

Shuyang XU

4年生物信息分析工程师 / 研发工程师工作经历，现主要负责新业务线分析流程开发与维护。开发了10x单细胞转录组、三代全长转录组等流程

Tel : +86-13570430529

Email : xsyxushuyang@gmail.com

GitHub : <https://github.com/ShuyangXu>

教育背景

- 2011.09 - 2016.06 **中山大学** 本科
 - 2015.09 - 2016.06 **信息与计算科学** 数学学院
 - 毕业课题：《真核细胞随机转录模型构建及转录模拟》
 - 2011.09 - 2015.06 **生物技术** 生命科学学院
 - 毕业课题：《布氏锥虫骨架蛋白单克隆抗体M3-85的制备与功能研究》

工作经历

- 2016.06 - 至今 **广州基迪奥生物技术有限公司** 生物信息分析工程师 / 研发工程师
 - 2018.12 - 至今 生信研发组 组员
从头开发维护单细胞VDJ、单细胞ATAC、m6A表观组、空间转录组等流程；负责疑难分析项目
 - 2017.10 - 2018.12 流程执行组 组长
根据分析需求完成分析；管理小组4人、培训新人2人；从头开发维护三代全长转录组、单细胞转录组、细胞轨迹分析、ceRNA分析等流程
 - 2016.06 - 2017.10 流程执行组 组员
根据分析需求完成分析；从头开发维护质控报告、原核转录组、GSEA等流程

技术

- 工作语言：Perl、R
- 技术环境：Linux、R (RStudio)
- 其他：HTML、Markdown、git

项目经验

有参RNA-seq (100项目)、无参RNA-seq (24项目)、LncRNA-seq (42项目)、smallRNA-seq (27项目)、三代全长转录组 (27项目)、10x单细胞测序 (71项目)、个性分析项目 (42项目)

开发流程

流程	发布时间	维护
原核转录组	2017.09	至2018.08
三代全长转录组 Iso-Seq	2017.10	至今
m6A表观组 m6A RIP-seq	2019.09	至今
10x单细胞相关	单细胞转录组 scRNA-seq	2018.05 至今
	细胞轨迹分析 Trajectory	2018.10 至今
	单细胞VDJ scVDJ	2018.12 至今
	单细胞ATAC scATAC-seq	2019.04 至今
	单细胞在线报告 后台程序	2019.12 至今
	空间转录组 Visium spatial	2020.05 至今
其它补充流程	ceRNA、GSEA、GSVA、SCIENIC ...	

软件著作权

- Filter_FQ的交互软件 2017SR658807 （转授公司）
- 一种绘制基因GO注释及分类图像软件 2017SR658094 （转授公司）

分享/教程

- ggplot_guts https://shuyangxu.github.io/ggplot_guts/Chapter1.index.html （2020.07）
- 组织10x单细胞转录组学习小组 （2018.06）
- 基础数据结构简介 （2017.11）

工作所得荣誉

- 2018年度**优秀员工**
- 2017年度**优秀员工**
- 2016年度**优秀新人**