

JeBiF@JOBIM2024

24 juin	9 h - 9 h 30	Introduction	Accueil des participant.e.s Présentation de la Société Française de Bioinformatique Présentation du workshop
	Au cours de cette première partie, nous allons vous présenter les outils permettant d’assurer la reproductibilité des analyses bio-informatique.		
	9 h 30 – 10 h 30	Concepts clés de la reproductibilité – Partie 1	Git, Un outil pour le contrôle des versions Apprendre l’utilisation de Git
	10 h 30 – 10 h 45	Pause	
	10 h 45 – 11 h 45	Concepts clés de la reproductibilité – Partie 2	Conda et Mamba pour le partage du code
	11 h 45 – 13 h 30	Repas	
	13 h 30 – 14 h 30	Concepts clés de la reproductibilité – Partie 3	Construire des pipelines reproductibles et modulables, utiliser Nextflow et Snakemake pour l’analyse des données.
	14 h 30 – 15 h 30	Concepts clés de la reproductibilité – Partie 4	Ça sert à quoi les conteneurs ? Introduction à Docker
	15 h 30 – 15 h 45	Pause	
	Dans la deuxième partie, venez mettre en application tout ce que vous aurez appris, au cours d’un projet.		
	15 h 45 – 16 h 00	Présentation du projet	
	16 h 00 – 18 h 00	À vos marques, prêt, codez	
	18 h 30	JeBiF Pub	Social event

25 juin	9 h 00 – 11 h 45	C'est reparti pour coder	
	11 h 45 – 12 h 00	Mot de la fin	Remerciement Présentation de JeBiF
	12 h 00 – 12 h 45	Repas	
	12 h 45	En route pour JOBIM	Départ groupé pour JOBIM.