	': K <mark>RN</mark>		GASC		VSE		d / I D C	DTTS	44,18 Genes (RefSe PRLGLTS	q, GenBank, ( LINYIQK	CCDS, Rfam, tF	,185,350 RNAs & Co	omparativ		i,185,400	\ <del>- &lt; &lt; &lt; &lt; </del>	<del>&lt; &lt; &lt; &lt; &lt; </del>	44,	185,450	<del></del>	
							/ I DC	DTTS	PRLGLTS PRLGLTS ACA Box snoR	LINYIQK lincRNA NAs, scaRNA		NAs from s		ase and miR	Base	· · · · · · ·	<del>&lt;&lt;&lt;&lt;</del>	:	<del></del>	<del></del>	
CTR149	-	_ =	1.				- <b>-</b>	-   -	_		G merge methyl G merge methyl			İ	==	=					
CTR151	-	_=	• E		- I	 	 	-   + -   +			G merge methyl			-	-5	-	=	-		-	-
CTR153	-	_ =		. A	- <b>-</b>	. <b>-</b> -	 - •	<b>-</b> -			G merge methyl  — — — G merge methyl						-	_		_	-
CTR154 CTR84			s Is	• _a						CTR84 CpG	merge methyla	ation level			■_	=	-	-		-	-
CTR85	-	_ =		1 4 1 4			- •	-			merge methyla  merge methyla  merge methyla		-	-	■_	-	-	-		_	-
CTR97 CTR98	-	<b>=</b> -			•		 				merge methyla merge methyla					-	-	_ _	==	_ _	-
CTR101	-	 1 h	4.	1				-   +	-   -		G merge methyl	1		-		-	_	-		-	-
CTR104	-	<b>- -</b>	<b>I</b> _	. A		 - <b></b> 1	 <b>I</b> -	- -			G merge methyl G merge methyl	_		- <b>-</b>	-	- <b>I</b>	-	-		-	-
CTR106 CTR107	_	 - =	- I I •	1 _1 1 _a	• -	. ==				CTR107 CpC	3 merge methyl	lation level			_	-				_	-
CTR108	-			1 <b>-</b>						CTR110 CpC	3 merge methyl  3 merge methyl	_ lation level			=	_	_	_	_		
CTR132 CTR134	ı										G merge methyl										
CTR148 CTR111		- =	-=					-   -			G merge methyl G merge methyl						<del>-</del>	-		_	
CTR113	-	_=							-		 3 merge methyl 3 merge methyl		-	-		-	-	-		- -	-
CTR117								-			G merge methyl G merge methyl					_	-	-		_	-
CTR118 CTR126	=	_			-		_ ■	_		CTR126 CpC	3 merge methyl	lation level									
CTR127 CTR128							_				3 merge methyl 3 merge methyl										
CTR129 CTR131											G merge methyl					I				-	-
AT BS 03	•		lı	1 🖬		. ┺_		■ _ BI			ulfite-Seq Dono	_	<b>.</b> _   _			_	-	-	_=	-	_
AL BS 3 11 Aorta BS 03		• •					-   -		_		Seq Donor STL				11				.1		
Esophagus BS 03 FML BS 96 66		ä		i 🕳			BIF	etal Mı			rite-Seq Donor s	_	1		se 9				 •-		-
FML BS 96 66 FT BS 43 65			••	1 J					 Γhymus Bisulfi	te-Seq Donor	UW H24943 Lil	_ brary WGE	BS_Lib 65	EA Release							
Gastric BS 03		• •	ļ	الم أ		ı L.					e-Seq Donor ST	_				-					
LV BS 03	-	- •				 - <b>-</b>	-   •   -   •				Ifite-Seq Donor										-
Lung BS 02 Ovary BS 02	•	•		1 4			• -				Seq Donor STL	_				-			_=		
Pancreas BS 03	•	•				i ki					te-Seq Donor S		• <b>-</b> -	. •					 - <b>=</b>		
PM BS 03			I.	14		L.	<u>-                                     </u>				■ fite-Seq Donor										
RV BS 03	-			15	-  -	. <b>L</b> 1	• •				ulfite-Seq Dono										
SC BS 01 SC BS 03		••	.,	lu I-		la.		-			ulfite-Seq Dono	_	1	. [	III	-					
SI BS 01	•		11	1			• •				ulfite-Seq Dono					<mark>=</mark>					
Spleen BS 03 Thymus BS 01		••	1.	14							e-Seq Donor ST	_	<b>.</b> .								
Brain Methyl 2						. =1					ion in brain tiss								=		+
Kidney Methyl 2 Placenta1 Methyl 2						111			DNA meth	ylation in plac	centa (biologica	l replicate	1) (bigWig								
Placenta2 Methyl 2 Placenta3 Methyl 2	-	1 -			-					ylation in plac	centa (biologica centa (biologica							-		_	=
Cerebellum			- I	11		111.				Humar	n_Cerebellum_N	Meth						-	=   =	-	-
Kidney										Hum	an_NKcells_Me	eth									
Sperm NormalPancreas1										Human_N	nan_Sperm_Me	1_Meth									
NormalPancreas2											ormalPancreas man_93A_Meth			•	•						
93N Epidermis-old-sun-ex	X			1		1. 1				luman_Epider	man_93N_Meth		th								
Epidermis-old-sun-pi	rc	-11	11	111		111				uman_Epider	mis-old-sun-pro			1	11	-		-			
Epidermis-young-sur	-			1		11.1	+ + + + + + + + + + + + + + + + + + + +			man_Epiderm	is-young-sun-pan_Buccals_Me	rotected_M		•	1	-	-				
Buccals Sperm	-			1.11		11.				Hum	nan_Sperm_Me	th									
BloodHealthy CD4T-100yr				1 11						lomes from D	BloodHealthy_	leyn 2012									
CD4T-Newborn PBMC				, , , ,			Distinct				erent Ages, He										
CD133HSC		-				1.	Cha	anges in			em Cells, Hodge			D133HSC_M	leth						
NK BCell	-			1							2015 : Human_N			-	-		-				
CD133HSC	-	-		1 1.1						Human	n_CD133HSC_N	Meth									
HSPC Neut	-									Hur	man_Neut_Metl	h _									
H1BMP4		11							-	Huma	uman_H1_Meth	eth									
H1-mesendoderm	-										1-mesendoderr										
Mesenchymal	+	11		1.11		11 -					Mesenchymal_ nan_IMR90_Me							-			
IMR90 BS 1a	-					IMR90	Cell Li	ne DNA	Methylation b		q Signal from R		CD (Library	r:methylC-se	eq_imr90	_r1a) _		-		+	-
BloodALLL2 BloodALLL1	-			1						Human	_BloodALLL1_I	Meth	-								
IMR90 MCF7	<u></u>	11		1 111						Hum	nan_IMR90_Me	th									
ColonCancer ColonCancer		11	11	1 111	focal [						ation in colorect						Meth				
HCC1954 HepG2		1		i iii		111			Human Br		Hon 2012 : Hur an_HepG2_Me		1954_Met	h	11				Ц		
PancreaticCancer1 PancreaticCancer2	-	1				111					ancreaticCance										
PancreaticCancer3						Ш				Human_Pa	ancreaticCance	r3_Meth									
PancreaticCancer4 PancreaticCancer5										Human_Pa	ancreaticCance ancreaticCance	r5_Meth									
PancreaticCancer6 PancreaticCancer7	H	11				111					ancreaticCance				11						
PancreaticCancer8 PancreaticCancer9						11					ancreaticCance										
PancreaticCancer10 PancreaticCancer11		Ш		1111		11 1					ncreaticCancer										
Layered H3K27Ac										nd Near Active	e Regulatory El	lements) or									
Layered H3K4Me1 Layered H3K4Me3							НЗ				egulatory Elem ear Promoters)				T"						
DNase Clusters							Tran				sters in 125 cell				lotifs						
Txn Factor Chlf LNG.IMR90 LNG.IMR90	0										I tracks from R										
Restr Enzymee Bos GCP Ovis GCP	<										Enzymes from I			<del>&lt;&lt;&lt;&lt;&lt;&lt;</del>	: < < < < <	· · · · · · ·	<<<<<	:	· · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	: • • • •
Rattus Gol Rattus Gol Rattus Gol	k k k											· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		
Mus Gol Mus Gol Xenopus gck.l Felis GCl Danio gol	k L <										<del>***</del>	. <del> </del>	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	. <del> </del>		· <del>· · · · · ·</del>	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
Danio gol Cynoglo gol Xenopus gol Oncorhy gl	k k								libbe-	annotation	f RefSeq RNAs	(NM)	d NP	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	··· <del>····</del>	······································	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	······································		
GCH GCH GCH GCH	<b>Κ</b>								UUSC	otations o	oey KNAs	, sivi_ ani	- 1415_*)			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	<<<<><<<<><<<<<><<<<<><<<<<><<<<<><<<<><<<<		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	<	
GCH GCH GCH GCH	K K									glocal last	de - 222			**************************************	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		**************************************			<del>~~~~</del>	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
CpG: 86 4 _ Mammal Cons	6	ماداته	اروالا			الدراط		المالية			ds < 300 Bases Basewise Conse				γ		• • • •				B D
-4 _ Rhesu: Mouse	e		Tr. Carlo							Multiz Align	ments of 46 Ve	ertebrates			, —					1 7	441
Dog Elephan Opossun Chicker	g nt n					TT		Mi				Win									
X_tropicalis Zebrafisl RepeatMaske	s h			r. n L					<u> </u>	Repeating El	ements by Rep	eatMasker									