kad analizei probit modelis nėra tinkamas.

#### 2.2 Binarinio atsako modelis naudojant R

Atliekant analizę su R buvo ištrinti stebėjimai tokie, kaip: kraujo spaudimas lygus 0, gliukozės kiekis lygus 0, KMI lygus 0, insulino kiekis lygus 0 ir odos storis lygus 0. Liko 392 stebėjimai. Likę duomenys buvo padalinti į testavimo ir mokymo aibes 30 : 70 santykiu. Pradinis logistinės regresijos modelis atrodė taip:

$$\ln \left( \frac{P(pacientas\ serga)}{P(pacientas\ neserga)} \right)$$

- =  $\beta_0 + \beta_1 \times n$ ėštumų skaičius +  $\beta_2 \times gliukoz$ ės koncentracija
- +  $\beta_3 \times kraujo \ spaudimas + \beta_4 \times insulino \ kiekis + \beta_5 \times odos \ storis$
- +  $\beta_6 \times KMI$  +  $\beta_7 \times diabeto$  atsiradimo funkcija +  $\beta_8 \times amžius$ .

Pradėjome nuo prielaidų tikrinimo. Modelyje neturi būti multikolinearumo.

11 lentelė. Multikolinearumo tyrimas

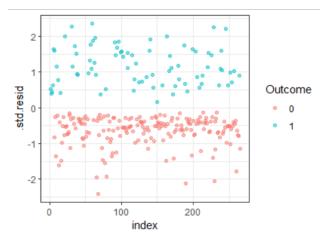
Pregnancies	Glucose	Blood	Skin	Insulin	BMI	Diabetes	Age
		pressure	thickness			pedigree	
						function	
1,974	1,367	1,199	1,667	1,397	1,836	1,017	2,124

Iš visų gautų koeficientų matome, jog nėra, nes neviršija 4.

Taip pat paklaidos turi būti nepriklausomos. Iš pradžių patikrinome hipotezę dėl autokoreliacijos.

 $\begin{cases} H_0 \text{: $n \dot{e}$ $ra $ autokoreliacijos $tarp $ paklaid$ $u$,} \\ H_1 \text{: $yra $ autokoreliacija}. \end{cases}$ 

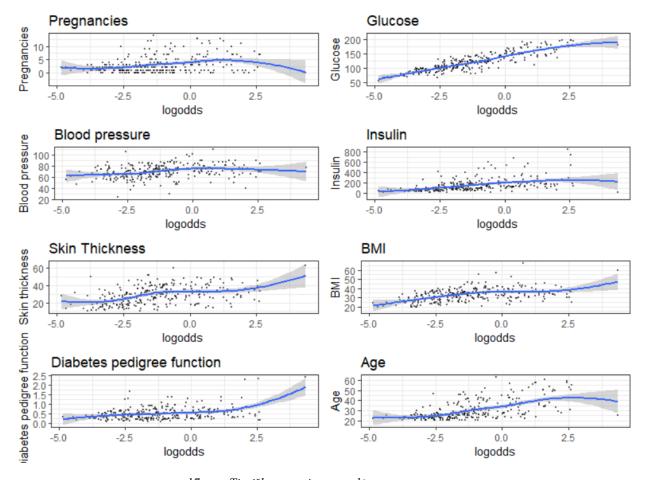
Hipotezę tikrinome naudodamiesi Durbin-Watson testu ir gavome, kad nulinės hipotezės negalime atmesti, nes p - reikšmė = 0.52 > 0.05 = reikšmingumo lygmuo.



16 pav. Standartizuotų liekanų paklaidų išsidėstymas

Taip pat iš pateikto paveiksliuko matome, jog standartizuotos paklaidos tarp sergančių ir nesergančių yra nepriklausomai pasiskirsčiusios.

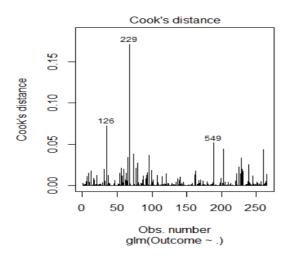
Toliau tikrinamas tiesiškumas tolydžiųjų kintamųjų atžvilgiu priklausomojo kintamojo.



17 pav. Tiesiškumo tyrimų panelė

Matome, kad tiesiškumo sąlyga beveik visomis kovariantėmis išpildyta. Diabeto atsiradimo funkcijai buvo taikytas logaritminis transformavimas, bet jis nepadėjo.

Taip pat patikriname ar duomenyse nėra išskirčių.



18 pav. Išskirčių tyrimas

Iš pateikto grafiko matome, kad išskirčių nėra, nes visos reikšmės mažesnės už 1.

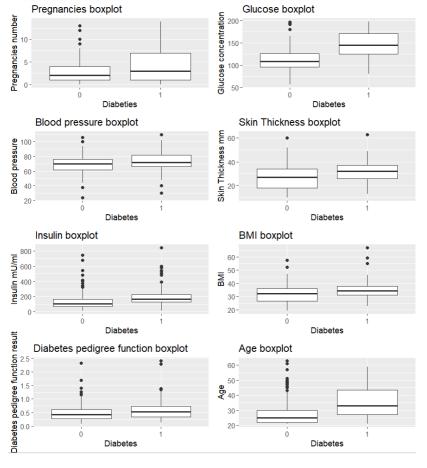
Dar reikia patikrinti, jog įvykio ar ne įvykio reikšmių būtų nemažiau nei 20 proc.

13 lentelė. Dažnių lentelė

Neserga	Serga
185	80

Nors ir matome iš lentelės, jog įvykių yra dvigubai mažiau nei ne įvykių, bet sąlyga yra išpildoma.

Toliau pareisime prie pirminės duomenų analizės – iš grafikų nuspręsime, ar sirgimas / nesirgimas diabetu atsiskiria pagal atskirus požymius.



19 pav. Stačiakampių diagramų panelė

Iš pateikto paveikslėlio matome, jog pagal gliukozę ir amžių geriausiai atsiskiria grupės serga / neserga cukriniu diabetu, o pagal kitas grupes beveik neatsiskiria.

Pereiname prie modelio konstravimo. Iš pradžių tikrinsime hipotezę:

$$H_0$$
:  $\beta_1 = \beta_2 = \beta_3 = \beta_4 = \beta_5 = \beta_6 = \beta_7 = \beta_8 = 0$   
 $H_1$ : bent viena lygybė neteisinga.

Hipotezę tikrinome pasinaudodami tikėtinumo santykio kriterijumi.

Analysis of Deviance Table

Gavome p – reikšmę  $< 2.2 \times 10^{-16}$ , tai priimame alternatyvą, turime bent vieną reikšmingą kovariantę.

#### Toliau taikėme pažingsninę regresiją.

```
Start: AIC=247.01
Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BloodPressure + SkinThickness +
    Insulin + BMI + DiabetesPedigreeFunction + Age
                         Df Deviance
- SkinThickness
                          1
                              229.03 245.03
- BloodPressure
                          1
                             229.32 245.32
- Pregnancies
                          1 229.50 245.50
- Insulin
                          1 230.07 246.07
                              229.01 247.01
<none>
- DiabetesPedigreeFunction 1 231.29 247.29
                          1 233.29 249.29
                          1
                             239.48 255.48
- Age
                          1 267.62 283.62
- Glucose
Step: AIC=245.02
Outcome ~ Pregnancies + Glucose + BloodPressure + Insulin + BMI +
    DiabetesPedigreeFunction + Age
                         Df Deviance AIC
- BloodPressure
                          1 229.34 243.34
- Pregnancies
                          1 229.52 243.52
- Insulin
                          1 230.08 244.08
                              229.03 245.03
<none>
- DiabetesPedigreeFunction 1 231.34 245.34
+ SkinThickness
                          1 229.01 247.01
                             236.04 250.04
- BMI
                          1
                             240.12 254.12
- Age
                          1
- Glucose
                          1 267.68 281.68
Step: AIC=243.34
Outcome ~ Pregnancies + Glucose + Insulin + BMI + DiabetesPedigreeFunction +
                         Df Deviance AIC
- Pregnancies
                          1 229.88 241.88
- Insulin
                          1 230.32 242.32
<none>
                              229.34 243.34
- DiabetesPedigreeFunction 1 231.86 243.86
+ BloodPressure
                          1 229.03 245.03
+ SkinThickness
                          1 229.32 245.32
                              236.15 248.15
- BMI
                          1
                             240.12 252.12
- Age
                          1
- Glucose
                          1 267.72 279.72
Step: AIC=241.88
Outcome ~ Glucose + Insulin + BMI + DiabetesPedigreeFunction + Age
                         Df Deviance AIC
                             230.81 240.81
- Insulin
                          1
                              229.88 241.88
<none>
- DiabetesPedigreeFunction 1 232.66 242.66
+ Pregnancies
                          1
                             229.34 243.34
                          1
                              229.52 243.52
+ BloodPressure
                         1 229.87 243.87
+ SkinThickness
- BMI
                         1 236.85 246.85
- Age
                          1 244.18 254.18
- Glucose
                         1 268.65 278.65
```

```
Step: AIC=240.81
Outcome ~ Glucose + BMI + DiabetesPedigreeFunction + Age
                         Df Deviance
<none>
                             230.81 240.81
                             233.47 241.47
- DiabetesPedigreeFunction 1
+ Insulin
                         1 229.88 241.88
+ Pregnancies
                         1 230.32 242.32
                          1 230.52 242.52
+ BloodPressure
+ SkinThickness
                          1 230.80 242.80
- BMI
                         1 237.00 245.00
                          1 244.99 252.99
- Age
                          1 275.17 283.17
- Glucose
Call: glm(formula = Outcome ~ Glucose + BMI + DiabetesPedigreeFunction + Age,
family = binomial(logit), data = train)
Coefficients:
                                         Glucose
            (Intercept)
                                                                      BMI
DiabetesPedigreeFunction
                                            Age
              -9.86471
                                         0.03629
                                                                 0.05956
0.81849
                        0.06126
Degrees of Freedom: 264 Total (i.e. Null); 260 Residual
Null Deviance:
                    324.6
Residual Deviance: 230.8 AIC: 240.8
```

Pažingsninė regresija paliko gliukozės kiekio, KMI rodiklio, diabeto atsiradimo funkcijos bei amžiaus kovariantes.

Dabar pasižiūrėsime gauto modelio santrauką.

```
Call:
glm(formula = Outcome ~ Glucose + BMI + DiabetesPedigreeFunction +
   Age, family = binomial(logit), data = train)
Deviance Residuals:
            1Q Median
                         30
-2.5743 -0.6501 -0.3739 0.6203
                                 2.3330
Coefficients:
                      Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
                      -9.864711 1.324754 -7.446 9.59e-14 ***
(Intercept)
                       Glucose
                                         2.444 0.014525 *
BMI
                       0.059561
                               0.024370
DiabetesPedigreeFunction 0.818489 0.515816 1.587 0.112561
                                 0.016736 3.661 0.000252 ***
                       0.061263
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 '' 1
(Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
   Null deviance: 324.60 on 264 degrees of freedom
Residual deviance: 230.81 on 260 degrees of freedom
AIC: 240.81
```

Matome, jog visos kovariantės yra statistiškai reikšmingos išskyrus diabeto atsiradimo funkciją, tačiau su šia kovariante turime mažesnį AIC rodiklį todėl paliksime kovariantę modelyje.

Taip pat matome, jog didėjant gliukozės kiekiui kraujyje, KMI rodikliui, diabeto atsiradimo funkcijos reikšmei bei amžiui didėja galimybė susirgti diabetu.

Kad galėtumėme interpretuoti detaliau kovariantes, kiekvienai kovariančių koeficiento reikšmei suskaičiavome eksponentę.

14 lentelė. Koeficiento eksponenčių reikšmės

Intercept	Glucose	BMI	Age	
$5,19 \times 10^{-5}$	1,04	1,06	1,06	

Iš pateiktos lentelės matome, jog didėjant gliukozės koncentracijai vienu vienetu 4 proc. labiau tikėtina, kad žmogus sirgs diabetu. Taip pat didinant KMI rodiklį vienu vienetu 6 proc. labiau tikėtina, kad žmogus sirgs cukriniu diabetu. Padidėjus amžiui 1 metais, 6 proc. labiau tikėtina, kad žmogus sirgs diabetu.

Kadangi diabeto atsiradimo funkcijos reikšmės yra iš intervalo (0,05;2,2), tai paskaičiuosime šiam regresoriui  $exp(0,05 \times koeficientas diabeto atsiradimo funkcijos)$ .

DiabetesPedigreeFunction 1.0417734

Tai padidinus šios funkcijos reikšmę per 0,05, 4 procentais bus labiau tikėtina, jog žmogus sirgs diabetu.

Apskaičiavome klasifikavimo lentelę mokymosi duomenims.

15 lentelė. Klasifikavimo lentelė mokymo duomenims

	1	0	
1	44	21	Jautrumas: 0,68
0	36	164	Specifiškumas: 0,55
	Tikslumas	Negative predictive	Bendras tikslumas:
	(precision): 0,55	<b>value</b> : 0,89	0,78

Matome, jog bendras tikslumas yra 0,78. Taip pat gerai atpažįsta nesergančius asmenis, kai iš tikrųjų jie neserga, tačiau modelio tikslumas (precision) yra ganėtinai nedidelis 0,55, t.y. kiek iš visų priskirtų sergančių asmenų yra tikrai sergantys.

Optimaliausio slenksčio radimui pasinaudojome Youdeno indekso skaičiavimo formule:

$$J = jautrumas + specifiškumas - 1,$$

nes jautrumas ir specifiškumas vienodai svarbūs. Pritaikius Youdeno metodą, gavome, jog optimaliausias slenkstis yra 0,28.

Sudaryta klasifikavimo matrica testavimo duomenims, naudojant slenktį 0,28.

16 lentelė. Klasifikavimo matrica testavimo duomenims

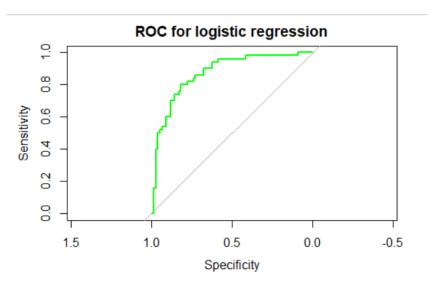
	1	0	
1	40	10	Jautrumas: 0,8
0	16	61	Specifiškumas: 0,79
	Tikslumas	Negative predictive	Bendras tikslumas:
	(precision): 0,71	<b>value</b> : 0,86	0,80

Iš klasifikavimo matricos matome, jog pagrindinėje įstrižainėje yra teisingai suklasifikuoti pacientų skaičiai. Matome, jog gerai atpažįsta sergančius ir nesergančius asmenis. Bendras tikslumas yra šiek tiek geresnis nei mokymo duomenims, t.y. per 0,02 didesnis.

 $F_1$  score gavome 0,75, kuris yra randamas pagal formulę:

$$F_{\beta} = \frac{(\beta + \beta^2) \times (precision * recall)}{(\beta^2 \times precision + recall)}, kur \beta \ gali \ b\bar{u}ti \ 0,5,1,2.$$

Mes naudojome  $\beta = 1$ , nes jautrumas ir tikslumas vienodai svarbūs.



20 pav. ROC kreivė

Matome paveikslėlyje ROC kreivę sudarytam modeliui, plotas po kreive yra 0,8706.

Gautas modelis atrodo taip:

$$\ln \left( \frac{P(pacientas\ serga)}{P(pacientas\ neserga)} \right)$$

 $= -9,864711 + 0,036294 \times gliukozės koncentracija + 0,059561 \times KMI$ 

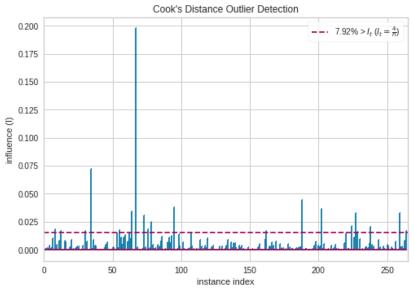
+ 0,818489  $\times$  diabeto atsiradimo funkcija + 0,061263  $\times$  amžius.

Jo AIC 240.81, determinacijos pseudokoeficientas 0,289, kuris gaunamas:

$$R^2 = 1 - \frac{\text{deviacija}}{\text{nulinė deviacija}}.$$

### 2.3 Binarinio atsako modelis naudojant Python

Pirmiausia, vizualiai patikriname ar nėra išskirčių. Naudojame Kuko matą.



21 pav. Kuko mato grafikas

Kadangi Kuko matas yra mažesnis už 1, galime teigti, jog išskirčių duomenyse nėra. Toliau tikriname multikolinearumą.

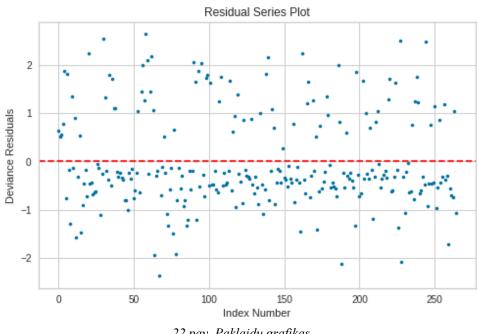
17 lentelė VIF kriterijus

Kovariantės	VIF
Nėštumas	1.96
Gliukozė	1.61

Kraujo spaudimas	1.25
Odos storis	1.9
Insulinas	1.52
BMI	1.99
Diabeto kilmės funkcija	1.07
Amžius	2.24

Iš lentelės matome, jog nei vienos kovariantės VIF kriterijus neviršija 4, todėl multikolinearumo problemos nėra.

Kad patikrinti paklaidų nepriklausomumą nubrėžiame grafiką ir taikome Durbin-Watson testą.



22 pav. Paklaidų grafikas

Iš grafiko matome, jog paklaidos yra nepriklausomos. Pritaikius Durbin - Watson testą, gauname, jog paklaidos nėra autokoreliuotos, nes statistika yra 1.98 (jei reikšmė apytiksliai lygi 2, autokoreliacijos nėra).

Parinkus pradinį logit modelį, matome, jog nereikšmingos kovariantės yra: nėštumas, kraujo spaudimas, odos storis, insulinas ir diabeto kilmės funkcija. Taigi, toliau atliekame pažingsninę regresiją.

Dep. Variable:	Outcome	No. Obser	vations:		265	
Model:	GLM	Df Residu	als:		256	
Model Family:	Binomial	Df Model:			8	
Link Function:	Logit	Scale:			1.0000	
Method:	IRLS	Log-Likel:	ihood:		-114.51	
Date: Sun,	05 Mar 2023	Deviance:			229.01	
Time:	14:24:24	Pearson c	hi2:		243.	
No. Iterations:		Pseudo R-	squ. (CS):		0.3028	
Covariance Type:	nonrobust					
=======================================	========	========	=======	=======		======
	coef	std err		P> z	[0.025	0.975]
Pregnancies	 -0.0477	0.068	-0.698	0.485	-0.182	0.086
Glucose	0.0400	0.007	5.603	0.000	0.026	0.054
BloodPressure	-0.0081	0.015	-0.556	0.578	-0.037	0.020
SkinThickness	0.0023	0.021	0.108	0.914	-0.040	0.044
Insulin	-0.0016	0.002	-1.029	0.304	-0.005	0.001
BMI	0.0666	0.032	2.053	0.040	0.003	0.130
DiabetesPedigreeFunction	0.7733	0.526	1.471	0.141	-0.257	1.803
Age	0.0750	0.024	3.086	0.002	0.027	0.123
const	-10.0528	1.511	-6.655	0.000	-13.014	-7.092

23 pav. Pirminis logit modelis

Šaliname odos storį. AIC = 245.02

	alized Linear Mo	del Regres	sion Results 			
 Dep. Variable:	Outcome	No. Obse	 rvations:		 551	
Model:	GLM	Df Resid	uals:		543	
Model Family:	Binomial	Df Model				
ink Function:	Logit	Scale:			1.0000	
Method:	IRLS	Log-Like	lihood:		-260.74	
Date: S	un, 05 Mar 2023	Deviance			521.49	
Time:	14:42:03	Pearson	chi2:		572.	
No. Iterations:		Pseudo R	-squ. (CS):		0.2912	
Covariance Type:	nonrobust					
	=========	=======	========	:=====:: 		
	coef	std err		P> z	[0.025	0.975]
regnancies	0.1051	0.037	2.848	0.004	0.033	0.177
	0.0336	0.004	7.924	0.000	0.025	0.042
Glucose	٥.٥٥٥	0.004	/ • 224			
Glucose GloodPressure	-0.0096					0.002
		0.006	-1.619	0.105	-0.021	
BloodPressure	-0.0096	0.006 0.001	-1.619 -1.231	0.105 0.218	-0.021 -0.003	0.001
BloodPressure Insulin	-0.0096 -0.0012 0.1071	0.006 0.001	-1.619 -1.231 5.984	0.105 0.218 0.000	-0.021 -0.003 0.072	0.001 0.142
BloodPressure Insulin BMI	-0.0096 -0.0012 0.1071	0.006 0.001 0.018 0.354	-1.619 -1.231 5.984 2.804	0.105 0.218 0.000 0.005	-0.021 -0.003 0.072 0.299	0.001 0.142 1.688

24 pav. Logit modelis pašalinus odos storį

Šaliname kraujo spaudimą. AIC = 243.34

Generalized Linear Model Regression Results						
Dep. Variable:	Outcome	No. Obsei	rvations:		265	
Model:	GLM	Df Resid	uals:		258	
Model Family:	Binomial	Df Model			6	
Link Function:	Logit	Scale:			1.0000	
Method:	IRLS	Log-Like	lihood:		-114.67	
Date: Sun,	05 Mar 2023	Deviance			229.34	
Time:	14:44:45	Pearson (	chi2:		241.	
No. Iterations:		Pseudo R	-squ. (CS):		0.3020	
Covariance Type:	nonrobust					
	coef	std err	z 	P> z	[0.025	0.975]
Pregnancies	-0.0501	0.068	-0.737	0.461	-0.183	0.083
Glucose	0.0394	0.007	5.612	0.000	0.026	0.053
Insulin	-0.0015	0.002	-0.990	0.322	-0.005	0.001
BMI	0.0642	0.025	2.547	0.011	0.015	0.114
DiabetesPedigreeFunction	0.7995	0.519	1.542	0.123	-0.217	1.816
Age	0.0733	0.023	3.137	0.002	0.028	0.119
const	-10.3691	1.414	-7.336	0.000	-13.140	-7.599
=======================================	========	=======			========	=======

25 pav. Logit modelis pašalinus kraujo spaudimą

# Šaliname nėštumą. AIC = 241.88

Dep. Variable:	Outcome	No. Obser	rvations:		265	
Model:	GLM	Df Resid	uals:		259	
Model Family:	Binomial	Df Model:				
Link Function:	Logit	Scale:			1.0000	
Method:	IRLS	Log-Like	lihood:		-114.94	
Date: Sun,	05 Mar 2023	Deviance			229.88	
Time:	14:46:54	Pearson o	chi2:		240.	
No. Iterations:		Pseudo R	-squ. (CS):		0.3005	
Covariance Type:	nonrobust					
	coef	std err	z	P> z	[0.025	0.975]
Glucose	0.0394	0.007	5.641	0.000	0.026	0.053
Insulin	-0.0015	0.002	-0.963	0.336	-0.004	0.002
BMI	0.0649	0.025	2.578	0.010	0.016	0.114
DiabetesPedigreeFunction	0.8355	0.516	1.618	0.106	-0.177	1.848
Age	0.0616	0.017	3.677	0.000	0.029	0.094
const	-10.2167	1.392	-7.340	0.000	-12.945	-7.489

26 pav. Logit modelis pašalinus nėštumą

## Šaliname insuliną. AIC = 240.80

	=======================================			:======:	======	
Dep. Variable:	Outcome	No. Obse	rvations:		265	
Model:	GLM	Df Resid	uals:		260	
Model Family:	Binomial	Df Model			4	
Link Function:	Logit	Scale:			1.0000	
Method:	IRLS	Log-Like	lihood:		-115.40	
Date:	Sun, 05 Mar 2023	Deviance			230.81	
Time:	14:47:44	Pearson	chi2:		251.	
No. Iterations:	5	Pseudo R	-squ. (CS):		0.2981	
Covariance Type:	nonrobust					
===========	coef	std err	z	P> z	[0.025	 0.975]
Glucose	0.0363	0.006	5.954	0.000	0.024	0.048
BMI	0.0596	0.024	2.444	0.015	0.012	0.107
DiabetesPedigreeFun	ction 0.8185	0.516	1.587	0.113	-0.192	1.829
Age	0.0613	0.017	3.661	0.000	0.028	0.094
const	-9.8647	1.325	-7.446	0.000	-12.461	-7.268

27 pav. Logit modelis pašalinus insuliną

Pašalinus diabeto kilmės funkciją AIC reikšmė padidėja (241.47), todėl šią kovariantę modelyje paliekame. Taigi, reikšmingos kovariantės yra: gliukozė, KMI, diabeto kilmės funkcija ir amžius. Toliau skaičiuojame kovariančių koeficientų eksponentes.

Intercept: 5.197748052553491e-05
Glucose: 1.0369668898990494

BMI: 1.06141189686234

DiabetesPedigreeFunction: 1.0417739695676995

Age: 1.063217831696686

28 pav. Kovariančių koeficientų eksponentės

Didėjant gliukozės koncentracijai ir diabeto atsiradimo funkcijai vienu vienetu 4 proc. labiau tikėtina, kad žmogus sirgs diabetu. Taip pat didinant KMI ir amžiaus rodiklį vienu vienetu 6 proc. labiau tikėtina, kad žmogus sirgs cukriniu diabetu.

Galiausiai pasižiūrime klasifikavimo lentelę testiniams duomenims ir taip pat nubrėžiame ROC kreivę.

24 lentelė. Klasifikavimo lentelė

	1	0
1	69	8
0	20	30

Jautrumas: 0.8961038961038961

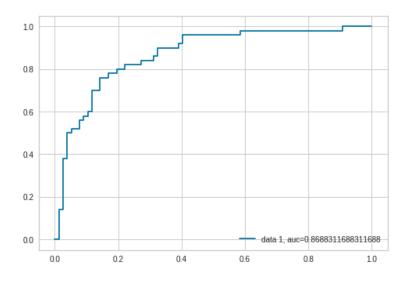
Specifiškumas: 0.6

Tikslumas: 0.7752808988764045

Neigiama prognozuojama reikšmė: 0.7894736842105263

Bendras tikslumas: 0.7795275590551181

29 pav. Kiti tikslumo rodikliai



30 pav. ROC kreivė

Iš tikslumo rodiklių, tokių kaip jautrumas, specifiškumas ir kt. ir ROC kreivės galime teigti, jog binarinio atsako modelis yra tinkamas šiems duomenims.

### 3. IŠVADOS

#### 3.1 SAS išvados, kai duomenys nebuvo išfiltruoti

Atlikus pradinę analizę buvo pastebėta, jog moterų, sergančiu diabetu, visi rodikliai yra aukštesni, negu tų, kurios neserga diabetu, tačiau atlikus analizę su nepašalintomis nulinėmis reikšmėmis, buvo gauta, jog ne visi regresoriai yra reikšmingi ir gautas logistinės regresijos modelis atrodo taip:

```
\ln \left( \frac{P(pacientas\ serga)}{P(pacientas\ neserga)} \right)
= -8.9560\ +\ 0.1262\ \times\ N\dot{e}\check{s}tumas\ +\ 0.0325\ \times\ Gliukoz\dot{e}
+\ 0.0992\ \times\ BMI\ +\ 0.9590\ \times\ Diabeto\ atsiradimo\ funkcija\ .
```

Tai rodo, jog diabeto susirgimui daro įtaką nėštumų skaičius, gliukozės kiekis, BMI ir diabeto atsiradimo funkcija.

Gautas AUC lygus 0.8426.

Bandant atlikti analizę su probit modeliu, buvo pastebėta, jog duomenys neatitinka šio modelio prielaidų, todėl tolimesnės analizės nebuvo galima atlikti.

#### 3.2 R ir Python išvados, kai duomenys buvo išfiltruoti

Pradinis nagrinėtas logistinės regresijos modelis atrodė taip:

Rezultatas serga ar neserga

```
= \beta_0 + \beta_1 \times n \dot{e} \dot{s} tum \dot{u} skai \dot{c} ius + \beta_2 \times g liukoz \dot{e} s koncentracija \\ + \beta_3 \times kraujo spaudimas + \beta_4 \times insulino kiekis + \beta_5 \times odos storis \\ + \beta_6 \times KMI + \beta_7 \times diabeto atsiradimo funkcija + \beta_8 \times am \dot{z} ius.
```

Pašalinus nereikšmingas kovariantes galutinis modelis atrodo taip:

 $\ln \left( \frac{P(pacientas\ serga)}{P(pacientas\ neserga)} \right)$ 

- $= -9,864711 + 0,036294 \times gliukozės koncentracija + 0,059561 \times KMI$
- + 0,818489  $\times$  diabeto atsiradimo funkcija + 0,061263  $\times$  amžius.

Jo AIC 240.81, determinacijos pseudokoeficientas 0,289.

Didėjant gliukozės kiekiui kraujyje, KMI rodikliui, diabeto atsiradimo funkcijos reikšmei bei amžiui didėja galimybė susirgti diabetu. Didėjant gliukozės koncentracijai vienu vienetu 4 proc. labiau tikėtina, kad žmogus sirgs diabetu. Taip pat didinant KMI rodiklį vienu vienetu 6 proc. labiau tikėtina, kad žmogus sirgs cukriniu diabetu. Padidėjus amžiui 1 metais, 6 proc. labiau tikėtina, kad žmogus sirgs diabetu. Tai padidinus šios funkcijos reikšmę per 0,05, 4 procentais bus labiau tikėtina, jog žmogus sirgs diabetu.

Buvo rastas optimaliausias slenkstis, pasinaudojus Youden metodu: 0,28.

Bendras klasifikavimo tikslumas testavimo duomenims yra 0,8. F-1 score - 0,75, plotas po ROC kreive 0,8706. Iš visų rodiklių galime teigti, jog logistinės regresijos modelis tinka duomenims.