

Title: "Production Tool Life Analysis (Standzeit)"

author: "Siamak Goudarzi"

date: "2026-01-15"

output: pdf_document

Zielstellung

Dataset

Schritt 1: Daten laden

Schritt 2: Descriptive Statistics

2.1. Diagram: Erstellung eines Boxplots

Boxplot: ~ Variante.1 + Variante.2 + Variante.3 + Variante.4

Interpretation des Boxplots

2.2. Kennzahlen: Ausgewählte Kennzahlen

Zusammenfassungen für numerische Variablen: DS_Standzeiten

Interpretation der Ergebnisse

Schritt 3: Überprüfung der Testvoraussetzungen

Test auf Normalverteilung: ~Variante.1

Interpretation des Shapiro-Wilk-Tests

Schritt 4: Homogenität der Varianzen

4.1. Stapel

4.2. Durchführung des Bartlett-Tests

Bartlett's Test: variable ~ factor

Interpretation des Bartlett-Tests

Strategieänderung:

Schritt 5: Durchführung des Kruskal-Wallis-TestsHypothesentests

Kruskal-Wallis Rangsummentest: variable ~ factor

Interpretation des Kruskal-Wallis-Tests

Schritt 6: Post-hoc-Analyse (paarweise Vergleiche)

Interpretation der paarweisen Vergleiche

Schritt 7: Vergleich zwischen Variante 1 und Variante 4 (abhängige Messungen)

Paired t-Test: Variante.1, Variante.4

Interpretation des gepaarten t-Tests

Schritt 8: Direkter Vergleich der Favoriten (V3 vs. V4)

Title: "Production Tool Life Analysis (Standzeit)"

author: "Siamak Goudarzi"

date: "2026-01-15"

output: pdf_document

Zielstellung

Ziel dieser Analyse ist der Vergleich der vier Produktionsvarianten, um die beste Option mit der längsten Standzeit zu identifizieren. Dabei wird geprüft, ob die Unterschiede zwischen den Varianten statistisch signifikant (systematisch) oder lediglich zufällig sind.

Dataset

Variante 1: Aktueller Produktionszustand (Referenz).

Variante 2 und 3: Neue und voneinander unabhängige Lösungsansätze.

Variante 4: Veränderung der Produktionsgeschwindigkeit (abhängig von Variante 1).

Schritt 1: Daten laden

```
> DS_Standzeiten <- readXL("Daten_KW03.xlsx",  
+   rownames=FALSE, header=TRUE, na="", sheet="3_Standzeiten",  
+   stringsAsFactors=TRUE)
```

Error:
! `path` does not exist: 'Daten_KW03.xlsx'

Schritt 2: Descriptive Statistics

2.1. Diagramm:

Erstellung eines vergleichenden Boxplots für alle vier Varianten.

Dieses Diagramm zeigt, welche Variante tendenziell höhere Standzeiten aufweist und ob Ausreißer vorhanden sind.

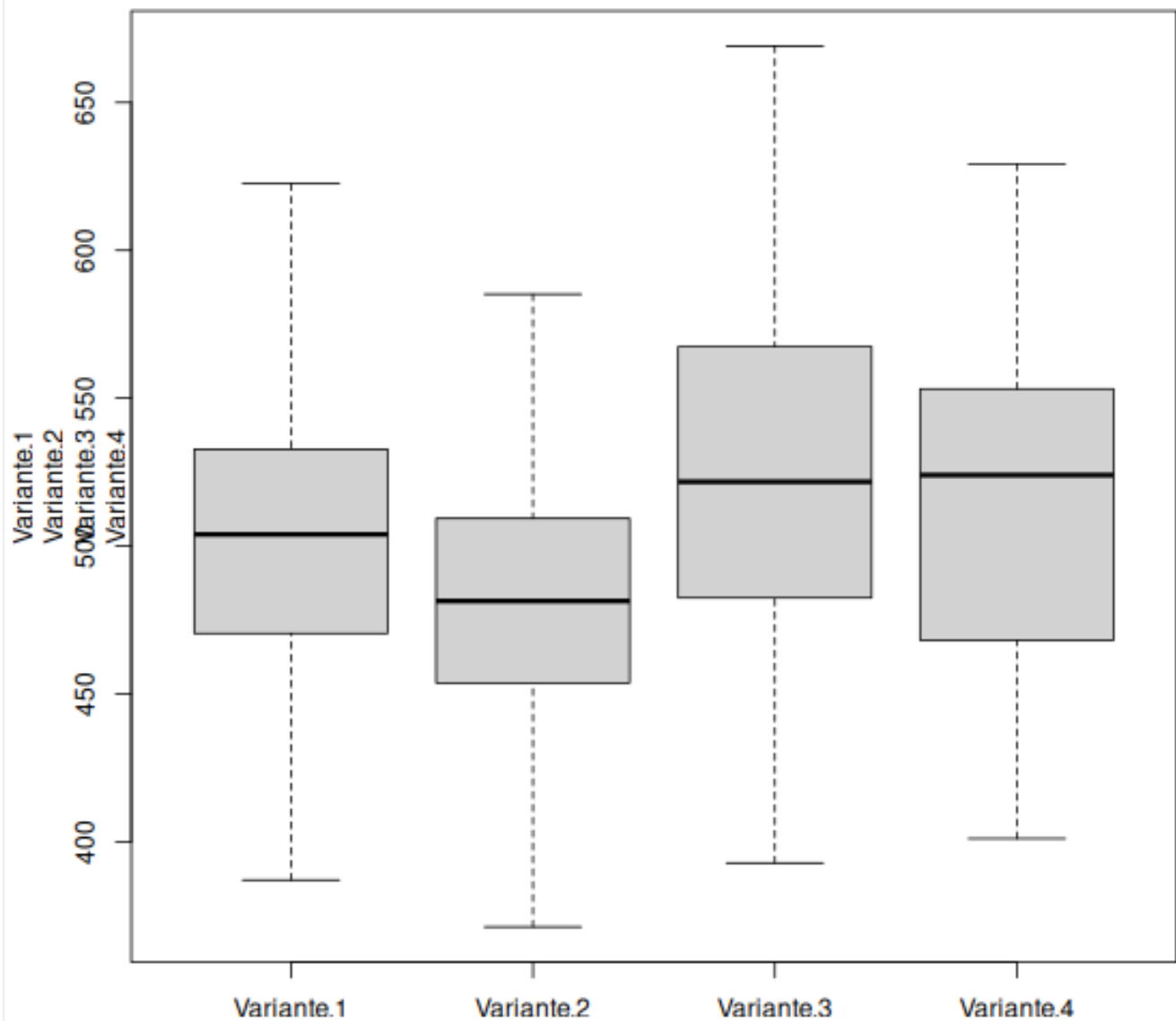
2.2. Kennzahlen:

Berechnung von Mittelwert, Standardabweichung und Median für jede Gruppe

2.1. Diagramm: Erstellung eines Boxplots

Boxplot: ~ Variante.1 + Variante.2 + Variante.3 + Variante.4

```
> Boxplot( ~ Variante.1 + Variante.2 + Variante.3 + Variante.4,
+ data=DS_Standzeiten, id=list(method="y"))
```



plot of chunk unnamed-chunk-3

```
> library(abind, pos=17)
```

```
> library(e1071, pos=18)
```

Interpretation des Boxplots

Bei der Betrachtung des Boxplots lassen sich folgende Beobachtungen machen:

Variante 3:

Diese Variante zeigt das insgesamt höchste Niveau im Diagramm. Sowohl die Box als auch der Median liegen deutlich über den Werten der Varianten 1 und 2.

Die Box liegt zudem höher als die von Variante 4, während der Median auf einem ähnlichen Niveau wie bei Variante 4 liegt. Dies deutet darauf hin, dass Variante 3 vermutlich die längste Standzeit aufweist.

Varianten 1 und 4:

Diese beiden Varianten zeigen eine ähnliche Verteilung. Ihre Medianwerte liegen auf einem vergleichbaren Niveau.

Variante 2:

Diese Variante besitzt den niedrigsten Median, und die Box liegt insgesamt unterhalb der anderen Gruppen.

Ausreißer:

Es sind keine offensichtlichen Ausreißer erkennbar; alle Werte befinden sich innerhalb der Whisker.

2.2. Kennzahlen: Ausgewählte Kennzahlen

Um die obige visuelle Analyse numerisch zu beweisen, führen wir nun folgende Berechnungen durch.

Zusammenfassungen für numerische Variablen: DS_Standzeiten

```
> numSummary(DS_Standzeiten[,c("Variante.1", "Variante.2", "Variante.3",
+ "Variante.4"), drop=FALSE], statistics=c("mean", "sd", "IQR", "quantiles",
+ "skewness", "kurtosis"), quantiles=c(0, .25, .5, .75, 1), type="2")
```

	mean	sd	IQR	skewness	kurtosis	0%	25%
Variante.1	500.5636	50.68195	62.2575	-0.03022187	-0.2724169	387.13	470.3275
Variante.2	483.7909	42.60814	55.5625	0.21347732	0.2210489	371.27	453.9000
Variante.3	523.3722	60.01562	84.6350	0.05897892	-0.4137648	392.88	482.8875
Variante.4	515.8434	55.61812	84.5800	0.12414175	-0.7924684	401.12	468.4375
	50%	75%	100%	n	NA		
Variante.1	501.110	532.5850	622.52	100	0		
Variante.2	482.730	509.4625	585.19	100	0		

```
Variante.3 521.775 567.5225 669.06 100 0
Variante.4 524.035 553.0175 629.26 98 2
```

Interpretation der Ergebnisse

1. Vergleich der Mittelwerte:

Variante 3 weist mit einem Mittelwert von 523,37 die höchste Standzeit auf.

Variante 4 folgt mit einem Mittelwert von 515,84 auf dem zweiten Platz.

Variante 1 (aktueller Zustand) erreicht einen Mittelwert von 500,56.

Variante 2 zeigt mit 483,79 die schwächste Leistung.

>> Vorläufiges Fazit:

Es deutet vieles darauf hin, dass Variante 3 die beste Option für eine mögliche Umstellung darstellt.

2. Datenstreuung (sd - Standardabweichung):

Die Standardabweichungen liegen zwischen 42 und 60.

Variante 3 weist mit einem Wert von 60 die größte Streuung auf.

3. Datensymmetrie (Schiefe):

Die Schiefewerte aller Gruppen liegen zwischen -0,5 und +0,5.

Dies weist auf eine weitgehend symmetrische Verteilung hin, die mit hoher Wahrscheinlichkeit einer Normalverteilung entspricht.

4. Fehlende Werte (NA):

In Variante 4 liegen zwei fehlende Werte vor (n = 98).

Aufgrund der relativ großen Stichprobengröße ist der Einfluss dieser fehlenden Daten gering und kann vernachlässigt werden.

Schritt 3: Überprüfung der Testvoraussetzungen

3.1. Normalität:

Durchführung des Shapiro-Wilk-Tests für alle vier Varianten

Hypothesen:

(H₀): Die Daten sind normalverteilt.

(H₁): Die Daten sind nicht normalverteilt.

3.2. Varianzhomogenität:

Durchführung des Bartlett-Tests, da die Varianzen der Gruppen 1, 2 und 3 miteinander verglichen werden sollen

Hypothesen:

(H₀): Die Varianzen der Gruppen sind gleich.

(H₁): Die Varianzen der Gruppen sind ungleich.

Test auf Normalverteilung: ~Variante.1

```
> normalityTest(~Variante.1, test="shapiro.test", data=DS_Standzeiten)
```

Shapiro-Wilk normality test

data: Variante.1
W = 0.99294, p-value = 0.8847

```
> normalityTest(~Variante.2, test="shapiro.test", data=DS_Standzeiten)
```

Shapiro-Wilk normality test

data: Variante.2
W = 0.98562, p-value = 0.3518

```
> normalityTest(~Variante.3, test="shapiro.test", data=DS_Standzeiten)
```

Shapiro-Wilk normality test

data: Variante.3
W = 0.99145, p-value = 0.7803

```
> normalityTest(~Variante.4, test="shapiro.test", data=DS_Standzeiten)
```

Shapiro-Wilk normality test

data: Variante.4

W = 0.97556, p-value = 0.06451

Interpretation des Shapiro-Wilk-Tests

Der p-Wert ist größer als 0,05, was bedeutet, dass wir keinen Grund haben, die Nullhypothese abzulehnen, und unsere Daten normalverteilt sind.

Variante 1: (p = 0,8847) – deutlich im normalen Bereich.

Variante 2: (p = 0,3518) – normalverteilt.

Variante 3: (p = 0,7803) – normalverteilt.

Variante 4: (p = 0,06451) – ebenfalls normalverteilt; der Wert liegt zwar nahe an der 0,05-Grenze, überschreitet sie jedoch noch.

>> Fazit:

Alle vier Varianten folgen einer Normalverteilung. Damit ist die Anwendung parametrischer Tests (z. B. ANOVA oder t-Test) zulässig.

Schritt 4: Homogenität der Varianzen

Die nächste Voraussetzung für die Durchführung einer ANOVA ist die Gleichheit der Varianzen zwischen den Gruppen.

Zur Überprüfung dieser Annahme wird der Bartlett-Test verwendet.

4.1. Stapel

4.2. Durchführung des Bartlett-Tests

Nullhypothese (H_0):

Die Varianzen der Gruppen sind gleich (Homogenität).

Alternativhypothese (H_1):

Mindestens zwei Gruppen weisen signifikant unterschiedliche Varianzen auf.

4.1. Stapel

```
> StackedData_Standzeiten <- stack(DS_Standzeiten[, c("Variante.1",  
+ "Variante.2", "Variante.3")])  
> names(StackedData_Standzeiten) <- c("variable", "factor")
```

4.2. Durchführung des Bartlett-Tests

Bartlett's Test: variable ~ factor

```
> Tapply(variable ~ factor, var, na.action=na.omit,  
+ data=StackedData_Standzeiten) # variances by group
```

Variante.1	Variante.2	Variante.3
2568.660	1815.453	3601.874

```
> bartlett.test(variable ~ factor, data=StackedData_Standzeiten)
```

Bartlett test of homogeneity of variances

data: variable by factor

Bartlett's K-squared = 11.438, df = 2, p-value = 0.003283

Interpretation des Bartlett-Tests

>> Fazit:

Der p-Wert beträgt 0,003283.

Da dieser Wert unter 0,05 liegt, wird die Nullhypothese verworfen.

Dies bedeutet, dass die Varianzen der Gruppen nicht gleich sind (Varianzheterogenität).

» Da der p-Wert (0,003) kleiner als 0,05 ist, liegt Varianzheterogenität vor. Daher ist eine Standard-ANOVA nicht zulässig, und wir verwenden den nichtparametrischen Kruskal-Wallis-Test.

Strategieänderung:

Wenn die Annahme der Varianzhomogenität nicht erfüllt ist, kann die Standard-ANOVA nicht angewendet werden.

In diesem Fall bieten sich zwei Möglichkeiten:

1. Anwendung des Welch-ANOVA-Tests
2. Anwendung des nichtparametrischen Kruskal-Wallis-Tests

Schritt 5: Durchführung des Kruskal-Wallis-TestsHypothesentests

In diesem Test gelten folgende Hypothesen:

(H₀): Die Medianwerte der Standzeiten sind in allen drei Varianten gleich.

(H₁): Mindestens zwei Varianten unterscheiden sich hinsichtlich ihrer Medianwerte signifikant.

Kruskal-Wallis Rangsummentest: variable ~ factor

```
> Tapply(variable ~ factor, median, na.action=na.omit,
+ data=StackedData_Standzeiten) # medians by group
```

Variante.1	Variante.2	Variante.3
501.110	482.730	521.775

```
> kruskal.test(variable ~ factor, data=StackedData_Standzeiten)
```

Kruskal-Wallis rank sum test

data: variable by factor

Kruskal-Wallis chi-squared = 25.289, df = 2, p-value = 0.000003226

Interpretation des Kruskal-Wallis-Tests

Ergebnis:

Der p-Wert beträgt 0,000003226.

Da dieser Wert deutlich unter 0,05 liegt, wird die Nullhypothese mit sehr hoher Sicherheit verworfen.

>> Schlussfolgerung:

Es besteht ein eindeutig signifikanter Unterschied zwischen den Varianten 1, 2 und 3.

Die Wahrscheinlichkeit, dass diese Unterschiede zufällig entstanden sind, ist nahezu gleich null.

Schritt 6: Post-hoc-Analyse (paarweise Vergleiche)

Der Kruskal-Wallis-Test zeigte lediglich, dass ein Unterschied besteht, aber er verriet uns nicht, welche Variante besser ist als welche.

Wir müssen paarweise Vergleiche durchführen.

>> Für die paarweisen Vergleiche wird die Bonferroni-Korrektur angewendet, um den Fehler bei multiplen Tests zu kontrollieren.

```
> pairwise.wilcox.test(StackedData_Standzeiten$variable,
+                       StackedData_Standzeiten$factor,
+                       p.adjust.method = "bonferroni")
```

Pairwise comparisons using Wilcoxon rank sum test with continuity correction

data: StackedData_Standzeiten\$variable and StackedData_Standzeiten\$factor

	Variante.1	Variante.2
Variante.2	0.027	-
Variante.3	0.022	0.000003

Interpretation der paarweisen Vergleiche

Die Tabelle zeigt die p-Werte der paarweisen Vergleiche. Ein p-Wert unter 0,05 weist auf einen signifikanten Unterschied zwischen den jeweiligen Varianten hin.

1. Variante 2 vs. Variante 1:

$$p = 0,027$$

Der Wert liegt unter 0,05, somit besteht ein signifikanter Unterschied. In Verbindung mit den zuvor berechneten Mittelwerten zeigt sich, dass Variante 2 schlechter abschneidet als Variante 1 (aktueller Zustand).

2. Variante 3 vs. Variante 2:

$$p = 0,000003$$

Der Unterschied ist hochsignifikant.

3. Variante 3 vs. Variante 1:

$$p = 0,022$$

Da der Wert unter 0,05 liegt, ist Variante 3 signifikant besser als Variante 1 (aktueller Zustand).

>> Zwischenfazit:

Unter den drei betrachteten Alternativen stellt Variante 3 die eindeutig beste Option dar.

Schritt 7: Vergleich zwischen Variante 1 und Variante 4 (abhängige Messungen)

Gemäß Aufgabenstellung handelt es sich bei Variante 4 um eine modifizierte Form von Variante 1 (lediglich mit veränderter Geschwindigkeit). Daher liegen abhängige Messungen vor. Für diesen Vergleich dürfen die zuvor verwendeten Tests nicht eingesetzt werden. Stattdessen ist ein Test für gepaarte Stichproben erforderlich – entweder der gepaarte t-Test (bei Normalverteilung) oder der Wilcoxon-Signed-Rank-Test (bei fehlender Normalverteilung).

Da in Schritt 3 gezeigt wurde, dass sowohl Variante 1 als auch Variante 4 normalverteilt sind (der p-Wert für Variante 4 beträgt 0,06 und liegt damit über der 0,05-Grenze), wird der gepaarte t-Test angewendet.

Paired t-Test: Variante.1, Variante.4

```
> with(DS_Standzeiten, (t.test(Variante.1, Variante.4,  
+   alternative='two.sided', conf.level=.95, paired=TRUE)))
```

Paired t-test

```
data: Variante.1 and Variante.4
t = -7.1622, df = 97, p-value = 1.543e-10
alternative hypothesis: true mean difference is not equal to 0
95 percent confidence interval:
 -19.02893 -10.77107
sample estimates:
mean difference
      -14.9
```

Interpretation des gepaarten t-Tests

In diesem Test wurde Variante 1 (aktueller Zustand) mit Variante 4 (geänderte Geschwindigkeit) verglichen.

p-Wert:

Der erhaltene p-Wert beträgt $(1,543 * 10^{-10})$ und liegt damit weit unter der 0,05-Grenze.

>> Ergebnis:

Der Unterschied zwischen Variante 1 und Variante 4 ist statistisch hochsignifikant.

Mittlere Differenz:

Die mittlere Differenz beträgt (-14,9). Dies bedeutet, dass der Mittelwert von Variante 1 rund 15 Einheiten niedriger liegt als jener von Variante 4.

Mit anderen Worten: Variante 4 weist eine signifikant höhere Standzeit auf als Variante 1.

Schritt 8: Direkter Vergleich der Favoriten (V3 vs. V4)

Um die absolut beste Option zu bestimmen, müssen wir prüfen, ob der numerische Vorsprung von Variante 3 gegenüber Variante 4 statistisch signifikant ist. Da beide unabhängig voneinander gemessen wurden, nutzen wir den Wilcoxon-Test.

```
wilcox.test(DS_Standzeiten$Variante.3, DS_Standzeiten$Variante.4)
```

```
# Interpretation:
```

Der p-Wert liegt bei 0,3516, was deutlich über 0,05 liegt.

Das bedeutet:

Es gibt keinen statistisch signifikanten Unterschied zwischen Variante 3 und Variante 4. Der beobachtete numerische Vorsprung von Variante 3 ist rein zufällig.

Der p-Wert liegt bei 0,3516, was deutlich über 0,05 ist.

Das bedeutet:

Es gibt keinen statistisch signifikanten Unterschied zwischen Variante 3 und Variante 4.

Der numerische Vorsprung von V3 ist rein zufällig.

```
# Zusammenfassung der Standzeiten
```

```
##
```

Sowohl Variante 3 als auch Variante 4 stellen eine signifikante Verbesserung gegenüber dem Ist-Zustand (Variante 1) dar.

Da der direkte Vergleich zwischen V3 und V4 jedoch keinen signifikanten Unterschied ergab ($p > 0,05$), sind beide Varianten statistisch als gleichwertig zu betrachten.

Empfehlung:

Aufgrund des höchsten absoluten Mittelwerts (523,37) und der Tatsache, dass Variante 3 völlig unabhängig von prozesstechnischen Änderungen (wie der Geschwindigkeit bei V4) umgesetzt werden kann, wird sie als optimale Lösung für das Unternehmen empfohlen.